

RÉPERTOIRE QUÉBÉCOIS ET SYSTÈME DE MESURE DES PROCÉDURES DE BIOLOGIE MÉDICALE

2025-2026

LES ANNEXES

ÉDITION

La Direction des communications du ministère de la Santé et des Services sociaux

Le présent document s'adresse spécifiquement aux intervenants du réseau québécois de la santé et des services sociaux et n'est accessible qu'en version électronique à l'adresse :

msss.gouv.qc.ca, section **Publications**.

Le genre masculin est utilisé sans aucune discrimination et dans le seul but d'alléger le texte.

Dépôt légal

Bibliothèque et Archives nationales du Québec, 2025

ISBN 978-2-555-00997-4 (version PDF)

Tous droits réservés pour tous pays. La reproduction, par quelque procédé que ce soit, la traduction ou la diffusion de ce document, même partielles, sont interdites sans l'autorisation préalable des Publications du Québec. Cependant, la reproduction de ce document ou son utilisation à des fins personnelles, d'étude privée ou de recherche scientifique, mais non commerciales, sont permises à condition d'en mentionner la source.

© Gouvernement du Québec, 2025

ANNEXES 2025-2026

Annexe A	Informations	1
Annexe B	Analyses de biologie médicale (ordre numérique).....	3
Annexe C	Liste des techniques de dosage des anticorps.....	83
Annexe E	Liste des codes retirés	91
Annexe F	Informations pour la banque de sang.....	93
Annexe G	Calendrier de transmission des données d'activité de laboratoire pour l'année financière débutant le 1 ^{er} avril 2026	127
Annexe I	Liste des établissements désignés pour les analyses suprarégionales (consulter à cet effet le Répertoire Web des procédures suprarégionales de biologie médicale)	
Annexe K	Analyses associées au dépistage néonatal sanguin et urinaire.....	129
Annexe M	Distribution des allergènes.....	133
Annexe N	Phénotypes érythrocytaires particuliers pour Héma-Québec (code 19366).....	153

INFORMATIONS

Veillez prendre note que toute information inscrite en rouge au *Répertoire 2025-2026* constitue une mise à jour par rapport à l'année précédente.

Toute information supplémentaire relative au *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2025-2026 doit être acheminée au ministère de la Santé et des Services sociaux (MSSS) par courrier électronique à l'adresse suivante : biomed@msss.gouv.qc.ca.

Chaque demande d'ajout d'analyse au Répertoire, dans le cadre d'une évaluation de la pertinence par l'Institut national d'excellence en santé et en services sociaux (INESSS), doit inclure :

- le formulaire de demande d'évaluation de la pertinence d'une nouvelle analyse (fichier original et copie PDF signée) ; **Le formulaire est disponible sur demande à l'adresse suivante : biomed@msss.gouv.qc.ca ;**
- le calcul de la valeur pondérée théorique (fichier Excel détaillé du calcul et copie PDF signée). Le formulaire est disponible sur demande à l'adresse suivante : biomed@msss.gouv.qc.ca ;
- les études d'intérêt ou les articles publiés concernant l'analyse proposée (minimum suggéré de deux études ou articles) ;
- toute référence économique pertinente à l'évaluation de cet aspect (si disponible) ;
- les lignes directrices d'organisation (si disponibles) ;
- la monographie de la trousse (s'il y a lieu) ;
- la procédure opératoire normalisée (PON) ou le protocole.



Il importe que les demandes soient préalablement documentées et signées et que les coordonnées du requérant (nom, téléphone et titre d'emploi) y soient fournies.

Pour toute information supplémentaire relative au processus d'introduction d'analyses au *Répertoire*, **consultez la section 16 « Mécanisme d'introduction des nouvelles analyses » de la partie texte du *Répertoire*.**

Pour toute information concernant le Répertoire :



Direction des laboratoires et de l'imagerie médicale
Direction générale de la pertinence et des services spécialisés
Sous-ministériat de la santé physique et pharmaceutique (SMSPP)
Ministère de la Santé et des Services sociaux du Québec
✓ Adresse courriel : biomed@msss.gouv.qc.ca



La version électronique du *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2025-2026, se trouve sur le site Web du MSSS à l'adresse suivante : <https://publications.msss.gouv.qc.ca/msss/>.

ANNEXE A

Centre de services de la VPTI Santé Québec

Toute demande d'information relative à l'application des bases de données GESTLAB et Centralab doit être adressée au Centre de services de la **VPTI Santé Québec**. Vous pouvez consulter leur site Internet à l'adresse suivante :

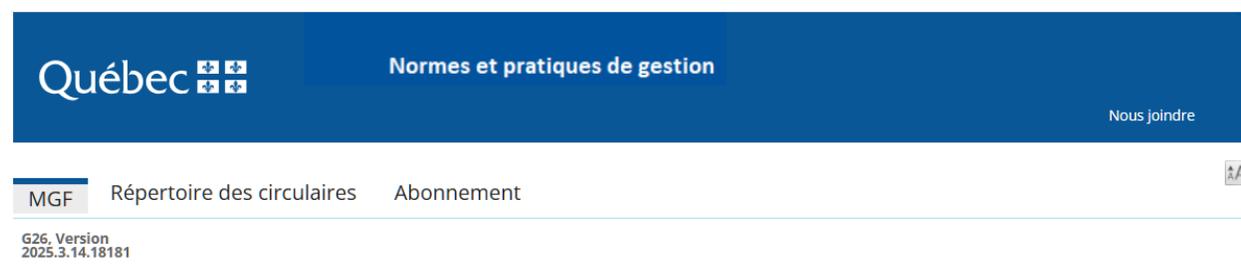
<https://msss365.sharepoint.com/sites/MSSS-Technologiesdelinformation>

Win Info

Toute demande d'information relative à l'application de la base de données MedSip doit être adressée au service de soutien de Win Info. Le site Web Win Info donne également de l'information sur cette application :

www.wininfo.qc.ca/WininfoWP/

Adresse courriel : techsupport@wininfo.qc.ca



Les circulaires sur les normes et pratiques de gestion sont disponibles sur le site Web du MSSS.

Adresse Web : www.msss.gouv.qc.ca : menu du haut > Publications > Normes et pratiques de gestion (Manuel de gestion financière et Répertoire des circulaires).

Description des colonnes et légende des modifications

Toute modification par rapport à l'édition 2024-2025 est en rouge dans le texte.

▪ **Colonne « Réf. texte » (référence au texte)**

- * Indique que des indications spécifiques pour l'interprétation et la compilation de ce code se trouvent dans la partie texte du *Répertoire*.
L'ajout d'une lettre dans cette colonne réfère à l'annexe correspondante dans le *Répertoire*.

▪ **Colonne « Modif. » (modification)**

- C Changement apporté à un ou plusieurs paramètres de la procédure
- N Nouvelle procédure
- N* Nouvelle procédure ajoutée lors de la mise à jour de mi-année en 2024-2025

▪ **Colonne « Type modif. » (type de modification apportée au code)**

- D Modification dans la description
- VP Révision de la valeur pondérée (ajustement des paramètres de calcul)
- VPr Révision de la valeur pondérée (nouveaux calculs de VP)
- S Modification de la sous-section
- H Modification de la hiérarchie
- EC Modification de l'élément de compte
- Réf Modification à la référence au code numérique

▪ **Colonne « INESSS » et « RQDM »**

- I Ajout de l'analyse suivant une évaluation de la pertinence à l'INESSS.
- R Analyse faisant partie de la portée du Réseau québécois de diagnostic moléculaire (RQDM)
- R* Analyses financées dans le cadre du Réseau québécois de diagnostic moléculaire (RQDM)

▪ **Colonne « Sous-section »**

Indique la classification des analyses présentée dans le **Tableau 3 – Centre d'activité 6600 – Laboratoires de biologie médicale et sous-sections associées** de la partie texte du *Répertoire*. Pour la définition des abréviations utilisées dans le tableau, se référer à la section 3.4 de la partie texte du *Répertoire*.

Veuillez noter que le laboratoire peut modifier l'association entre la sous-section et l'analyse dans son système de compilation des statistiques afin que les coûts de réalisation de cette analyse soient imputés dans le bon centre d'activité, comme apparaissant au rapport financier de l'établissement (AS-471).

▪ **Colonne « Description »**

Correspond au nom de la procédure de laboratoire.

▪ **Colonne « Réf. code num. » (référence numérique)**

- 1 Analyse référée au Laboratoire national de microbiologie
- 3 Analyse référée au Laboratoire provincial de l'Ontario
- 4 Analyse référée au Bureau des dangers microbiens, Santé Canada
- 5 Analyse référée au Laboratoire national des services de référence du VIH
- 6 Analyse référée au Centre national de référence en parasitologie

▪ **Colonne « Élément de compte »**

Indique la manière de compiler le code de procédure dans le système de mesure (se référer à la **section 12** de la partie texte du *Répertoire*).

▪ **Colonne « Hiérarchie »**

Réfère à la hiérarchie de l'analyse et à l'organisation des services qui en découle au sein de la grappe de laboratoires (se référer à la **section 8** de la partie texte du *Répertoire*).

▪ **Colonne « VP »**

Correspond à la valeur pondérée de l'analyse (se référer à la **section 3.2** de la partie texte du *Répertoire*).

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
10000	F	C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus		Résultat	Local	4,6
10001	F	C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus		Rapport	Local	62,0
10002	F	C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) (autocontrôles inclus)		Rapport	Local	32,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
10007	* F	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification manuelle)		Panel	Local	36,0
10008	* F	C	VP			B. S. générale	Allo ou auto adsorption à chaud		Adsorption	Régional	71,0
10009	* F	C	VP			B. S. générale	Allo ou auto adsorption à froid		Adsorption	Régional	88,0
10018		N				B. S. générale	Centrifugation d'un culot (contexte pédiatrique)		Produit	Régional	4,6
10020	* F	C	VP			B. S. générale	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)		Rapport	Régional	26,0
10021						Hémato-cyto-chimie	Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)		Résultat	Régional	42,0
10024	* F	C	VP			B. S. générale	Compatibilité (manuelle ou automatisée)		Résultat	Local	9,8
10028	F	C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée)		Résultat	Local	3,1
10032	F	C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)		Résultat	Local	10,7
10034	F	C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)		Résultat	Local	6,7
10040	* F					Hémato-immunologie	Différenciation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)		Spécimen	Régional	17,6
10041		C	VP			B. S. générale	Division de produit sanguin labile		Produit final	Local	31,0
10042	*	C	VP			B. S. générale	Division de produit sanguin stable ou de lait maternel		Produit final	Local	15,0
10044	F	C	VP			B. S. générale	Donath Landsteiner		Résultat	Local	3,8
10045	*	C	VP			B. S. générale	Décongélation de produit sanguin ou de lait maternel		Produit	Local	4,2
10060	* F	C	VP			B. S. générale	Élution (identification sur éluat incluse)		Rapport	Local	88,0
10085	* F	C	VP			B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)		Rapport	Local	8,5
10086	* F	C	VP			B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)		Rapport	Local	9,3
10110		C	VP			B. S. générale	Irradiation de produit sanguin dans l'établissement		Produit final	Supra	13,2
10111	* F	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification automatisée)		Panel	Local	29,0
10115	* F	C	VP			B. S. générale	Investigation RhD faible		Résultat	Local	37,0
10133	*	C	VP			B. S. générale	Poolage produits sanguins labiles		Produit final	Local	29,0
10134	* F	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)		Résultat	Local	5,1
10135		C	VP			B. S. générale	Poolage de produits sanguins stables		Produit final	Local	22,0
10136	* F	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	13,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
10137	* F	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	12,7
10150	F	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)		Résultat	Local	9,7
10151	F	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)		Rapport	Régional	149,0
10152		C	VP			B. S. générale	Reconstitution de produit sanguin stable (ex. : facteur de coagulation, immunoglobulines, etc.)		Produit	Local	16,4
10153	F	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel)		Résultat	Local	6,0
10154	F	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)		Résultat	Local	14,6
10170	* F	C	VP			B. S. générale	Titrage anticorps (par anticorps)		Résultat	Local	52,0
10173	* F	C	VP			B. S. générale	Traitement cellules (méthode EGA KIT)		Usager	Régional	55,0
10174	* F	C	VP			B. S. générale	Traitement enzymatique (ex. : ficine) pour identification d'anticorps		Usager	Régional	125,0
10177		C	VP			B. S. générale	Retrait de surnageant		Produit final	Local	25,0
10178	*	C	VP			B. S. générale	Reconstitution d'un produit sanguin labile		Produit final	Local	12,1
10179		C	VP			B. S. générale	Mise en seringue de produit sanguin labile		Produit final	Local	34,0
10181		C	VP			B. S. générale	Traitement enzymatique des cellules (ex. : DTT), neutralisation des anticorps monoclonaux anti-CD38		Usager	Local	116,0
10504		N				B. S. gestion	Gestion des plaquettes HLA (fait par un technologiste)		Produit	Local	47,0
10505	*	C	VP			B. S. gestion	Gestion de la confirmation de l'administration ou de la transfusion		Résultat	Local	2,8
10510	* F	C	VP			B. S. gestion	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)		Usager	Local	4,5
10511	*	C	VP			B. S. gestion	Émission produit sanguin labile ou stable, de tissu ou de lait maternel		Produit	Local	7,7
10512	F	C	VP			B. S. gestion	Étude de don antérieur (par cas) (fait par un technologiste)		Usager	Local	11,3
10513	* F	C	VP			B. S. gestion	Étude de réaction transfusionnelle (fait par un technologiste)		Rapport	Local	44,0
10515	*	C	VP			B. S. gestion	Vigie des demandes en produits sanguins (fait par un technologiste)		Résultat	Local	9,7
10531	*	C	VP			B. S. gestion	Rejet produit sanguin, tissu ou lait maternel (fait par un technologiste)		Produit final	Local	3,2
10532	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage de produit (labile ou stable) pour usage de produit sans transfert d'inventaire		Produit	Local	14,2
10533	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage pour expédition de produit sanguin (labile ou stable) OU retour au fournisseur		Produit	Local	9,2
10534	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage de produits pour administration à domicile et cueillette par l'utilisateur au CH		Usager	Local	16,4
10535		N				B. S. gestion	Préparation et gestion des envois à Héma-Québec		Usager	Local	33,0
10700	*	C	VP			B. S. gestion	Réception de produit sanguin labile		Produit	Local	3,1

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
10701	*	C	VP			B. S. gestion	Réception de produit sanguin stable, tissu ou lait maternel		Produit	Local	3,1
10702	*	C	VP			B. S. gestion	Mise en quarantaine et investigation (incluant chaîne de froid et retrait)		Produit	Local	8,9
10704		C	VPr			B. S. gestion	Réception don autologue		Produit	Local	16,8
10730	* F	C	VP			B. S. générale	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)		Produit	Local	2,6
19007						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	80,0
19008						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	204,0
19010						H-Q imm. plaquettaire	Anti-HPA et HLA (dépistage et identification d'anticorps par Luminex)		Rapport	Supra	302,0
19030						Héma-Québec	Congélation de cellules souches autologues		Sac	Supra	1,0
19044						H-Q imm. érythrocytaire	Analyses REF envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19045						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire complet (SSO)		Rapport	Supra	200,0
19050						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-2 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19051						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-3 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19052						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-4 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19053						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-5 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19054						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-15 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19065						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage du RhD faible type 1,2,3 et 42		Rapport	Supra	193,0
19073						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus A basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	111,0
19075						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus B basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	111,0
19077						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus C basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	155,0
19080						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DRB1 basse résolution (SSO Luminex) incluant DRB3/4/5		Rapport	Supra	122,0
19082						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-1 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19085						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh(D), Rh(D) pseudogène par SSP		Rapport	Supra	1,0
19092						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DQA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	167,0
19095						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	155,0
19099						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage R&D		Rapport	Supra	1,0
19110						H-Q imm. leucocytaire	Séquençage HLA A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1, DQA1, DPB1, DPA1 (SNG)		Rapport	Supra	340,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
19111						H-Q imm. leucocytaire	Analyses HLA envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19302						Héma-Québec	Transport du greffon CSP au CH sur demande (par greffon retourné)		Greffon	Supra	1,0
19303		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Dosage semi-quantitatif des IgA (test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19304						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe ABO		Rapport	Supra	1,0
19305						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe Rh(D)		Rapport	Supra	1,0
19306						H-Q imm. érythrocytaire	ABO globulaire		Rapport	Supra	1,0
19307						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD 37		Rapport	Supra	1,0
19308						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD AGH		Rapport	Supra	1,0
19309						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 22		Rapport	Supra	1,0
19310						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 4		Rapport	Supra	1,0
19311						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé		Rapport	Supra	1,0
19312						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19313						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob hématies enzymées		Rapport	Supra	1,0
19314						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique sédimentation		Rapport	Supra	1,0
19315						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé sédim		Rapport	Supra	1,0
19316						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire EGA		Rapport	Supra	1,0
19317						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 22		Rapport	Supra	1,0
19318						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 4		Rapport	Supra	1,0
19319						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérum AB		Rapport	Supra	1,0
19320						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine A1		Rapport	Supra	1,0
19321						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine H		Rapport	Supra	1,0
19322						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19323						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD EGA		Rapport	Supra	1,0
19324						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 2° source		Rapport	Supra	1,0
19325						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 3° source		Rapport	Supra	1,0
19326						H-Q imm. érythrocytaire	TDA (test direct à l'antiglobuline)		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
19327						H-Q imm. érythrocytaire	TDA tube détaillé		Rapport	Supra	1,0
19328						H-Q imm. érythrocytaire	TDA lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19329						H-Q imm. érythrocytaire	TDA détaillé lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19330						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19331						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire Éluat		Rapport	Supra	1,0
19332						H-Q imm. érythrocytaire	Test de compatibilité érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19333						H-Q imm. érythrocytaire	Inactivation/Inhibition		Rapport	Supra	1,0
19334						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 1 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19335						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 2 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19336						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 3 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19337						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 4 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19338						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 5 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19339						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 1 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19340						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 2 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19341						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 3 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19342						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 4 et plus Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19343						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : C		Rapport	Supra	1,0
19344						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : E		Rapport	Supra	1,0
19345						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : c		Rapport	Supra	1,0
19346						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : e		Rapport	Supra	1,0
19347						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : K		Rapport	Supra	1,0
19348						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : S		Rapport	Supra	1,0
19349						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : s		Rapport	Supra	1,0
19350						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fya		Rapport	Supra	1,0
19351						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fyb		Rapport	Supra	1,0
19352						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jka		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
19353						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jkb		Rapport	Supra	1,0
19354						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Cw		Rapport	Supra	1,0
19355						H-Q imm. érythrocytaire	phénotype régulier autres : M		Rapport	Supra	1,0
19356						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : N		Rapport	Supra	1,0
19357						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : P1		Rapport	Supra	1,0
19358						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lea		Rapport	Supra	1,0
19359						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Leb		Rapport	Supra	1,0
19360						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : k		Rapport	Supra	1,0
19361						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpa		Rapport	Supra	1,0
19362						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpb		Rapport	Supra	1,0
19363						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lua		Rapport	Supra	1,0
19364						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lub		Rapport	Supra	1,0
19365						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Wra		Rapport	Supra	1,0
19366	* N					H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype érythrocytaire particulier		Rapport	Supra	1,0
19367						H-Q imm. érythrocytaire	Traitement des hématies EGA		Rapport	Supra	1,0
19368						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire de haute fréquence		Rapport	Supra	1,0
19369						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaires différents enzyme		Rapport	Supra	1,0
19370						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire phase solide		Rapport	Supra	1,0
19371						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire technique tube		Rapport	Supra	1,0
19372						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire cellules de collections		Rapport	Supra	1,0
19373						H-Q imm. érythrocytaire	Auto adsorption (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19374						H-Q imm. érythrocytaire	Allo adsorption différentielle (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19375						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption Rest/HPC		Rapport	Supra	1,0
19376						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption/élution (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19377						H-Q imm. érythrocytaire	Test de Donath-Landsteiner		Rapport	Supra	1,0
19378						H-Q imm. érythrocytaire	Test d'amplitude thermique (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
19379						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19380						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19381						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIb/IX par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19382						H-Q imm. plaquettaire	Anti-Gov par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19383						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19384						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19385						H-Q imm. plaquettaire	MAIPA avec traitement du sérum		Rapport	Supra	1,0
19386						H-Q imm. plaquettaire	Analyses PLT envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19387						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	96,0
19388						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	95,0
19389						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	88,0
19390						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	80,0
19391						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	96,0
19392						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	95,0
19393						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	88,0
19394						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	220,0
19395						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	219,0
19396						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	212,0
19397						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	185,0
19398						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	202,0
19399						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	201,0
19400						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	194,0
19402						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus A haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19403						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus B haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19404						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus C haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19405						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
19406						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB3 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19407						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB4 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19408						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB5 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19409						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQA1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	249,0
19410						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19411						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	249,0
19412						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19424						H-Q imm. érythrocytaire	Dépistage des anti-IgA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19425						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage CEAG par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19426						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Knops par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19427						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Yka Par SSP		Rapport	Supra	1,0
19428						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage RhD Position 48 par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19429						H-Q imm. érythrocytaire	MMA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19431						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHD eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19432						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire HPA eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19434						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHCE eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19436						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire HEA eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
20000		C	VP			Hémato-hémostase	Agrégation plaquettaire (par agent)		Résultat	Régional	44,0
20001		C	VP			Hémato-immunologie	Alpha-2 macroglobuline (antigène)		Résultat	Supra	13,5
20003		C	VP			Hémato-immunologie	Anticardiolipine (IgG ou IgM)		Résultat	Régional	11,8
20005		C	VP			Hémato-immunologie	Anticardiolipine anticorps (total)		Résultat	Régional	30,0
20006						Hémato-hémostase	Dépistage de lupus anticoagulant avec réactif APTT sensible aux antiphospholipides (incluant correction avec pool de plasmas normaux)		Rapport	Régional	28,0
20007		C	D			Hémato-hémostase	Anticorps anti-héparine (méthode agrégation plaquettaire)		Résultat	Supra	191,0
20008		C	VP			Hémato-immunologie	Anti Bêta-2 glycoprotéine 1 IgG ou IgM		Résultat	Régional	13,2
20009		C	D, VP			Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur Von Willebrand (anti-FVW)		Résultat	Supra	77,0
20011		C	VPr			Hémato-immunologie	Anti-héparine-FP4 (ELISA)		Résultat	Régional	61,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20013		C	VP			Hémato-hémostase	Antiplasmine (activité)		Résultat	Supra	31,0
20014		C	VP			Hémato-hémostase	Antithrombine (activité)		Résultat	Régional	15,9
20019		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-saccharomyces IgA ou IgG (ASCA)		Rapport	Supra	22,0
20020		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-centromere Protein B (CENP-B)		Rapport	Supra	14,6
20022		C	D, VP		I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-C1 inhibiteur (ELISA)		Rapport	Supra	142,0
20040		C	D			Hémato-hémostase	Agrégation plaquettaire induite par la ristocétine (RIPA)		Résultat	Régional	44,0
20044		C	VP			Hémato-hémostase	Cryofibrinogène		Résultat	Régional	9,2
20060						Hémato-hémostase	D-Dimère (semi-quantitatif ou qualitatif ou sur lame)		Résultat	Local	22,0
20061		C	VP			Hémato-hémostase	D-Dimère (ELISA)		Résultat	Local	27,0
20062		C	VP			Hémato-hémostase	D-Dimère (automatisé)		Résultat	Local	10,9
20064		C	D, VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-B27		Rapport	Supra	40,0
20080		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité)		Résultat	Régional	13,2
20086		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur VII (antigène)		Résultat	Supra	27,0
20088		C	H, D, VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (activité) (VWF:GPIbM ou VWF:GPIbR ou VWF:Rco ou VWF:Ab)		Résultat	Régional désigné	16,8
20089		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (antigène)		Résultat	Régional	12,7
20090		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (multimères)		Rapport	Supra	195,0
20092		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur X (antigène)		Résultat	Supra	30,0
20098		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur XIII (activité) (quantitatif)		Résultat	Supra	70,0
20101		C	VP			Hémato-hémostase	Fibrinogène (antigène)		Résultat	Supra	157,0
20102						Hémato-hémostase	Fibrinogène (activité)		Résultat	Local	3,9
20103		C	VP			Hémato-hémostase	Fonction plaquettaire à la luminescence (par agent)		Résultat	Régional	77,0
20106						Hémato-hémostase	Facteur XIII (test de solubilité)		Résultat	Régional	15,5
20107		C	VP			Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - activité (dosage quantitatif)		Résultat	Supra	249,0
20108		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-IIa-activité (dosage quantitatif) (Dabigatran)		Résultat	Régional	27,0
20109		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Rivaroxaban)		Résultat	Régional	55,0
20110		C	D, VP			Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur XIII (ELISA)		Résultat	Supra	142,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20111		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur XIII (sous-unité A) (dosage quantitatif) (ELISA)		Résultat	Supra	35,0
20113		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Édoxaban)		Résultat	Régional	229,0
20114		C	VP		I	Hémato-hémostase	Facteur I antigénique (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	90,0
20115		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Apixaban)		Résultat	Régional	30,0
20116		C	D, VP		I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur H (ELISA)		Résultat	Supra	67,0
20118		C	VP		I	Hémato-hémostase	Facteur IX (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	122,0
20122		C	VP		I	Hémato-hémostase	Facteur VIII (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	48,0
20130		C	VP			Hémato-hémostase	Héparine anti-Xa		Résultat	Local	22,0
20140		C	D			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation (dépistage)		Résultat	Supra	80,0
20141		C	VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation quantitatif (dosage Bethesda)		Résultat	Supra	125,0
20142		C	VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur VIII porcin quantitatif (dosage Bethesda)		Résultat	Supra	190,0
20143		C	D, VP			Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur VIII (ELISA)		Rapport	Supra	13,2
20144		C	D, VP			Hémato-hémostase	Anticorps anti-facteur IX (ELISA)		Rapport	Supra	13,2
20145		C	D, VP			Hémato-hémostase	Anticorps anti-glucocerebrosidase (ELISA)		Rapport	Supra	142,0
20146		C	VP			Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - antigène (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	141,0
20147		C	D, VP		I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-ADAMTS-13 (ELISA)		Rapport	Supra	70,0
20160						Hémato-hémostase	Kaolin clotting time (KCT)		Rapport	Régional	43,0
20170						Hémato-hémostase	Lyse des euglobulines		Rapport	Supra	111,0
20189		N				Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (antigène)		Rapport	Supra	55,0
20190		C	VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité)		Résultat	Supra	50,0
20191		C	VP			Hémato-hémostase	Plasminogène (activité)		Résultat	Supra	42,0
20194		C	VP			Hémato-hémostase	Prékallcréine (activité)		Résultat	Supra	17,7
20196		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine C (activité)		Résultat	Régional	13,5
20197		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine C (antigène)		Résultat	Régional	21,0
20198		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine S (activité)		Résultat	Régional	9,6
20199		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine S libre (antigène)		Résultat	Régional	56,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20200		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine S totale (antigène)		Résultat	Supra	85,0
20202		C	VP		I	Hémato-hémostase	Dosage du sC5b-9 plasmatique		Rapport	Supra	72,0
20220		C	VP			Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée		Résultat	Régional	9,1
20221						Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée (avec calcul de 3 ratios)		Résultat	Régional	37,0
20238		C	VP			Hémato-hémostase	Thromboélastographie (<i>platelet mapping</i>)		Rapport	Supra	369,0
20240		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de thrombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50		Rapport	Local	3,4
20241						Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA)		Résultat	Local	2,3
20242		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de céphaline après neutralisation de l'héparine (TCA)		Résultat	Local	12,5
20243		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé		Résultat	Local	2,3
20244		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de reptilase		Résultat	Supra	10,6
20245		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de saignement in vitro (par agent) (PFA-100)		Résultat	Local	29,0
20246						Hémato-hémostase	Temps de saignement in vivo		Résultat	Local	80,0
20247		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de Stypven dilué (DRVVT ou temps de Russell) (incluant confirmation)		Rapport	Régional	10,1
20248		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de thrombine (TT)		Résultat	Local	3,5
20249		C	VP			Hémato-hémostase	Test de liaison du FVW au collagène		Résultat	Supra	92,0
20250		C	VP			Hémato-hémostase	Test de liaison du FVIII au FVW		Résultat	Supra	19,3
20251		C	VP			Hémato-hémostase	Test de neutralisation par les phospholipides (PNP)		Rapport	Régional	9,1
20252		C	VP			Hémato-hémostase	Test d'inhibition de la thromboplastine tissulaire diluée		Rapport	Régional	14,5
20254		C	VP			Hémato-hémostase	Thromboélastographie		Rapport	Régional	66,0
20255		C	VP			Hémato-hémostase	Activateur tissulaire du plasminogène (activité) (tPA)		Résultat	Supra	291,0
20259		C	VP			Hémato-hémostase	Confirmation de lupus anticoagulant par mesure de l'APTT après neutralisation par des phospholipides en phase hexagonale		Résultat	Supra	40,0
20300		C	VP			Prélèvements	Assistance à l'infusion de CPH/DLI (excluant déplacement)		Sac	Supra	10,2
20303		C	H, VP		I	Hémato-hémostase	Ecarin clotting test (ECT)		Rapport	Régional désigné	214,0
20304		C	VP		I	Hémato-hémostase	Eculizumab plasmatique (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	333,0
20320		C	D			Hémato-cytologie	Décompte manuel des liquides		Rapport	Local	43,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20321		C	D			Hémato-cytologie	Décompte et différentielle manuelle avec cytopspin		Rapport	Local	37,0
20342		C	VP			Hémato-cytologie	Éosinophiles (sécrétions nasales ou urine)		Résultat	Local	18,6
20358		C	ÉC, VP			Hémato-cytologie	Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)		Rapport	Local	11,2
20360						Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) Thiosulfite		Résultat	Régional	52,0
20361	*	C	VP			Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée		Rapport	Local	2,1
20362	*					Hémato-cytologie	Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration)		Rapport	Local	12,1
20363	*					Hémato-cytologie	Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)		Rapport	Local	6,6
20364	*	C	VP			Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-plaq. micro-méthode (automatisé)		Rapport	Local	2,7
20380	*	C	VP			Hémato-cytologie	Leucocytes (sang) (manuel)		Résultat	Local	7,7
20381						Hémato-cytologie	Sédimentation automatisée		Résultat	Local	3,0
20390		C	VP			Hémato-immunologie	Haptoglobine		Résultat	Régional	5,0
20391		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine plasmatique (excluant bandelette)		Résultat	Régional	13,8
20430						Hémato-cytologie	Moelle osseuse (différentielle manuelle faite par un technologiste médical incluant la lecture de 2 lames)		Rapport	Régional	81,0
20450						Hémato-cytologie	Plaquettes (sang) (manuel)		Résultat	Local	30,0
20470						Hémato-cytologie	Réticulocytes (automatisé)		Résultat	Local	2,4
20471						Hémato-cytologie	Réticulocytes (manuel)		Résultat	Local	6,4
20472		C	VP			Hémato-cytologie	Réticulocytes (semi-automatisé incluant prétraitement)		Résultat	Local	10,7
20490		C	VP			Hémato-cytologie	Sédimentation manuelle		Résultat	Local	3,5
20494						Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) métabisulfite		Résultat	Régional	14,2
20574		C	VP			Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI fraîches		Grefon	Supra	219,0
20575		C	VP			Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI cryo		Grefon	Supra	365,0
20580		C	VP			Hémato-greffe	Évaluation des greffons de CPH (ou CT) frais (de l'interne ou de l'externe)		Grefon	Supra	271,0
20582		C	VP			Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH (auto ou allo) 1 ^{er} sac		sac	Supra	879,0
20583		C	VP			Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH apherèse (auto et allo) sac supplémentaire		sac	Supra	93,0
20585		C	H, VP			Hémato-greffe	Décongélation d'un greffon		sac	Régional désigné	761,0
20588		C	H, VP			Hémato-greffe	Ajustement de la concentration du greffon par dilution		Grefon	Régional désigné	361,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20590		C	H, VP			Hémato-greffe	Filtration du greffon		Greffon	Régional désigné	131,0
20592		C	H			Hémato-greffe	Distribution des greffons de CPH à l'unité de soin		Greffon	Régional désigné	187,0
20593		C	H, VP			Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopréservé à l'unité de soin (1 ^{er} sac)		sac	Régional désigné	408,0
20594		C	H			Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopréservé à l'unité de soin (sac supplémentaire)		sac	Régional désigné	103,0
20598		C	H, VP			Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (1 ^{er} sac)		sac	Régional désigné	158,0
20599		C	H, VP			Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (sac supplémentaire)		sac	Régional désigné	34,0
20603		C	VP			Hémato-greffe	Réduction plasmatique, volume ou érythrocytaire d'un greffon avec Sepax		Rapport	Supra	1983,0
20615		C	VP			Hémato-greffe	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) pour salle blanche et niveau grade B		Greffon	Supra	101,0
20620						Hémato-greffe	Cryopréservation de CD3 ou CD34 ou MNC (aliquot)		Spécimen	Supra	148,0
20622		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire complète de progéniteurs hématopoïétiques : aspiration de moelle osseuse ou sang		Spécimen	Supra	756,0
20628		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire de progéniteurs hématopoïétiques : unités de CPH (aphérèse, moelle osseuse, sang de cordon)		Spécimen	Supra	197,0
20629		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire de BFU-E avec et sans érythropoïétine		Spécimen	Supra	470,0
20640		C	VP			Hémato-greffe	Centrifugation de CPH		Centrifugation	Supra	73,0
20641		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Inactivation du complément à 56°C		Spécimen	Supra	4,0
20647	*					Hémato-immunocytométrie	Isolement de cellules mononucléées par centrifugation sur gradient de densité		Spécimen	Supra	63,0
20649		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Énumération de cellules progénitrices hématopoïétiques (CD34)		Rapport	Supra	89,0
20651		C	VP			Hémato-greffe	Préparation de gouttes ophtalmiques autologues pour sécheresse oculaire		Usager	Régional désigné	272,0
20663		C	VP			Hémato-greffe	Sélection négative des cellules TCRab+ et CD19+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	31980,0
20664		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-cytoplasme des neutrophiles ANCA		Rapport	Supra	40,0
20665	*	C	VP			Hémato-greffe	Sélection + ou - de cellules du sang ou de la moelle osseuse avec microbilles		Spécimen	Supra	205,0
20667		C	VP			Hémato-greffe	Sélection positive simple des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	16473,0
20668		C	VP			Hémato-greffe	Sélection positive double des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	29673,0
20669		C	VP		I	Micro-imm-séro.	Hépatite B (HBsAg); dosage immunologique microparticulaire par chimiluminescence (CMIA) (quantitatif)		Résultat	Supra	39,0
20670		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgM spécifique		Résultat	Régional	16,6
20671		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	10,8

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20672		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,4
20673		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,4
20674		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique		Résultat	Régional	11,6
20675		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBe) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,1
20676		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg)		Résultat	Local	7,9
20677		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (HbeAg) (antigène)		Résultat	Régional	8,2
20678		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	9,5
20680		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Activation des neutrophiles		Rapport	Supra	184,0
20682		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ADN (ELISA)		Résultat	Régional	6,3
20683		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ADN (immunofluorescence) (<i>Crithidia luciliae</i>)		Résultat	Régional	8,9
20684		C	ÉC			Hémato-immunologie	Anti-cellules pariétales		Rapport	Régional	24,0
20685		C	ÉC, VP			Hémato-immunologie	Anti-centromères		Rapport	Régional	9,6
20686		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-cochlée		Rapport	Supra	67,0
20691		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-facteur intrinsèque		Rapport	Régional	8,7
20694		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-histone (ELISA)		Résultat	Supra	6,5
20696		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-îlots de Langherans		Rapport	Supra	24,0
20698		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-Jo-1		Résultat	Régional	13,6
20699		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-LKM (anti-liver kidney microsomes)		Rapport	Supra	18,2
20701		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-membrane basale glomérulaire		Résultat	Régional	12,9
20702						Hémato-immunologie	Anti-mitochondries		Rapport	Régional	24,0
20703						Hémato-immunologie	Anti-muscle lisse		Rapport	Régional	24,0
20704		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-muscle strié		Rapport	Supra	39,0
20705		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-myéloperoxydase (anti-MPO)		Résultat	Régional	6,3
20709		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-protéinase 3 (anti-PR3)		Résultat	Régional	6,4
20710		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ribonucléoprotéines (RNP)		Résultat	Régional	6,8
20711		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ScL 70 (topoisomérase)		Résultat	Régional	7,8

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20712		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-Sm		Résultat	Régional	6,3
20713		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-SSA (Ro)		Résultat	Régional	7,4
20714		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-SSB (La)		Résultat	Régional	6,5
20716		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-surrénaux		Rapport	Supra	37,0
20717		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)		Rapport	Régional	17,2
20718		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-peptides cycliques citrulés (Anti-CCP)		Résultat	Régional	13,9
20719		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)		Résultat	Régional	9,0
20720						Hémato-immunologie	Anti-réticuline		Rapport	Régional	33,0
20721						Hémato-immunologie	Anti-bordure en brosse		Rapport	Régional	33,0
20722						Hémato-immunologie	Anti-canalicule biliaire		Rapport	Régional	33,0
20724		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-endomysium		Rapport	Supra	31,0
20725		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-membrane basale cutanée et anti-substance intercellulaire		Rapport	Supra	45,0
20765		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine chromatographie		Rapport	Régional	13,6
20768		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Compatibilité cellulaire par cytométrie en flux (Flow x-match)		Résultat	Supra	447,0
20769		C	VP			Hémato-immunologie	Composantes du complément (activité)		Résultat	Supra	164,0
20771		C	S, H, VP			Hémato-immunologie	Complément sérique total (CH50) (activité)		Résultat	Régional désigné	12,1
20773						Hémato-érythrocytaire	Corps de Heinz		Résultat	Régional	15,2
20774						Hémato-immunologie	Cryoglobulines (qualitatif)		Rapport	Local	20,0
20775		C	VP			Hémato-immunologie	Cryoglobulines (quantitatif)		Rapport	Régional	126,0
20776		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C3 (antigène)		Résultat	Local	6,9
20777		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C4 (antigène)		Résultat	Local	6,9
20778		C	VP			Hémato-immunologie	Activation des TLR(2, 4) par clivage du CD62L		Rapport	Supra	424,0
20781		C	VP			Hémato-immunologie	Fas Ligand (dosage) (sérique)		Rapport	Supra	10,7
20800		C	VP			Hémato-greffe	Déplétion plasmatique ou érythrocytaire par centrifugation de CPH et évaluation		Centrifugation	Supra	73,0
20820	*	C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine électrophorèse (agarose ou capillaire)		Rapport	Régional	24,0
20825		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Enzymes érythrocytaires (par enzyme) (G6PD, 6PGD, PK, HX, GPI)		Résultat	Régional	46,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20827		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Érythropoïétine (quantitatif)		Résultat	Supra	21,0
20828		C	ÉC			Hémato-cyto-chimie	Estérases non spécifiques		Rapport	Régional	29,0
20829		C	ÉC			Hémato-cyto-chimie	Estérases spécifiques		Rapport	Régional	40,0
20850		C	VP			Hémato-immunologie	Complément Facteur B (antigène)		Résultat	Supra	187,0
20852		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Fer médullaire (Bleu de Prusse)		Rapport	Régional	14,7
20899		N*				D. mol. hématogreffe	HLA-A, -B, -C, -DR, -DQ, -DP (génotypage) (qPCR)		Rapport	Supra	361,0
20900		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine (électrophorèse des chaînes de globine)		Rapport	Régional	9,8
20902		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine A2		Résultat	Régional	20,0
20918		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	289,0
20928		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	109,0
20929		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	197,0
20932		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Rapport	Supra	111,0
20935		C	VP			Hémato-immunocytométrie	HLA-B27, marqueur de surface		Résultat	Régional	27,0
20941		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	312,0
20942		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	113,0
20949		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DPB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	158,0
20950		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	112,0
20952		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DPA1/DPB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	56,0
20953		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DQA1/DQB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	79,0
20954		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	58,0
20956		C	VP			D. mol. hématogreffe	HLA-DRB3/4/5 (génotypage) (SSO basse résolution)		Résultat	Supra	79,0
20958		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T (CD3/4/8/45)		Rapport	Régional	46,0
20959		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45)		Rapport	Régional	114,0
20961		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (antigène)		Résultat	Supra	13,5
20962		C	VP			Hémato-immunologie	Facteur C3 néphritique (activité) (C3NEF)		Résultat	Supra	401,0
20966		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (activité)		Résultat	Supra	49,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
20968		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C ou -DRB1 ou -DQB1 (génotypage) (SNG) (haute résolution)		Rapport	Supra	722,0
20969	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs NK (panel complet NK-CLPD)		Rapport	Supra	264,0
20971		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe I		Rapport	Supra	135,0
20972		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe II		Rapport	Supra	120,0
20973	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel maladie résiduelle minimale de la LLA-B (panel MRD LLA-B)		Rapport	Supra	423,0
20974	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs B (panel complet B-CLPD)		Rapport	Supra	228,0
20975	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës B (panel complet LLA-B)		Rapport	Supra	363,0
20976	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës T (panel complet LLA-T)		Rapport	Supra	310,0
20977	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies myéloïdes aiguës/SMD (panel complet LMA/SMD)		Rapport	Supra	410,0
20978	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Marquage de surface ou intracellulaire (par marqueur)		Résultat	Régional	11,1
20979	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel des dyscrasies plasmocytaires (myélome multiple) (panel PCD)		Rapport	Supra	201,0
20983						Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (coloration)		Usager	Local	4,1
20993						Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (fixation sans coloration)		Usager	Local	2,8
20994		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Prolifération des lymphocytes T (PHA)		Rapport	Supra	210,0
20995		C	D, VP			Hémato-immunologie	Activation du complément		Résultat	Régional	21,0
20996		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C1q (antigène)		Résultat	Supra	41,0
20997		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Facteur H (antigène)		Résultat	Supra	125,0
20998		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Isolement lymphocytes T ou B du sang total par sélection négative		Rapport	Supra	84,0
20999		C	VP			Hémato-immunologie	Maladie de Devic (neuromyélite optique) (anti-NMO) (immunofluorescence)		Résultat	Supra	100,0
21000		C	VP			Hémato-immunologie	Myosite détection anti antigène (Mi-2a, Mi-2b, Ku, Pm-Scl-100, SRP, Pm-Scl-75, Jo-1 (Myos), Pl-7, Pl-12, EJ, OJ, Ro-52, MDA-5, TIFgamma, NXP2, SAE1)		Rapport	Supra	71,0
21002		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobine fœtale (cytométrie de flux)		Rapport	Supra	23,0
21004		C	D, VP			Dépistage néonatal	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45RA/45RO, CD31) – analyse de confirmation du SCID		Rapport	Supra	93,0
21005		C	VP		I	Hémato-immunologie	Sclérodémie systémique (ScS); Détection d'IgG dirigés contre 7 antigènes (Scl-70, CENP-A, CENP-B, RP11, RP155, fibrillarine, Th/To) (Immunobuvardage)		Rapport	Supra	58,0
21020		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Periodic Acid Schiff (P.A.S.)		Rapport	Régional	17,4
21023		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Myéloperoxydase		Rapport	Régional	14,5

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
21026						Hémato-cyto-chimie	Phosphatase alcaline intra-leucocytaire		Rapport	Régional	27,0
21028		C	VP			D. mol. hémato-greffe	Analyse du chimérisme (STR) pré ou post greffe (TAAN)		Rapport	Supra	164,0
21030		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA Dépistage (FLOW-PRA) (par classe)		Rapport	Supra	88,0
21033	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs T (panel complet T-CLPD)		Rapport	Supra	323,0
21034	*	C	H			Hémato-immunocytométrie	Tube d'orientation des leucémies aiguës (tube ALOT)		Rapport	Régional désigné	138,0
21035	*	C	H, VP			Hémato-immunocytométrie	Tube de dépistage des cellules lymphoïdes (syndromes lymphoprolifératifs) (tube LST)		Rapport	Régional désigné	128,0
21036	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Tube pour spécimen pauvre en cellules (liquide céphalorachidien et liquide vitreux) (tube SST)		Rapport	Supra	178,0
21037		C	D, VP		I	Hémato-immunocytométrie	Lymphohistiocytose hémophagocytaire (LHH); Dégranulation des cellules NK (marqueur CD107a)		Rapport	Supra	803,0
21038		C	D, VPr			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation (Euroflow ou équivalent) (par tube)		Tube	Régional désigné	78,0
21060		N*			I	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT1		Rapport	Supra	341,0
21061		N*			I	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT3		Rapport	Supra	367,0
21062		N*			I	Hémato-immunocytométrie	Phosphorylation / déphosphorylation de STAT5		Rapport	Supra	421,0
21072						Hémato-cyto-chimie	Soudan noir B		Rapport	Régional	15,4
21094		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Transformation lymphoblastique		Rapport	Supra	452,0
25002		C	VP			D. mol. hématologie	Alpha-thalassémie; <i>HBA1</i> , <i>HBA2</i> (- $\alpha3.7/\alpha\alpha$, - $\alpha4.2/\alpha\alpha$, - $\alpha20.5/\alpha\alpha$, --SEA/ $\alpha\alpha$, --MED/ $\alpha\alpha$, --FIL/ $\alpha\alpha$, --THAI/ $\alpha\alpha$)		Rapport	Supra	197,0
25004		C	VP			D. mol. hémato-oncologie	Analyse mutationnelle du domaine kinase de la protéine de fusion BCR-ABL (séquençage)		Rapport	Supra	219,0
25007		C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Sphérocytose héréditaire; éosine-5'-maléimide (EMA) (cytométrie en flux)		Rapport	Supra	231,0
25009		C	VP			D. mol. hématologie	Facteur VII (séquençage)		Rapport	Supra	402,0
25011		C	VP			D. mol. hématologie	Anémie falciforme; <i>HBB</i> (HbS-HbC); (séquençage)		Rapport	Supra	416,0
25015		C	VP			D. mol. hématologie	Bêta-thalassémie; <i>HBB</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	662,0
25017						D. mol. hématologie	Désordre plaquettaire québécois; gène <i>PLAU</i> (duplication) (TAAN)		Rapport	Supra	58,0
25019		C	VP			D. mol. hématologie	Élément de réponse au fer (IRE) du gène L-Ferritine (<i>FTL</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	206,0
25021						D. mol. hématologie	Facteur V Leiden (TAAN)		Résultat	Supra	35,0
25022		C	VP			D. mol. hématologie	Facteur VIII haplotype (hémophilie A) (TAAN)		Rapport	Supra	355,0
25024						D. mol. hématologie	Hémoglobine S diag. porteuse et diag. prénatal (séquençage)		Rapport	Supra	428,0
25026		C	VP			D. mol. hématologie	Hémophilie A Facteur VIII; inversion intron 22 (<i>IVS22 inv</i>) (TAAN)		Rapport	Supra	589,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
25028						D. mol. hématologie	Hémophilie A ou B (diagnostic de porteuses et prénatal, mutation connue) (séquençage)		Rapport	Supra	435,0
25037		C	VPr	R	I	D. mol. hématologie	Diagnostic et stratification pronostique des hémopathies malignes (cartographie optique du génome (COG))		Rapport	Supra	1033,0
25038		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA et Syndromes myélo dysplasiques, (GATA2) (séquençage)		Rapport	Supra	396,0
25040		C	VP			D. mol. hématologie	Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)		Rapport	Supra	33,0
25044		C	VP			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; 3363insC (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	80,0
25046		C	VP			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; mutations individuelles Arg178Gln ou Thr298Met (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	80,0
25047		N*			I	D. mol. hématologie	Détection de la mutation D816V du gène <i>KIT</i> (TAAN)		Rapport	Supra	67,0
25054		C	VP			D. mol. hématologie	Angioedème (détection de 5 variations génétiques : APP g.2953-3127del et c.-2399C > A, ACE I/D, PAI-1 c.-817dupG, FXII c.1032C > A et c.1032C > G) (TAAN)		Rapport	Supra	500,0
25056		C	VP			D. mol. hématologie	Protéine C (séquençage)		Rapport	Supra	594,0
25060		C	VP			D. mol. oncologie	Thiopurine méthyltransférase (TPMT) enzyme (TPMT*2 (Gly238Cys), TPMT*3A (Gly460Ala et A719G), TPMT*3B (Gly460Ala), et TPMT*3C (Ala719Gly) (TAAN)		Résultat	Supra	68,0
25070		C	VP			D. mol. hématologie	Von Willebrand type 2 (2A, 2B, 2M, 2N) ; <i>VWF</i> (exons 18 à 21 et 28 à 31) mutations associées (séquençage)		Rapport	Supra	464,0
25080		C	VP	R	I	D. mol. hématologie	Hémophilie A et maladie de von Willebrand (gènes <i>F8</i> et <i>VWF</i>) (SNG)		Rapport	Supra	657,0
30005		C	VP			Bio-clinique	Bêta-hydroxybutyrate (sang total)		Résultat	Local	1,5
30008		C	VP			Bio-clinique	Acide delta aminolévulinique (delta-ALA) (HPLC)		Résultat	Supra	439,0
30009		C	VP			Bio-clinique	Acide folique (folates)		Résultat	Régional	3,8
30010	*	C	VP			Bio-clinique	Acide lactique (colorimétrique)		Résultat	Local	4,3
30011						Bio-médicament	Acide mycophénolique incluant glucuronides		Rapport	Supra	22,0
30012						Bio-clinique	Acide pyruvique (dosage seulement)		Rapport	Supra	30,0
30013		C	VPr			Bio-clinique	Acide urique		Résultat	Local	0,6
30016		C	VPr			Bio-clinique	Alanine amino-transférase (ALT)		Résultat	Local	0,6
30017		C	VPr			Bio-clinique	Albumine		Résultat	Local	0,6
30018	*	C	VP			Bio-toxico.	Alcools (éthanol, méthanol, éthylène glycol, isopropanol, acétone, N-propanol, 1,2-butanediol) (quantitatif)		Résultat	Régional	70,0
30019		C	VP			Bio-clinique	Aldolase		Résultat	Supra	10,9

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30020		C	VP			Bio-hormone	Aldostérone (sérique)		Résultat	Supra	14,8
30021		C	VP			Bio-hormone	Aldostérone (urinaire)		Résultat	Supra	57,0
30022	*	C	VP			Bio-clinique	Alpha foetoprotéine (AFP)		Résultat	Régional	4,3
30024		C	VP			Bio-clinique	Alpha-1 antitrypsine (selles)		Résultat	Supra	167,0
30028						Bio-toxico.	Aluminium		Résultat	Supra	49,0
30029		C	VP			Bio-clinique	Ammoniac		Résultat	Local	5,2
30030		C	VP			Bio-clinique	Amylase totale		Résultat	Local	0,6
30032						Bio-clinique	Amylase pancréatique		Résultat	Local	2,1
30034		C	VP			Bio-hormone	Androstènedione		Résultat	Régional désigné	10,3
30035		C	VP			Bio-immuno.	Anti-21 hydroxylase		Résultat	Supra	57,0
30038		C	VP			Bio-clinique	Antigène carcino-embryonnaire (CEA)		Résultat	Local	4,4
30039		C	VP			Bio-clinique	Antigène prostatique spécifique (PSA)		Résultat	Local	4,5
30040		C	VP			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgA)		Rapport	Régional	13,0
30041		C	VP			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgG)		Résultat	Régional	13,0
30044		C	VP			Bio-immuno.	Anti-récepteur acétylcholine (AChR)		Résultat	Supra	52,0
30045		C	VP			Bio-immuno.	Anti-récepteur de la thyrotropine (TSI)		Résultat	Régional désigné	43,0
30047		C	VP			Bio-immuno.	Anti-thyroglobuline		Résultat	Régional	11,1
30048		C	VP			Bio-immuno.	Anti-thyropéroxydase (anti-TPO)		Résultat	Régional	5,7
30049		C	VP			Bio-immuno.	Anti-transglutaminase		Résultat	Régional	10,0
30052		C	VP			Bio-clinique	Apolipoprotéine AI		Résultat	Régional	7,6
30054		C	VP			Bio-clinique	Apolipoprotéine B		Résultat	Régional	4,1
30060		C	VP			Bio-clinique	Aspartate amino-transférase (AST)		Résultat	Local	0,6
30065		C	VP			Bio-clinique	Alpha-1-antitrypsine (sérique)		Résultat	Régional	7,0
30068		C	VP			Bio-immuno.	Anti-acide glutamique décarboxylase (GAD) (sérique)		Résultat	Supra	11,4
30069	*					Bio-EBMD	Gestion des EBMD		Résultat	Local	0,4
30070	*	C	VP			Bio-EBMD	Glucose par glucomètre		Résultat	Local	2,8

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30072		C	VP			Bio-EBMD	Entretien d'un appareil de gaz sanguin hors laboratoire (évaluation complète incluant nettoyage et contrôle)		Instrument	Local	31,0
30073						Bio-médicament	Léflunomide (Arava®)		Résultat	Supra	44,0
30075						Bio-clinique	Vert d'indocyanine (épreuve au)		Résultat	Supra	161,0
30076	*					Bio-clinique	Acide lactique (par électrode spécifique)		Résultat	Local	2,7
30077		C	VP			Bio-hormone	Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-désoxycortisol)		Rapport	Supra	64,0
30078		C	VP			Bio-clinique	Procalcitonine		Résultat	Local	20,0
30079		C	VP			Bio-clinique	Urine (examen microscopique) (automatisé)		Rapport	Local	2,4
30080		C	VP			Bio-clinique	Bêta-2 microglobuline (β2-M)		Résultat	Régional	6,8
30081		C	VP			Bio-clinique	Bêta-2 Transferrine (LCR et sérum)		Rapport	Supra	270,0
30082		C	VP			Bio-clinique	Bêta-Hydroxybutyrate (sérique)		Résultat	Local	9,0
30083		C	VPr			Bio-clinique	Bilirubine directe (conjuguée)		Résultat	Local	0,6
30084		C	VPr			Bio-clinique	Bilirubine totale		Résultat	Local	0,6
30086		C	VP			Bio-clinique	Bandes oligoclonales (par focalisation) (LCR et sérum)		Rapport	Supra	86,0
30087		C	VP			Bio-médicament	Flécaïnide (Flecainide®)		Résultat	Supra	154,0
30088						Bio-médicament	Ganciclovir (Cytovene®)		Résultat	Supra	64,0
30089						Bio-médicament	Milrinone (Primacor®)		Résultat	Supra	128,0
30090		C	VP			Bio-médicament	Posaconazole (Posanol®)		Résultat	Supra	120,0
30092		C	VP			Bio-médicament	Thiopurine S-méthyltransferase (TPMT)		Résultat	Supra	50,0
30095		C	D, VPr			Bio-clinique	BNP et NT-PRO-BNP (<i>Brain Natriuretic Peptide</i>)		Résultat	Local	12,5
30096		C	VP			Bio-médicament	Itraconazole - hydroxyitraconazole (Sporanox®)		Rapport	Supra	118,0
30099		C	VP			Bio-médicament	Isavuconazole (Cresemba ^{MC})		Résultat	Supra	80,0
30100		C	VP			Bio-clinique	CA 125		Résultat	Régional	6,0
30101		C	VP			Bio-clinique	CA 15-3 ou 27-29		Résultat	Régional	6,6
30102		C	VP			Bio-clinique	CA 19-9		Résultat	Régional	5,6
30104		C	VP			Bio-hormone	Calcitonine		Résultat	Supra	35,0
30105		C	VPr			Bio-clinique	Calcium total		Résultat	Local	0,7

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30106						Bio-clinique	Calcium ionisé mesuré		Rapport	Local	4,8
30107		C	VP		I	Bio-clinique	Calculs rénaux (colorimétrie)		Rapport	Supra	65,0
30108					I	Bio-clinique	Calculs rénaux (spectrométrie)		Rapport	Supra	32,0
30111	*					Bio-clinique	Carotènes totaux (quantitatif)		Rapport	Supra	21,0
30112						Bio-hormone	Catécholamines plasmatiques		Rapport	Supra	57,0
30113		C	VP			Bio-hormone	Catécholamines urinaires		Rapport	Supra	54,0
30114		C	VP			Bio-clinique	Céruoplasmine		Résultat	Régional	4,7
30115		C	VPr			Bio-clinique	Chlorures		Résultat	Local	0,6
30116		C	VP			Bio-clinique	Cholestérol – HDL		Résultat	Local	0,7
30117		C	VP			Bio-clinique	Cholestérol – LDL (mesuré)		Résultat	Régional	3,9
30119		C	VPr			Bio-clinique	Cholestérol total		Résultat	Local	0,6
30120						Bio-clinique	Chylomicrons (examen visuel après 24h)		Résultat	Local	2,6
30121		C	VP			Bio-clinique	Citrates (urine)		Résultat	Régional	4,8
30123		C	VP			Bio-clinique	CK-MB masse		Résultat	Régional	3,2
30124						Bio-clinique	CO ₂ total ou bicarbonate (dosage seulement)		Résultat	Local	2,0
30127						Bio-hormone	Cortisol libre urinaire incluant extraction		Résultat	Régional	16,7
30128		C	VP			Bio-hormone	Cortisol sérique ou urinaire sans extraction		Résultat	Local	3,6
30130		C	VPr			Bio-clinique	CK total		Résultat	Local	0,6
30131						Bio-clinique	CK (électrophorèse)		Rapport	Supra	39,0
30132		C	VPr			Bio-clinique	Créatinine		Résultat	Local	0,6
30133		C	VPr			Bio-clinique	Cristaux (liquide synovial)		Résultat	Local	39,0
30135						Bio-clinique	Cystine (qualitatif)		Résultat	Régional	15,0
30136						Bio-clinique	Cystine (HPLC)		Résultat	Supra	87,0
30137		C	VP			Bio-clinique	Chromogranine A		Résultat	Supra	38,0
30138		C	VP			Bio-clinique	D-lactate		Résultat	Supra	90,0
30140	*	C	VP			Dépistage prénatal	Estriol libre		Résultat	Supra	5,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30142		N			I	Bio-clinique	Cystatine C (immunoturbidimétrie)		Résultat	Régional désigné	5,1
30150		C	VP			Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (DHEA)		Résultat	Supra	18,1
30151		C	VP			Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S)		Résultat	Régional	8,7
30153		C	VP			Bio-clinique	Densité réfractométrie unique (exclut bandelette)		Résultat	Local	3,8
30155	*					Bio-clinique	Décantation micro-méthode		Spécimen	Local	7,5
30158		N			I	Bio-clinique	Dexaméthasone (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	10,9
30170		C	VP			Bio-clinique	Élastase fécale		Rapport	Supra	53,0
30171		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des lipoprotéines		Rapport	Supra	35,0
30173						Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (sérum)		Rapport	Régional	11,3
30174		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (urine)		Rapport	Régional	26,0
30176		C	VP			Bio-clinique	Enzyme de conversion angiotensine (ACE)		Résultat	Régional désigné	6,7
30177	*	C	VP			Bio-toxico.	Éthanol (alcool éthylique)		Résultat	Local	3,0
30178		C	VP			Bio-médicament	Ethosuximide (Zarontin®)		Résultat	Supra	74,0
30181		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des protéines par méthode capillaire		Rapport	Régional	8,5
30182		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation avec sérum pentavalent		Rapport	Régional	13,9
30183	*	C	VP			Dépistage prénatal	Protéine A associée à la grossesse (PAPP-A)		Résultat	Supra	9,2
30186	*					Bio-clinique	Sueur (test à la) (conductivité)		Résultat	Régional	24,0
30190		C	VP			Bio-clinique	Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC)		Résultat	Local	2,1
30191		C	VP			Bio-clinique	Fer (sérum)		Résultat	Local	0,6
30193		C	VP			Bio-clinique	Ferritine		Résultat	Local	3,2
30194		C	VP			Bio-clinique	Test du travail prématuré (fibronectine foetale)		Résultat	Local	131,0
30195		C	VP			Bio-clinique	Acide folique érythrocytaire		Résultat	Régional	6,6
30196		C	VP			Bio-clinique	Fructosamine		Résultat	Régional	2,3
30197		C	VP			Bio-clinique	Dosage du FGF23 : dosage immunologique par chimiluminescence (CLIA)		Résultat	Supra	95,0
30198		C	VP			Bio-clinique	Test de rupture de membrane		Résultat	Local	56,0
30209						Bio-clinique	Transferrine carboxy déficiente (CDT)		Résultat	Supra	46,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30210		C	VPr			Bio-clinique	Gamma glutamyl transférase (GGT)		Résultat	Local	0,6
30211		C	VP			Bio-hormone	Gastrine		Résultat	Supra	11,4
30212		C	VP			Bio-clinique	Gaz sanguins (pO ₂ , pCO ₂ , pH, HCO ₃ , COHb, méthHb, oxyHb, SulfHb, CO ₂ total)		Rapport	Local	5,6
30214		C	VPr			Bio-clinique	Glucose		Résultat	Local	0,6
30215						Bio-clinique	Glycérol libre		Résultat	Supra	3,9
30230						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine foetale ou adulte (APT test) (selles)		Résultat	Local	22,0
30233						Bio-clinique	Hémosidérine (urine)		Résultat	Régional	30,0
30234		C	D			Bio-clinique	Homocystéine		Résultat	Supra	78,0
30235		C	VP			Bio-clinique	Homocystéine (immuno-enzymatique)		Résultat	Régional	10,4
30237		C	VP			Bio-hormone	Hormone adrénocorticotropique (ACTH)		Résultat	Régional désigné	10,1
30239		C	VP			Bio-hormone	Hormone de croissance (HGH)		Résultat	Supra	8,7
30240		C	VP			Bio-hormone	Hormone folliculo-stimulante (FSH)		Résultat	Régional	3,3
30241		C	VP			Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum ou urine) (qualitatif)		Résultat	Local	6,4
30242	*	C	VP			Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif)		Résultat	Local	4,7
30243		C	VP			Bio-hormone	Hormone lutéinisante (LH)		Résultat	Régional	3,3
30244		C	VP			Bio-hormone	Hormone parathyroïdienne (PTH)		Rapport	Régional	5,5
30245						Bio-hormone	5-HIAA -HVA-VMA		Rapport	Supra	37,0
30246						Bio-clinique	Hydrogène dans l'haleine (intolérance au lactose)		Rapport	Supra	71,0
30248	*	C	VP			Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c)		Rapport	Local	3,8
30249		C	VP			Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c) prétraitement seulement		Spécimen	Local	1,5
30262		C	VP			Bio-hormone	Interleukine-6 (IL-6)		Résultat	Supra	22,0
30268		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation des protéines sériques		Rapport	Régional	72,0
30269		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation des protéines urinaires		Rapport	Régional	77,0
30273		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgA		Résultat	Régional	3,5
30274		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgD		Résultat	Supra	63,0
30276		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE totale		Résultat	Régional	6,1

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30277		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgG		Résultat	Régional	3,2
30278		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgG (sous-classes)		Résultat	Régional désigné	9,2
30279		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgM		Résultat	Régional	3,5
30282	*	C	VP			Dépistage prénatal	Inhibine A		Résultat	Supra	11,1
30283		C	VP			Bio-hormone	Insuline		Résultat	Régional	4,5
30285		C	VP			Bio-clinique	Chaînes légères libres (Kappa/Lambda) (sériques)		Rapport	Régional	26,0
30286	* M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes communs)		Résultat	Supra	16,6
30287	* M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes occasionnels)		Résultat	Supra	19,7
30288	M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes moléculaires)		Résultat	Supra	22,0
30300		C	ÉC, VP			Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (électrophorèse) (LD)		Rapport	Supra	70,0
30301		C	VP			Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (LD)		Résultat	Local	0,6
30306		C	VP			Bio-clinique	Lipase		Résultat	Local	2,1
30308		C	VP			Bio-clinique	Lipoprotéine a (Lp(a))		Résultat	Régional	3,9
30329		C	VP			Bio-hormone	Catécholamines et métanéphrines libres (urine)		Rapport	Supra	47,0
30330		C	VP			Bio-clinique	Macro-enzyme ou Macro prolactine (recherche) (précipitation)		Rapport	Régional	40,0
30332		C	VP			Bio-clinique	Magnésium total		Résultat	Local	0,6
30335						Bio-médicament	Azathioprine (6MMP, 6-TG) / Mercaptopurine (6MP) (incluant prétraitement) (Imuran® / Purinethol®)		Rapport	Supra	85,0
30336		C	VP			Bio-hormone	Métanéphrines (urine)		Rapport	Supra	31,0
30337		C	VP			Bio-clinique	Microalbumine (urine)		Résultat	Local	2,6
30340		C	VP			Bio-clinique	Myoglobine (urine)		Résultat	Local	15,0
30360		C	VP			Bio-hormone	Oestradiol-17B		Résultat	Régional	4,5
30361		C	VP			Bio-hormone	Oestrone plasmatique		Résultat	Supra	6,5
30362		C	VP			Bio-clinique	Osmolalité		Résultat	Local	6,6
30363		C	VP			Bio-hormone	Ostéocalcine		Résultat	Régional	10,7
30364		C	VP			Bio-clinique	Oxalates (urine)		Résultat	Régional	14,1
30370		C	VP		I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	75,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30371		C	VP		I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (IFT) (qualitatif)		Résultat	Supra	156,0
30375		N			I	Bio-clinique	sFlt-1 / PlGF (investigation de la prééclampsie)		Rapport	Régional désigné	87,0
30382		C	VP			Bio-hormone	Peptide C		Résultat	Régional désigné	10,1
30383						Bio-clinique	pH (liquide biologique)		Résultat	Local	4,7
30386		C	VPr			Bio-clinique	Phosphatase alcaline		Résultat	Local	0,6
30388		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline (électrophorèse)		Rapport	Supra	128,0
30389						Bio-clinique	Phosphatase alcaline placentaire (PAPLA)		Résultat	Supra	37,0
30391		C	VPr			Bio-clinique	Phosphore		Résultat	Local	0,6
30393		C	VP			Bio-clinique	Porphobilinogène (PBG) (quantitatif)		Résultat	Supra	352,0
30394						Bio-clinique	Porphyrines (plasma) (quantitatif)		Rapport	Supra	147,0
30397		C	VP			Bio-clinique	Porphyrines (uro ou copro) (urine) (quantitatif)		Rapport	Supra	48,0
30398		C	VPr			Bio-clinique	Potassium		Résultat	Local	0,6
30399		C	VP			Bio-clinique	Préalbumine		Résultat	Local	3,5
30400		C	VP			Bio-hormone	Progestérone		Résultat	Régional	3,7
30401		C	VP			Bio-hormone	Progestérone (17-hydroxy)		Résultat	Supra	15,1
30402		C	VP			Bio-hormone	Prolactine		Résultat	Régional	3,6
30404						Bio-clinique	Protéines totales (autres liquides)		Résultat	Local	2,1
30405		C	VPr			Bio-clinique	Protéines totales (sérum)		Résultat	Local	0,6
30406		C	VP			Bio-clinique	Protoporphyrines érythrocytaires		Résultat	Supra	227,0
30407		C	VP			Bio-clinique	Antigène prostatique libre (PSA)		Résultat	Régional	5,9
30409						Bio-clinique	Pseudocholinestérase (typage) (FN + DN)		Rapport	Supra	79,0
30412		C	VP			Bio-clinique	Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible)		Résultat	Local	3,1
30450		C	VP			Bio-hormone	Rénine		Résultat	Supra	36,0
30452		C	VP			Bio-clinique	Porphyrines (selles) (dosage fractionné) (quantitatif)		Rapport	Supra	127,0
30469		C	VPr			Bio-clinique	Recherche immuno-chimique de sang dans les selles (RSOSi)		Résultat	Supra	6,8
30470						Bio-clinique	Sang dans les liquides biologiques (qualitatif)		Résultat	Local	9,3

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30471		C	VP			Bio-clinique	Sang dans les selles (qualitatif)		Résultat	Local	6,1
30472		C	VP			Bio-clinique	Carcinome cellule squameuse (SCC)		Résultat	Supra	8,9
30473		C	VP			Bio-clinique	Selles (examen microscopique, graisse, amidon, fibres) (qualitatif)		Résultat	Régional	17,2
30474		C	VP			Bio-clinique	Selles (mesure du poids sur 24 heures)		Résultat	Local	7,5
30476		C	VP			Bio-hormone	Sérotonine (HPLC)		Résultat	Supra	225,0
30477		C	VP			Bio-hormone	Sex hormone binding globulin (SHBG)		Résultat	Régional	4,2
30478		C	VPr			Bio-clinique	Sodium		Résultat	Local	0,6
30479		C	VP			Bio-hormone	Somatomédine C (IGF-1)		Résultat	Régional désigné	7,0
30482	*	C	VP			Bio-clinique	Sueur (test à la) (Iontophorèse) (stimulation, prélèvement)		Résultat	Local	80,0
30485	*	C	VP			Dépistage prénatal	Trisomie 21 – dépistage prénatal (gestion des données)		Rapport	Supra	32,0
30500		C	VP			Bio-hormone	T3 total (triiodothyronine totale) ou libre		Résultat	Local	3,4
30502		C	VP			Bio-hormone	T4L (thyroxine libre)		Résultat	Local	2,6
30504		C	VP			Bio-hormone	Télopeptides (C ou N) (sérum)		Résultat	Régional	8,5
30506		C	VP			Bio-hormone	Testostérone totale		Résultat	Régional	5,8
30508		C	VP			Bio-hormone	Thyroglobuline		Résultat	Régional	11,3
30511		C	VP			Bio-clinique	Transferrine		Résultat	Local	2,6
30512		C	VPr			Bio-clinique	Triglycérides		Résultat	Local	0,6
30513		C	VP			Bio-clinique	Troponine T ou I		Résultat	Local	4,3
30515		C	VP			Bio-clinique	Tryptase		Résultat	Supra	30,0
30516		C	VPr			Bio-hormone	TSH (hormone thyroïdienne)		Résultat	Local	2,1
30517	*					Bio-clinique	Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)		Rapport	Régional	23,0
30518		C	VP		I	Bio-hormone	Testostérone sérique par LC-MS/MS		Résultat	Supra	11,5
30531		C	VPr			Bio-clinique	Urée		Résultat	Local	0,6
30532						Bio-clinique	Urine (examen microscopique)		Rapport	Local	8,2
30533						Bio-clinique	Urine (examen sommaire)		Rapport	Local	2,6
30534						Bio-clinique	Urine (mesure du volume pour collecte minutée)		Résultat	Local	7,8

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30535						Bio-clinique	Acides biliaires totaux (dosage)		Résultat	Régional	24,0
30536	*	C	VPr			Bio-clinique	Calprotectine fécale (dosage, excluant extraction)		Résultat	Régional désigné	12,1
30537	*	C	VP			Bio-clinique	Calprotectine fécale (extraction)		Résultat	Local	8,1
30549		N*				Bio-clinique	Vitamine A (méthode fluorométrique)		Rapport	Supra	8,6
30550						Hémato-érythrocytaire	Viscosité plasmatique		Résultat	Régional	25,0
30551	*					Bio-clinique	Vitamine A + E (HPLC) (incluant β -carotène)		Rapport	Supra	42,0
30553		C	VP			Bio-clinique	Vitamine B12		Résultat	Local	3,2
30554		C	VPr			Bio-clinique	Vitamine C		Résultat	Supra	14,9
30555		C	VPr			Bio-clinique	Vitamine D 1-25 diOH		Résultat	Supra	27,0
30556		C	VP			Bio-clinique	Vitamine D 25 OH		Résultat	Régional	7,2
30557					I	Bio-clinique	Vitamines hydrosolubles (B1 et B6) (quantitatif) (HPLC)		Rapport	Supra	21,0
30580		C	VP			Bio-clinique	Xanthochromie LCR (mesurée)		Rapport	Régional	18,9
30581						Bio-clinique	Xylose		Résultat	Supra	50,0
30583		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline osseuse		Résultat	Régional	5,2
30584		C	VP			Bio-hormone	Cortisol salivaire		Résultat	Supra	17,0
30585		C	VP			Bio-hormone	Inhibine B		Résultat	Supra	78,0
30586		C	VPr			Bio-hormone	Métanéphrines plasmatiques libres		Résultat	Supra	55,0
30587		C	VP			Bio-hormone	Hormone anti Müllerian (AMH)		Résultat	Régional désigné	24,0
30588		C	VPr			Bio-hormone	3-méthoxytyramine (sérique)		Résultat	Supra	55,0
30589		C	VP			Bio-clinique	Dosage de la protéine apparentée à la parathormone (PTHrP)		Rapport	Supra	120,0
30600		C	VP			Bio-médicament	Acétaminophène		Résultat	Local	3,6
30601		C	VP			Bio-médicament	Acide valproïque		Résultat	Local	5,7
30602		C	VP			Bio-médicament	Amikacine		Résultat	Régional	7,5
30603						Bio-médicament	Amiodarone (Cordarone®)		Résultat	Supra	204,0
30604		C	VP			Bio-toxico.	Amphétamines / méthamphétamine (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,4
30607		C	VP			Bio-toxico.	Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique)		Résultat	Local	4,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30608		C	VP			Bio-médicament	Antidépresseurs tricycliques et non tricycliques (GC 9 résultats)		Rapport	Supra	140,0
30610		C	VP			Bio-médicament	Flucytosine (5-FC) (Ancotil®)		Résultat	Supra	234,0
30615		N*			I	Bio-médicament	Dosage sanguin de la fludarabine (HPLC-MS/MS)		Rapport	Supra	57,0
30619		C	VP			Bio-toxico.	Éthylglucuronide et éthylsulfate (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	69,0
30620		C	VP			Bio-toxico.	Barbituriques (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	7,8
30621		C	VP			Bio-toxico.	Benzodiazépines (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,7
30623		C	VP			Bio-médicament	Busulfan (Myleran®)		Résultat	Supra	179,0
30625		C	VP		I	Bio-toxico.	Buprénorphine (méthode immunoenzymatique homogène, semi-quantitatif)		Résultat	Supra	17,1
30630		C	VP			Bio-médicament	Carbamazépine		Résultat	Local	8,3
30631		C	VP			Bio-médicament	Cyclosporine (Neoral®)		Résultat	Supra	18,2
30632						Bio-médicament	Clozapine et nor-clozapine (Clozaril®)		Rapport	Supra	41,0
30633		N			I	Bio-médicament	Clozapine (dosage immunologique)		Rapport	Supra	27,0
30640		C	VP			Bio-médicament	Digoxine		Résultat	Local	6,2
30642	*					Bio-médicament	Antirétroviraux (ARV) / programme provincial de dosage des médicaments antirétroviraux		Rapport	Supra	60,0
30643	*	N			I	Bio-médicament	Dosage de médicaments antituberculeux		Échantillon	Supra	97,0
30660						Bio-médicament	Clobazam (Frisium®)		Résultat	Supra	110,0
30671		C	VP			Bio-médicament	Gentamicine		Résultat	Local	4,4
30680						Bio-médicament	Hypoglycémisants oraux		Rapport	Supra	30,0
30690		C	VP			Bio-médicament	Lamotrigine (Lamictal®)		Résultat	Supra	85,0
30691		C	VP			Bio-médicament	Lidocaïne (Xylocaïne®)		Résultat	Supra	60,0
30692		C	VP			Bio-médicament	Lithium (Li)		Résultat	Local	3,8
30693		C	VP			Bio-médicament	Lithium intra-érythrocytaire (Li)		Résultat	Supra	9,5
30694		N*			I	Bio-médicament	Linézolide (dosage plasmatique)		Rapport	Supra	74,0
30695		C	VP		I	Bio-médicament	Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	53,0
30696		C	VP		I	Bio-médicament	Anticorps anti-Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	63,0
30697		C	VP		I	Bio-médicament	Panel anticonvulsivant (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	30,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30701		C	VP			Bio-toxico.	Méthadone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,8
30702		C	VP			Bio-médicament	Méthotrexate		Résultat	Régional	41,0
30703						Bio-médicament	Mitotane (Lysodren®)		Résultat	Supra	18,9
30704		C	VP			Bio-médicament	Méthotrexate, 7-OH-méthotrexate et acide 2,4-diamino-N-méthylptéroïque (DAMPA) (LC-MS-MS)		Rapport	Supra	140,0
30711						Bio-médicament	Nitisinome (NTBC) (Orfadin®)		Résultat	Supra	32,0
30720						Bio-médicament	Olanzapine (Zyprexa®)		Résultat	Supra	58,0
30730		C	VP			Bio-médicament	Phénobarbital		Résultat	Local	7,7
30731		C	VP			Bio-médicament	Phénytoïne		Résultat	Local	5,6
30732						Bio-médicament	Phénytoïne libre		Résultat	Supra	148,0
30733		C	VP			Bio-médicament	Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®)		Rapport	Supra	60,0
30759		C	VP			Bio-médicament	Évérolimus (Afinitor®)		Résultat	Supra	127,0
30760		C	VP			Bio-médicament	Salicylates		Résultat	Local	3,8
30761						Bio-médicament	Sirolimus (Rapamune®)		Résultat	Supra	22,0
30770		C	VP			Bio-médicament	Tacrolimus (FK-506) (Prograf®)		Résultat	Supra	17,8
30771		C	VP			Bio-médicament	Théophylline		Résultat	Local	6,1
30773		C	VP			Bio-médicament	Tobramycine		Résultat	Local	8,5
30780		C	VP			Bio-médicament	Vancomycine		Résultat	Local	4,3
30781						Bio-médicament	Voriconazole (Vfend®)		Résultat	Supra	92,0
30782		C	VP		I	Bio-médicament	Mesure de l'activité de la L-Asparaginase		Résultat	Supra	44,0
30831		C	VP			Bio-toxico.	Cannabinoïdes (THC) (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,2
30834		C	VP			Bio-toxico.	Cocaïne (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,0
30850		C	VP			Bio-toxico.	Drogues (cannabis-THC, benzoylécgonine-cocaïne) (HPLC ou GCMS)		Rapport	Supra	129,0
30851		C	VP			Bio-toxico.	Drogues de rue / bandelette / drogue		Résultat	Local	2,8
30860		C	VP			Bio-toxico.	Fer (analyse dans les biopsies)		Résultat	Supra	118,0
30883		C	VP			Bio-toxico.	Oxycodone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	17,9
30890		C	VP			Bio-toxico.	Opiacés (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	3,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
30891		C	VP			Bio-toxico.	PCP (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	2,6
30893						Bio-toxico.	Dépistage toxicologique général (GCMS/NPD) (sérum-plasma-urine-liquide gastrique)		Rapport	Supra	190,0
30980		C	VP			Bio-toxico.	Zinc (spectrophotométrie)		Résultat	Supra	9,3
30981						Bio-toxico.	Zinc (ICP-MS)		Résultat	Supra	29,0
31042		C	VP			Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunoblot)		Rapport	Supra	48,0
31050		C	VP			Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunofluorescence)		Rapport	Supra	15,4
31098		C	VP		I	Bio-médicament	Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	48,0
31099		C	VP		I	Bio-médicament	Anticorps anti-Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	48,0
40005		C	VP			Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (antigène dans les selles)		Résultat	Local	30,0
40007		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (Ag) glutamate déshydrogénase (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Résultat	Local	19,4
40008		C	VP		I	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (test respiratoire à l'urée) (spectrométrie de masse à ratio isotopique)		Rapport	Supra	16,0
40018		C	H, VP			D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse non homologuée)		Rapport	Régional désigné	51,0
40020		C	VP			Micro-bact.	Bactérie Gram négatif multirésistance (bêta-lactamase-ESBL, carbapenemase) (dépistage)		Rapport	Local	8,9
40021						Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (culture sur biopsie gastrique)		Rapport	Régional	21,0
40022		C	VP			Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (uréase rapide sur biopsie gastrique)		Résultat	Local	10,5
40025		C	VP			Micro-bact.	Bronchoscopie (culture quantitative)		Rapport	Local	9,1
40026		C	VP			Micro-bact.	Bronchoscopie (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	12,4
40046		C	D, VPr			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon – méthode Sensititre) (par bactérie)		Résultat	Local	39,0
40047		C	VP			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie)		Résultat	Local	18,2
40048						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie)		Résultat	Local	24,0
40049		C	VP			Micro-bact.	Cathéter (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	11,9
40051						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en agar) (steer) (par bactérie)		Résultat	Régional	36,0
40053	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemencement sans identification		Spécimen	Local	2,7
40063		C	VP			Micro-bact.	Enterococcus résistant à la vancomycine (ERV) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	6,6
40065		C	VP			Micro-bact.	Expectorations (bactériologie) (inclut spécimen rejeté après Gram)		Rapport	Local	13,9

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
40080						Micro-bact.	Gorge (culture Strepto A, C, G ou bêta-hémolytique)		Rapport	Local	13,4
40101						Micro-bact.	Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie)		Rapport	Local	5,1
40102		C	VP			Micro-bact.	Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie)		Rapport	Local	10,9
40103	*	C	VP			Micro-bact.	Identification d'une bactérie après incubation courte, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	9,2
40124	*					Micro-bact.	Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,7
40125	*					Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API)		Résultat	Local	26,0
40126	*	C	VP			Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®)		Résultat	Local	7,9
40127	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie)		Rapport	Local	6,8
40128	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF)		Rapport	Local	6,8
40130	*					Micro-bact.	Coloration Gram (sur colonie)		Lame	Local	8,7
40140						Micro-bact.	Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion)		Rapport	Local	10,9
40160		C	VP			Micro-bact.	<i>Legionella</i> (antigène urinaire)		Résultat	Local	45,0
40161						Micro-bact.	<i>Legionella</i> (culture sur spécimen clinique)		Rapport	Local	31,0
40164		C	VP			Micro-bact.	Liquide céphalo-rachidien (LCR) (culture)		Rapport	Local	19,3
40165						Micro-bact.	Liquide biologique (autre que LCR) (culture)		Rapport	Local	43,0
40200						Micro-bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> (culture) (tous sites)		Rapport	Local	20,0
40201		C	VP			Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (nez) (culture) (sauf SARM)		Rapport	Local	10,4
40202						Micro-bact.	<i>Nocardia</i> (culture)		Rapport	Régional	40,0
40220		C	VP			Micro-bact.	Oreille ou conduit auditif externe (culture)		Rapport	Local	11,6
40240		C	VP			Micro-bact.	Pneumocoque (antigène urinaire) (urine ou LCR)		Rapport	Local	34,0
40242	*	C	VP			Micro-bact.	Pus profond (avec recherche d'anaérobies, incluant <i>Actinomyces</i>)		Rapport	Local	16,7
40243	*					Micro-bact.	Pus superficiel (sans recherche d'anaérobies)		Rapport	Local	10,4
40260		C	VP			Micro-bact.	Sécrétions conjonctivales (culture)		Rapport	Local	16,3
40261						Micro-bact.	Sécrétions trachéobronchiques (culture)		Rapport	Local	20,0
40262						Micro-bact.	Sécrétions vaginales (culture, état frais, KOH)		Rapport	Local	8,5

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
40263		C	VP			Micro-bact.	Selles (culture)		Rapport	Local	26,0
40264		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (test rapide) (ELISA sur membrane) (selles)		Rapport	Local	34,0
40265						Micro-bact.	Spécimen respiratoire pour fibrose kystique pancréas (FKP) (culture) (incluant <i>Burkholderia cepacia</i> et <i>Pseudomonas</i>)		Rapport	Régional	43,0
40266						Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	6,6
40268		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe A (détection d'antigène) (test rapide sur spécimen clinique)		Rapport	Local	19,3
40269		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale		Résultat	Local	13,1
40270		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale (agglutination sur bouillon)		Résultat	Local	18,1
40271		C	VP			Micro-bact.	Stérilité (produit sanguin)		Rapport	Local	42,0
40280						Micro-bact.	Sécrétions vaginales (Gram direct pour vaginose)		Rapport	Local	24,0
40285	*	C	VP			Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (sans encapsulation)		Usager	Local	171,0
40286	*	C	VP			Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (avec encapsulation)		Don	Local	609,0
40310						Micro-bact.	Urine (toutes méthodes de prélèvement)		Rapport	Local	5,2
40330						Micro-bact.	Selles (vérocytotoxine <i>E. coli</i>) (culture cellulaire)		Rapport	Régional	65,0
40352		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (GDH) + (toxines A et B) (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Rapport	Local	25,0
40400		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale (par spécimen clinique) stérilité (par ampoule ou caps) (ATTEST)		Rapport	Local	7,7
40401		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale par site (air)		Rapport	Local	5,6
40403		C	VP			Micro-enviro.	Préparation pour culture environnementale par site (eau) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	13,3
40405		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Aspergillus</i>		Rapport	Local	10,4
40420						Micro-enviro.	Culture environnementale (autre) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	10,7
40450						Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Legionella</i>		Rapport	Local	52,0
40480						Micro-enviro.	Stérilité (préparation pharmaceutique)		Rapport	Local	20,0
40602		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Aspergillus</i> IgG ou Ac totaux (par Ag) (contre-immunoelectrophorèse)		Rapport	Supra	13,4
40603		C	VP			Micro-imm-séro.	Diphthérie IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	27,0
40604		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Hémophilus influenzae</i> (IgG ou Ac totaux)		Rapport	Supra	32,0
40605						Micro-imm-séro.	Pneumocoque IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	383,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
40606		C	VP			Micro-imm-séro.	Tétanos IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	27,0
40641		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalo­virus (CMV) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	13,7
40642		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalo­virus (CMV) IgM spécifique		Résultat	Régional	15,7
40647		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalo­virus (CMV) IgG spécifique (mesure de l'avidité)		Résultat	Supra	43,0
40661						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV-EA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	69,0
40662		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,6
40663		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	35,0
40665		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,6
40666		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	36,0
40667		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgM spécifique		Résultat	Régional	14,7
40680		C	D, VP			Micro-imm-séro.	Fièvre Q : <i>Coxiella burnettii</i> IgG		Résultat	Supra	92,0
40681						Micro-imm-séro.	<i>Bartonella</i> , maladie des griffes de chat (anticorps)		Résultat	Supra	38,0
40690		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Helicobacter pylori</i> IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	9,6
40693		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes simplex IgG ou Ac totaux		Rapport	Régional	14,7
40695		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes simplex (IgG spécifique type 1 ou 2) (par Ag)		Résultat	Régional	7,4
40698		C	VP			Micro-imm-séro.	HTLV 1 et 2 IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	11,8
40740		C	VP			Micro-imm-séro.	Mononucléose anticorps hétérophile (agglutination)		Résultat	Local	17,2
40744						Micro-imm-séro.	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> IgM spécifique (ELISA)		Résultat	Régional	25,0
40750		C	VP			Micro-imm-séro.	Oreillons IgG ou Ac totaux (ELISA)		Résultat	Supra	10,5
40751		C	VP			Micro-imm-séro.	Oreillons IgM spécifiques (ELISA)		Résultat	Supra	12,0
40772		C	VP			Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgM spécifique		Résultat	Régional	23,0
40773		C	VP			Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	18,6
40791		C	VP			Micro-imm-séro.	Rougeole IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	11,7
40792		C	VP			Micro-imm-séro.	Rougeole IgM spécifique		Résultat	Supra	12,6
40794		C	VP			Micro-imm-séro.	Rubéole IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	11,5
40797		C	VP			Micro-imm-séro.	Rubéole IgM spécifique		Résultat	Supra	11,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
40800		C	VP			Bio-immuno.	Facteur rhumatoïde (RA)		Résultat	Local	10,4
40811		C	VP			Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (néphélobimétrie)		Résultat	Local	2,9
40812		C	VP			Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (manuel)		Résultat	Local	17,7
40813						Micro-imm-séro.	Streptozyme streptocoque du groupe A IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	22,0
40814		C	VP			Micro-imm-séro.	Syphilis antigène non tréponémique (RPR) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	15,2
40815		C	VP			Micro-imm-séro.	Syphilis antigène tréponémique IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	5,5
40816		C	VP			Micro-imm-séro.	Streptocoque du groupe A (qualitatif) sur lame		Résultat	Local	9,7
40832		C	VP			Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	12,1
40833		C	VP			Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgM spécifique		Résultat	Régional	18,1
40840						Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux (test rapide)		Rapport	Local	33,0
40850		C	D, VP			Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	7,4
40853		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgG spécifique		Résultat	Régional	15,5
40855		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgM spécifique		Résultat	Supra	12,5
40900		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (hémoculture)		Rapport	Local	20,0
40901						Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu liquide seul)		Rapport	Régional	50,0
40902		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu solide et liquide)		Rapport	Régional	54,0
40904		C	ÉC			Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (auramine)		Résultat	Local	27,0
40907		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (Ziehl)		Résultat	Local	48,0
40920						Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (PPD) (induration et lecture) (fait par un technologiste)		Résultat	Local	9,9
40921		C	VP			Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (test de libération d'interferon Gamma, TLIG)		Résultat	Régional	43,0
40922	*					Micro-mycobact.	Identification d'une mycobactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,7
41000		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en bandelette sur gélose (ex. : E-TEST ou Liofilchem)		Résultat	Régional	19,0
41001		C	VP			Micro-mycolo.	Galactomannane (antigène <i>Aspergillus</i>) (ELISA)		Rapport	Régional	55,0
41020		C	VP			Micro-mycolo.	Cryptocoque (Ag) (sérum ou LCR) (agglutination)		Résultat	Local	15,8
41031		C	VP			Micro-mycolo.	Mycoses (hémoculture)		Rapport	Local	11,1
41050						Micro-mycolo.	Levures (culture spécifique)		Rapport	Local	12,8

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
41051		C	VP			Micro-mycolo.	<i>Candida auris</i> ; culture spécifique (dépistage par gélose chromogénique) sur spécimen clinique		Rapport	Local	12,7
41055		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microdilution en bouillon – méthode CLSI ou Sensititre YeastOne (par levure)		Résultat	Régional	58,0
41056						Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en disque sur gélose (Kirby Bauer) – méthode CLSI		Résultat	Régional	26,0
41070						Micro-mycolo.	Mycologie (examen direct sur spécimen clinique) (incluant état frais, KOH, calcofluor)		Rapport	Local	27,0
41071	*					Micro-mycolo.	Mycose profonde (incluant levures)		Rapport	Régional	51,0
41072	*					Micro-mycolo.	Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures)		Rapport	Régional	42,0
41073		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microplaque sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan® (par levure)		Rapport	Régional	22,0
41076	*					Micro-mycolo.	Champignons filamenteux (identification manuelle)		Rapport	Régional	56,0
41077	*	C	VPr			Micro-mycolo.	Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	28,0
41078	*	C	VPr			Micro-mycolo.	Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,5
41120						Micro-paras.	Malaria (détection rapide d'Ag) (immunochromatographie)		Rapport	Local	23,0
41121		C	VP			Micro-paras.	Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration)		Rapport	Local	21,0
41122						Micro-paras.	Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie)		Rapport	Régional	76,0
41140						Micro-paras.	Oxyures (recherche par ruban collant)		Rapport	Local	18,8
41150		C	D			Micro-paras.	Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria)		Rapport	Régional	109,0
41151						Micro-paras.	Parasites fécaux (<i>Giardia</i> , <i>Cryptosporidium</i>) (immunofluorescence)		Rapport	Régional	44,0
41152	*	C	D, H			Micro-paras.	Parasites intestinaux (microscopie) (coloration permanente – hématoxyline ferrique – incluant la lecture)		Rapport	Régional désigné	31,0
41153		C	D, H			Micro-paras.	Parasites intestinaux (microscopie) (par concentration et coloration iodée – incluant la lecture)		Rapport	Régional désigné	31,0
41154		C	VP			Micro-mycolo.	<i>Pneumocystis jirovecii</i> (détection) (immunofluorescence directe)		Résultat	Régional	102,0
41155	*	N				Micro-mycolo.	Parasites intestinaux (coccidies) (microscopie) (coloration permanente – Kinyoun modifié – incluant la lecture)		Rapport	Régional désigné	31,0
41156	*	N				Micro-mycolo.	Parasites intestinaux (microsporidies) (microscopie) (coloration permanente – trichrome modifié – incluant la lecture)		Rapport	Supra	31,0
41160		C	H, VPr			Micro-paras.	Strongyloïdose (culture spécifique)		Rapport	Régional	72,0
41170						Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (culture)		Rapport	Local	35,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
41171		C	VP			Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (détection d'Ag)		Rapport	Local	14,1
41180		C	D			Micro-paras.	Ectoparasites (incluant les tiques) et vers (identification)		Rapport	Local	12,4
41281		C	VP			Micro-viro.	Herpes simplex type I et II (culture cellulaire et typage)		Rapport	Régional	103,0
41282		C	VP			Micro-viro.	Herpes simplex type I ou II (détection rapide sur spécimen clinique incluant typage) (par immunofluorescence)		Rapport	Régional	38,0
41301		C	VP			Micro-viro.	Influenza (incluant A et B) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Rapport	Local	32,0
41370		C	VP			Micro-viro.	Rotavirus (détection rapide) (ELISA)		Résultat	Local	31,0
41371		C	VP			Micro-viro.	Virus respiratoire syncytial (VRS) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Résultat	Local	47,0
41382		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (ELISA sur microplaque) (selles)		Rapport	Local	25,0
41417	*	C	D			Micro-viro.	Protocole spécialisé pour la gestion des spécimens pour maladie à virus Ebola/maladies respiratoires sévères infectieuses (MVE/MRSI) au laboratoire		Spécimen	Local	28,0
45002		C	VP		I	Hémato-immunologie	Anti-récepteur glutamate (NMDA) (recherche d'anticorps)		Résultat	Supra	97,0
45004		C	VP			D. mol. infectiologie	Adénovirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Supra	48,0
45008		C	VP			D. mol. infectiologie	BK/JC polyomavirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	51,0
45009		N				D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> ; détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	28,0
45010		C	H, D, VP			D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> , <i>Bordetella parapertussis</i> , <i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	28,0
45011		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> ; détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	65,0
45013		N*				D. mol. infectiologie	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire		Rapport	Régional désigné	49,0
45015		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Candida auris</i> ; dépistage (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	14,4
45017		C	D, VP			D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse homologuée)		Rapport	Régional désigné	36,0
45018		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen urinaire		Rapport	Local	5,0
45020		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen extra-génital		Rapport	Local	5,0
45021		C	D, H, VP			D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	12,6
45022		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen génital		Rapport	Local	5,0
45023		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Trichomonas vaginalis</i> (TAAN) (trousse homologuée)		Résultat	Local	9,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
45024		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma genitalium</i> (TAAN) (trousse homologuée)		Résultat	Local	17,1
45025		C	VP			D. mol. infectiologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	120,0
45026		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)		Rapport	Local	36,0
45027	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (plateforme m2000/Alinity-m)		Rapport	Régional	34,0
45028	*	C	D, VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 5800/6800/8800)		Rapport	Régional	17,6
45029	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene)		Rapport	Régional	14,3
45030		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	Herpesviridea; résistance aux antiviraux (séquençage)		Rapport	Supra	590,0
45031	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	28,0
45032		C	VP			D. mol. infectiologie	Cytomégalovirus (CMV) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	37,0
45033	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	62,0
45034	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	14,8
45035		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	4,9
45036		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	34,0
45038		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérovirus; détection (TAAN) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)		Résultat	Supra	37,0
45139		N*				D. mol. infectiologie	Infections articulaires; détection de bactéries, levures et gènes de résistance antimicrobien (TAAN) (multiplex) (liquide synovial)		Rapport	Régional désigné	172,0
45040		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Escherichia coli</i> producteur de shiga-toxines (STEC); détection (TAAN) sur bouillon d'enrichissement		Résultat	Supra	19,5
45041		C	VP			D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	28,0
45043		C	VP		I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique (trousse non homologuée)		Rapport	Supra	16,9
45045		C	VP		I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite virale; détection de multiples virus (TAAN) (multiplex, trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	61,0
45047		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV) et bactérie Gram négatif productrice de carbapénémase (BGNPC) (dépistage); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	35,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
45048		C	VP			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	41,0
45050		C	VP			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	43,0
45051	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	99,0
45052	*	C	VPPr			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	24,0
45053	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	57,0
45054	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	30,0
45055	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex (virus et bactéries, incluant SRAS-CoV-2) (TAAN) trousse homologuée sur spécimen clinique		Rapport	Régional	148,0
45056		C	D, VPPr			D. mol. infectiologie	Hépatite B (VHB); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	29,0
45060	*	C	D, VPPr			D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	29,0
45062		C	VP			D. mol. infectiologie	Hépatite E (VHE); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	87,0
45064		N				D. mol. infectiologie	<i>Herpes simplex</i> type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	43,0
45065		C	D			D. mol. Infectiologie	Herpes simplex type 1, Herpes simplex type 2 (HSV1, HSV2) et virus Varicella-Zoster (VZV); (TAAN) (canal ouvert ou test développé par le laboratoire) sur échantillon muco-cutané		Rapport	Régional désigné	26,0
45066		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Herpes simplex</i> type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Régional	56,0
45068		C	VP			D. mol. infectiologie	Herpes virus; détection multiplex 7 virus: HSV1, HSV2, CMV, EBV, VZV, HHV6, HHV7 (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	13,4
45072		C	VP			D. mol. infectiologie	HLA-B*57:01 détection (TAAN) sur sang		Rapport	Supra	43,0
45074		C	D, VPPr			D. mol. infectiologie	<i>Plasmodium sp.</i> (Malaria); détection (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)		Rapport	Régional désigné	80,0
45076		C	VP			D. mol. infectiologie	Méningite bactérienne; détection multiplex 5 bactéries: <i>S. pneumoniae</i> , <i>N.meningitidis</i> , <i>S. agalactiae</i> , <i>L.monocytogenes</i> , <i>H. influenzae</i> type b (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Supra	13,2
45077		C	VP		I	D. mol. infectiologie	Méningo-encéphalite; détection de multiples pathogènes (bactéries, virus, levure) (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Régional	146,0
45082		C	VP			D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	77,0
45084		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (BK); identification (TAAN) sur culture solide ou liquide		Rapport	Régional	54,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
45086		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma hominis</i> , <i>Mycoplasma genitalium</i> et <i>Ureaplasma</i> spp.; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	80,0
45088		C	D, H, VPr			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydomphila pneumoniae</i> ; (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	21,0
45092		C	VP		I	D. mol. infectiologie	Paréchovirus charge virale (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	12,7
45094		C	VP			D. mol. infectiologie	Parvovirus B 19; (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	132,0
45098		C	VP			D. mol. infectiologie	Protozoaires entériques; (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	45,0
45099		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	4,6
45100		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	33,0
45104		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Tropheryma whipplei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	180,0
45105		N				D. mol. infectiologie	Vaginose bactérienne (TAAN) (trousse homologuée)		Rapport	Régional désigné	18,8
45106		N				D. mol. infectiologie	Vaginite à levures (TAAN) (trousse homologuée)		Rapport	Régional désigné	10,4
45108		N*				D. mol. infectiologie	Rougeole; génotypage souche A (souche vaccinale – genoA) (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	12,2
45110		N				D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VVZ); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	57,0
45111		C	H, VPr			D. mol. infectiologie	Virus de la rougeole; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	35,0
45112	*	C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Régional désigné	28,0
45113		C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VVZ); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Régional désigné	50,0
45114	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage de l'intégrase (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	133,0
45116	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage du tropisme (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	317,0
45118	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage pour résistance aux antirétroviraux (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	200,0
45120		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus Epstein-Barr (EBV); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	56,0
45124		C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	15,9
45130		C	D, H, VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	34,0
45131		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	40,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
45132		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex ≥ 12 virus (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	115,0
45134		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex ≥ 12 virus (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou développée par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	59,0
45139		N				D. mol. infectiologie	Infections articulaires; détection de bactéries, levures et gènes de résistance antimicrobien (TAAN) (multiplex) (liquide synovial)		Rapport	Régional désigné	172,0
45140						D. mol. infectiologie	Virus du sarcome de Kaposi (HHV8); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	265,0
45141						D. mol. infectiologie	Arthrite septique et infection pleurale bactérienne; détection multiplex 4 bactéries: <i>Kingella kingae</i> , <i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B), <i>Streptococcus pneumoniae</i> et <i>Streptococcus pyogenes</i> (Streptocoque du groupe A) (TAAN) sur liquide pleural ou articulaire		Rapport	Supra	42,0
45142		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	17,9
45143		C	D, VP			D. mol. infectiologie	<i>Pneumocystis jirovecii</i> ; détection (TAAN semi-quantitatif / quantitatif)		Rapport	Régional désigné	107,0
45144		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	22,0
50055		C	VP			Génétique-cyto.	Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)		Rapport	Supra	582,0
50105		C	VP			Génétique-cyto.	Analyse quantitative post détection de CNV pour confirmation ou dépistage familial (par TAAN)		Rapport	Supra	154,0
50390		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)		Rapport	Supra	73,0
50400		C	VP			Génétique-bio.	Précurseur du cholestérol ou profil des stérols plasmatiques		Rapport	Supra	43,0
50401		C	VP			Génétique-bio.	AcétylCoA: glucosaminide N-acétyltransférase (MPS III C)		Rapport	Supra	379,0
50404		C	VP			Génétique-bio.	Acide méthylmalonique		Rapport	Supra	22,0
50405		C	VP			Génétique-bio.	Acide orotique		Rapport	Supra	85,0
50407		C	VP			Génétique-bio.	Acide pipécolique		Rapport	Supra	40,0
50409		C	VP			Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		Rapport	Supra	1640,0
50410		C	VP			Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		Rapport	Supra	1139,0
50411		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (qualitatif)		Rapport	Supra	8,2
50412		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif)		Rapport	Supra	51,0
50415		C	VP			Génétique-bio.	Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)		Rapport	Supra	126,0
50416		C	VP			Génétique-bio.	Acide sialique		Rapport	Supra	97,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
50417		C	VP			Génétique-bio.	Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)		Rapport	Supra	32,0
50419		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-fucosidase (fucosidose)		Rapport	Supra	220,0
50420		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-galactosidase A (Fabry)		Rapport	Supra	218,0
50421		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-glucosidase (GSD II)		Rapport	Supra	236,0
50422		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-iduronidase (MPS I)		Rapport	Supra	277,0
50423		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	227,0
50424		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-N-acétyl-D-glucosaminidase (MPS III B)		Rapport	Supra	275,0
50425		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-N-acétylgalactosaminidase (Schindler)		Rapport	Supra	288,0
50429		C	VP			Génétique-bio.	Arylsulfatase A (leucodystrophie métachromatique)		Rapport	Supra	220,0
50432		C	VP			Génétique-bio.	Acides gras libres (colorimétrie-enzymatique automatisée)		Résultat	Supra	13,8
50433		C	VP		I	Génétique-bio.	Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)		Résultat	Supra	168,0
50440		C	VP			Génétique-bio.	Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	198,0
50450		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-galactocérobrosidase (Krabbe)		Rapport	Supra	434,0
50451		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-galactosidase (MPS IV B / GM1 gangliosidose)		Rapport	Supra	176,0
50452		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-glucosidase (Gaucher)		Rapport	Supra	222,0
50453		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-glucuronidase (MPS VII)		Rapport	Supra	222,0
50454		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase A (gangliosidose GM2) (dosage avec substrat sulfaté)		Rapport	Supra	189,0
50455		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase totale, A et B (gangliosidose GM2)		Rapport	Supra	320,0
50456		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	222,0
50457		C	VP			Génétique-bio.	Biotinidase		Rapport	Supra	114,0
50472		C	VP			Génétique-bio.	Carnitine libre et estérifiée (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	62,0
50476		C	VP			Génétique-cyto.	Culture de cellules fibroblastiques pour étude génétique (incluant recherche <i>Mycoplasma</i>)		Spécimen	Supra	1191,0
50477		C	VP			Génétique-bio.	Cystinose-lysosome (maladie lysosomiale)		Rapport	Supra	314,0
50483		C	VP			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A (<i>TREC</i> ; <i>SMN1</i>); (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	52,0
50484		C	VP			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse B (<i>SMN1</i> ; <i>TREC</i>) - test de 2e intention, partie 1; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	5,4

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
50485		C	VP			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C1 (SMN1) - test de 2 ^e intention, partie 2.1; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	74,0
50486		C	VP			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C2 (SMN2) - test de 2 ^e intention, partie 2.2; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	74,0
50487		C	VP			Dépistage néonatal	Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse B (TREC ; SMN1) - test de 2 ^e intention; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	9,4
50488		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)		Spécimen	Supra	2,1
50489		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2 ^e intention (électrophorèse capillaire)		Spécimen	Supra	9,8
50490		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)		Spécimen	Supra	6,5
50520		C	VP			Génétique-bio.	Galactosamine-6-sulfatase (MPS IV A)		Rapport	Supra	227,0
50521		C	VP			Génétique-bio.	Galactose-1-phosphate (enzymatique)		Rapport	Supra	391,0
50523		C	VP			Génétique-bio.	Guanidinoacétate-créatine		Rapport	Supra	19,1
50524		C	VP			Génétique-bio.	Globotriaosylceramide urinaire (Gb3) (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	46,0
50530		C	VP			Génétique-bio.	Heparan sulfate sulfatase (MPS III A)		Rapport	Supra	399,0
50540		C	VP			Génétique-bio.	Iduronate sulfatase (MPS II)		Rapport	Supra	370,0
50550		C	VP			Génétique-bio.	Lipase acide (Wolman / CESD)		Rapport	Supra	222,0
50561		C	VP			Génétique-bio.	Méthylentétrahydrofolate réductase (MTHFR) indice d'incorporation MTHF		Rapport	Supra	1168,0
50562		C	VP		I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (LC MS-MS)		Rapport	Supra	21,0
50565		C	VP		I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (quantitatif)		Rapport	Supra	98,0
50570		C	VP			Génétique-bio.	N-acétylglucosamine 6-sulfate sulfatase (MPS III D)		Rapport	Supra	401,0
50580		C	VP			Génétique-bio.	Oligosaccharides		Rapport	Supra	33,0
50600		C	VP			Dépistage néonatal	Phénylalanine sur sang séché		Spécimen	Supra	1,0
50601		C	VP			Génétique-bio.	Dosage des protéines pour test génétique biochimique		Spécimen	Supra	97,0
50602		C	VP			Génétique-bio.	Isolation de leucocytes pour test en génétique biochimique		Spécimen	Régional	113,0
50603		C	VP			Génétique-bio.	Hexosaminidase totale seulement		Rapport	Supra	176,0
50604		C	VP			Génétique-bio.	Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		Rapport	Supra	1028,0
50605		C	VP			Génétique-bio.	Purines et pyrimidines		Rapport	Supra	28,0
50608		C	VP			Génétique-bio.	Acides gras à longue chaîne (profil complet) (GC/MS)		Rapport	Supra	46,0
50620		C	VP			Génétique-bio.	Sialidase / neuraminidase (sialidose)		Rapport	Supra	226,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
50621		C	VP			Génétique-bio.	Sphingomyélinase (Niemann-pick A et B)		Rapport	Supra	320,0
50624		C	VP			Génétique-bio.	Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)		Rapport	Supra	75,0
50640		C	VP			Génétique-bio.	Tests métaboliques urinaires (DNPH - sulfitest)		Rapport	Régional	33,0
50641		C	VP			Dépistage néonatal	Thyroxine (T4) totale sur sang séché		Spécimen	Supra	5,2
50642		C	VP			Génétique-bio.	Transcobalamine II		Rapport	Supra	1140,0
50645		C	VP			Dépistage néonatal	Tyrosine sur sang séché		Spécimen	Supra	1,0
50646		C	VP			Dépistage néonatal	Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché		Rapport	Supra	3,9
50648	*	C	VP			Génétique-cyto.	Dissection de villosités choriales et culture		Rapport	Supra	231,0
50649	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype villosités choriales sur technique directe		Rapport	Supra	376,0
50710	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (liquide amniotique)		Rapport	Supra	619,0
50711	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (sang)		Rapport	Supra	486,0
50712	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (tissus)		Rapport	Supra	791,0
50713	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype pour hémopathies (moelle et sang)		Rapport	Supra	977,0
50714	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype pour tumeur solide		Rapport	Supra	1214,0
50715	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype villosités choriales après culture		Rapport	Supra	638,0
50716		C	VP			Génétique-cyto.	Colorations spéciales en cytogénétique (bande C-Q-DAPI-NOR)		Lame	Supra	244,0
50717		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire avec étude fonctionnelle cytogénétique inactivation de l'X		Rapport	Supra	1013,0
50718		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules en suspension)		Spécimen	Supra	116,0
50719	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation		Sonde	Supra	229,0
50720	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH en interphase		Sonde	Supra	274,0
50722	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH sur métaphase		Sonde	Supra	248,0
50723		C	VP			Génétique-cyto.	Congélation de culture cellulaire pour étude génétique		Spécimen	Supra	32,0
50724		C	VP			Génétique-cyto.	Décongélation et remise en culture de cellules pour étude génétique		Spécimen	Supra	29,0
50728		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules adhérentes)		Spécimen	Supra	302,0
50729	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)		Sonde	Supra	297,0
50740		C	VP			Génétique-cyto.	Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)		Rapport	Supra	1191,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
50742		C	VP			Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour anomalie de structure chromosomique (PGT-SR) (par embryon)		Rapport	Supra	457,0
50744		C	VP			Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse de cas et design de test		Rapport	Supra	1545,0
50746		C	VP			Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse préimplantatoire (par embryon)		Rapport	Supra	549,0
50800		C	VP			Dépistage néonatal	TSH sur sang séché		Spécimen	Supra	2,0
50802		C	D, VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)		Spécimen	Supra	10,9
55002		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Apolipoprotéine E; <i>APOE</i> (Cys112Arg et Arg158Cys) (TAAN)		Résultat	Supra	66,0
55008		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (gène récept. <i>LDL</i>) (del 5-15 Kb) (TAAN)		Rapport	Supra	109,0
55010		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)		Rapport	Supra	72,0
55012		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)		Rapport	Supra	109,0
55014						D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i>) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)		Rapport	Supra	47,0
55016		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i>) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)		Rapport	Supra	29,0
55036		N		R		D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	383,0
55037		N		R		D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des régions non couvertes par SNG de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	384,0
55039		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel global de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement)		Échantillon	Supra	613,0
55041		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel global de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG) (technique seulement)		Échantillon	Supra	613,0
55042		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux cardiomyopathies analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55043		C	D, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes à partir de données SNG déjà existantes pour l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	381,0
55044		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de délétions et duplications familiales ou confirmation de délétions et duplications (cardiogénétique) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55045		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de délétions et duplications familiales ou confirmation de délétions et duplications (dyslipidémies familiales) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55067		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux arythmies héréditaires analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55068		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux aortopathies héréditaires analysé à partir des données du panel global (cardiogénétique) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55069		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55070		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales) (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55081		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; TTR; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	212,0
55111		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF); LDLR; (recherche de larges variations génétiques par MLPA)		Rapport	Supra	101,0
55126		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage)		Rapport	Supra	204,0
55132		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; MMACHC, LMBR1D (séquençage)		Rapport	Supra	284,0
55133		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 SMN1, SMN2 (TAAN)		Rapport	Supra	113,0
55134		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 SMN1; (MLPA)		Rapport	Supra	421,0
55136		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); SMN1 (exon 7-8 del) (TAAN)		Rapport	Supra	313,0
55138		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); SMN1; (étude familiale par liaison génétique)		Rapport	Supra	1425,0
55142		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Ataxie de Friedreich (FA); FXN (expansion de trinuécléotides); (TAAN)		Rapport	Supra	84,0
55146		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MLH1, MSH2, MSH6, PMS2, EPCAM; (MLPA, analyse de délétion et duplication)		Rapport	Supra	99,0
55148		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MLH1, MSH2, MSH6, PMS2; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	173,0
55152		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MLH1, MSH2, MSH6; recherche d'une mutation, (TPT)		Rapport	Supra	291,0
55154		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MLH1; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	689,0
55156						D. mol. oncologie	Cancer du côlon; MLH1; méthylation du promoteur (TAAN)		Rapport	Supra	135,0
55158		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MSH2; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	633,0
55160		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MSH6; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	633,0
55162		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; MSH6; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	444,0
55164		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; PMS2; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	492,0
55166						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; BRCA1, BRCA2; mutations juives Ashkénazes (TAAN)		Rapport	Supra	185,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55167		C	VP		I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>PALB2</i> ; détection de l'allèle Q775X (séquençage)		Rapport	Supra	158,0
55168		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutation individuelle)		Rapport	Supra	142,0
55170		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutations canadiennes-françaises)		Rapport	Supra	468,0
55171		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire, héréditaire; <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations (SNG)		Rapport	Supra	536,0
55172		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); RET; (7 exons) (séquençage)		Rapport	Supra	504,0
55174		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (CMTX1); <i>GJB1</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	311,0
55176		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth type 1A (CMT1A); <i>PMP22</i> ; (TAAN quantitatif)		Rapport	Supra	368,0
55178		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); CIRHIN (CIRH1A); Arg565Trp; (TAAN)		Rapport	Supra	203,0
55180		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome d'Apert; <i>FGFR2</i> (Ser252Trp et Pro253Arg); (TAAN)		Rapport	Supra	222,0
55182		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome de Muenke; <i>FGFR3</i> (Pro250Arg); (TAAN)		Rapport	Supra	214,0
55194		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-Ib); <i>MPI</i> (Arg295His)		Rapport	Supra	18,5
55196		C	D, VP	R		D. mol. maladie héréditaire	Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); <i>ACADM</i> (SNG)		Rapport	Supra	76,0
55198		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); <i>SERPINA1</i> (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp)		Rapport	Supra	220,0
55204	*	C	VP		I	D. mol. maladie héréditaire	Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)		Rapport	Supra	200,0
55205		N*		R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Détermination du sexe fœtal par analyse de l'ADN circulant (pour risque génétique) (SNG)		Rapport	Supra	301,0
55208		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; <i>GJB6</i> (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val)		Rapport	Supra	244,0
55209		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (<i>FGFR3</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	325,0
55212		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; <i>DMD</i> ; (délétion/duplication)		Rapport	Supra	294,0
55214		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie myotonique de Steinert; (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	424,0
55218		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	207,0
55219		C	VP			Dépistage néonatal	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché		Rapport	Supra	94,0
55221		C	VP	R	I	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> (SNG)		Rapport	Supra	326,0
55223		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); <i>MEFV</i> (Glu148Gln, Met680Ile, Met694Val, Met694Ile et Val726Ala) (TAAN)		Rapport	Supra	292,0
55224		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hémochromatose héréditaire type I; <i>HFE</i> (C282Y, H63D) (TAAN)		Rapport	Supra	23,0
55228		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y (TAAN)		Rapport	Supra	317,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55236		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Encéphalite Cree; <i>TREX1</i> : Arg164Xaa, (TAAN)		Rapport	Supra	24,0
55238		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Leucoencéphalopathie Cree; eIF2B5: (Arg195His) (TAAN)		Rapport	Supra	24,0
55244		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Huntington (HD); <i>HTT</i> (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	412,0
55250		C	D, VP	R		D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (SNG)		Rapport	Supra	376,0
55252		C	VP	R		D. mol. maladie héréditaire	Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG)		Rapport	Supra	385,0
55254		C	VP			Généétique-bio.	Maladie mitochondriale, activité enzymatique		Rapport	Supra	1043,0
55255		C	VP			Généétique-bio.	Maladie mitochondriale, détection des complexes I à V (BN-PAGE)		Rapport	Supra	682,0
55256		C	VP	R*		D. mol. maladie héréditaire	Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation)		Résultat	Supra	649,0
55266		C	VP	R		D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); <i>PAH</i> (SNG)		Rapport	Supra	376,0
55268		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); <i>PAH</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	207,0
55274		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; <i>APC</i> ; (MLPA) recherche de duplication / délétion		Rapport	Supra	105,0
55276		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; <i>APC</i> , exon 15 (TPT)		Rapport	Supra	595,0
55280		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose intestinale multiple; <i>MUTYH</i> (REB), panel de mutations		Rapport	Supra	180,0
55288		C	D, VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB2</i> , Connexine 26 (SNG)		Rapport	Supra	337,0
55290		C	D, VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB2</i> , <i>GJB6</i> (SNG)		Rapport	Supra	207,0
55292		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB6</i> , Connexine 30, 2 délétions (TAAN)		Rapport	Supra	78,0
55294		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de l'X fragile; <i>FMR1</i> (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	145,0
55298		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation et détection du nombre de copies par MLPA)		Rapport	Supra	190,0
55300		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de RETT, gène <i>MECP2</i> (séquençage et MLPA)		Rapport	Supra	600,0
55302		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage)		Rapport	Supra	287,0
55305	*	C	VP			Dépistage prénatal	Test génomique prénatal non invasif (TGPNi)		Rapport	Supra	303,0
55311	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	32,0
55312	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	32,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55313	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	34,0
55314	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	45,0
55315		C	VPr		I	D. mol. maladie héréditaire	Mucopolidose de type II (MLII); <i>GNPTAB</i> : c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	46,0
55318	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	258,0
55319	*	C	VPr	R*		D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (SNG)		Rapport	Supra	258,0
55320		C	VP		I	D. mol. maladie héréditaire	Tyrosinémie héréditaire de type 1; <i>FAH</i> (14 exons) (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	390,0
55330	*	C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux dystrophies musculaires analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55332		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myopathies congénitales analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55334		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myasthénies congénitales analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55336		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux hyperthermies malignes analysé à partir des données de séquençage de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55338		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux rhabdomyolyses analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55340		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux maladies musculaires analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55350		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la sclérose latérale amyotrophique analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55352		C	VP		I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions ATXN2 (TAAN)		Rapport	Supra	153,0
55354		C	VP		I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions C9orf72 (TAAN)		Rapport	Supra	227,0
55356		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG)		Rapport	Supra	388,0
55360		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux troubles neurodéveloppementaux analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55365		C	D, VP	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG) (technique et interprétation)		Rapport	Supra	589,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55370		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies mitochondriales liées à des mutations de l'ADN nucléaire analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55372		C	D, ÉC, VPr	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux syndromes polymalformatifs (en contexte post-natal) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55373		N		R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux anomalies foetales analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55374	*	C	VPr	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)		Échantillon	Supra	515,0
55376	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du sein analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55378	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'ovaire analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55380	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du pancréas non associé à la pancréatite chronique héréditaire analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55382	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de la prostate analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55384	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'endomètre analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55386	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du côlon analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55388	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux polyposes colorectales analysé à partir des données du panel global (compilation seulement) (excluant le syndrome de Lynch)		Rapport	Supra	1,0
55390	*	C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux cancers gastriques héréditaires analysé à partir des données du panel global (compilation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55392		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs solides pédiatriques; analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55393		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs hématologiques pédiatriques, cytopénie, insuffisance médullaire; analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55400		C	VPr	R*		D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génotypage SNaPshot) (ADN)		Échantillon	Supra	54,0
55402		C	VP	R*		D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génotypage SNaPshot) (ARN)		Échantillon	Supra	83,0
55403		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
55404		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées du complément analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55405		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au déficit immunitaire combiné sévère (SCID) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55406		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la maladie inflammatoire de l'intestin très précoce (VEOIBD) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55407		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome d'hyper-IgE analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55408		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hypogammaglobulinémie et à la dysrégulation immunitaire primitive analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55409		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies auto-inflammatoires analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55410		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome de prédisposition mendélienne aux infections mycobactériennes (MSMD) analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55411		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la neutropénie congénitale analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55412		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hémophagocytose lymphohistiocytaire et à l'infection chronique active au virus Epstein Barr analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55413		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité intrinsèque analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55414		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au défaut de production de superoxyde analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55415		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'épilepsie analysé à partir de l'exome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
55420		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 1 gène (interprétation seulement)		Rapport	Supra	269
55421		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 2-20 gènes (interprétation seulement)		Rapport	Supra	304
55422		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 21-100 gènes (interprétation seulement)		Rapport	Supra	339
55423		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de 101-500 gènes (interprétation seulement)		Rapport	Supra	374
55424		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de plus de 501 gènes en solo ou en duo (interprétation seulement)		Rapport	Supra	456
55425		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG à partir de l'exome; panel virtuel de plus de 501 gènes en trio (interprétation seulement)		Rapport	Supra	409,0
55426		N		R*		D. mol. Maladie héréditaire	Interprétation SNG élargissement à l'exome après un panel virtuel de gènes (interprétation seulement)		Rapport	Supra	70,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
60000		C	D, VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie Creutzfeldt-Jakob		Usager	Supra	240,0
60002	*	C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie métabolique ou mort subite du nourrisson (incluant radiologie, éviscération et tous prélèvements) (réservé à pédiatrie)		Usager	Supra	253,0
60003						Pathologie-fertilité	Anti-spermatozoïdes (sperme / sérum) (IgG et IgA)		Rapport	Régional	30,0
60005	*	C	VP			Pathologie-fertilité	Conservation des paillettes de sperme (banque de sperme)		Paillette	Régional	3,4
60006		C	VP			Pathologie-fertilité	Cryopréservation (sperme) (transformation)		Usager	Régional	71,0
60030	*	C	VPPr			Pathologie clinique	Assistance à autopsie (incluant éviscération et tous prélèvements, excluant prélèvement de moelle épinière)		Usager	Local	355,0
60031		C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie foetale (incluant placenta et tous prélèvements)		Usager	Local	174,0
60040	*	C	VPPr		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); PD-L1 (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	101,0
60041	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); ALK (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	16,7
60042	*	C	VP			Pathologie clinique	Cancer colorectal; MSI (MSH, MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (immunohistochimie)		Lame	Régional	31,0
60044	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Analyse de ROS1 par immunohistochimie (IHC)		Lame	Régional désigné	39,0
60046	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (PD-L1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	97,0
60050						Pathologie clinique	Coloration spéciale		Lame	Local	26,0
60051						Pathologie clinique	Coloration spéciale : lame grand format		Lame	Régional	33,0
60090		C	VP			Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné, lame grand format		Lame	Régional	21,0
60100	*					Pathologie clinique	Mise en cassette avec ou sans assistance au pathologiste, résident ou assistant pathologiste		Cassette	Local	1,2
60101	*	C	VPPr			Prélèvements	Assistance pour prélèvement de biopsie (pour pathologie ou cytologie) (excluant déplacement)		Usager	Local	131,0
60120						Pathologie clinique	Description de placenta (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	30,0
60122	*	C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	14,2
60124	*					Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales non complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	3,6
60128	*	C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales très complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	55,0
60130		C	VP			Pathologie clinique	Coronavirus (SRAS-CoV-2); Détection par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (RNA Scope)		Lame	Supra	179,0
60140		C	VP			Pathologie clinique	Enrobage dans agar et fixation pour micro-spécimen		Cassette	Local	4,7

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
60141		C	VP			Pathologie clinique	Examen extemporané (coloration incluse)		Lame	Local	13,8
60142	*	C	VP			Pathologie clinique	Examen extemporané exclusivement pour chirurgie de MOH'S		Lame	Régional désigné	33,0
60148	*	C	VP			Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (marquage multiple) (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	27,0
60150		C	VP			Pathologie clinique	Immunofluorescence sur tissu		Lame	Régional	26,0
60151	*	C	VP			Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	18,9
60162		C	VP			Pathologie-fertilité	Préparation d'une paillette achetée d'une banque pour insémination (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	31,0
60163		C	VP			Pathologie-fertilité	Préparation de paillette pour insémination (sperme du conjoint) (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	12,6
60168	*	C	VP			Pathologie clinique	Préparation de ruban de tissu paraffiné pour extraction des acides nucléiques		Bloc	Local	5,0
60178	*					Pathologie clinique	Préparation de lames blanches (pour l'envoi de lames pour technique hors de l'installation ou pour préservation de tissus précieux)		Lame	Local	2,8
60180	*	C	VP			Pathologie clinique	Photographie macroscopique pour chirurgie ou autopsie (déposée au dossier) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Photo	Local	3,0
60189	*					Pathologie clinique	Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional	22,0
60190		C	VP			Pathologie clinique	Radiographie de pièces chirurgicales ou blocs (excluant le déplacement)		Photo	Local	7,8
60191	*					Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (Ki-67) (immunohistochimie) (par marqueur) (incluant le décompte)		Lame	Régional	22,0
60200	*	C	VP			Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné		Lame	Local	4,0
60301		C	VP			Pathologie clinique	Histo-enzymologie (musculaire ou nerveuse)		Lame	Supra	93,0
60351		C	VP			Pathologie clinique	Nerf, sans micro dissection		Rapport	Supra	49,0
60352		C	VP			Pathologie clinique	Analyse histomorphométrique d'un spécimen osseux non décalcifié		Rapport	Supra	914,0
60441	*	C	VP			Cytologie	Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	11,6
60442	*	C	VP			Cytologie	Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	13,2
60445		N				Cytologie	Cytologie liquide (gynécologique) (coloration)		Rapport	Régional	2,0
60446		N				Cytologie	Cytologie liquide (non gynécologique) (coloration)		Rapport	Régional	2,0
60450		N				Cytologie	Numérisation de lames (cytologie numérique)		Lame	Régional	2,8
60455		N				Cytologie	Préparation de blocs cellulaires (enrobage dans agar)		Bloc	Régional	4,7
60456		N				Cytologie	Cytologie liquide gynécologique (lecture par cytologiste)		Rapport	Régional	8,8
60457		N				Cytologie	Cytologie liquide non gynécologique (lecture par cytologiste)		Rapport	Régional	8,8

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
60470	*	C	D, VP			Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (lecture par cytologiste)		Lame	Régional	11,8
60471	*	C	VP			Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (préparation et coloration)		Lame	Local	11,4
60472	*	C	D, VP			Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (lecture par cytologiste)		Lame	Régional	10,8
60473	*	C	VP			Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (préparation et coloration)		Lame	Local	3,9
60490		C	VP			Héματο-immunocytométrie	Ploïdie sur tissus frais ou congelés		Rapport	Supra	131,0
60500		C	VP			Pathologie clinique	Radiographie d'un corps (autopsie) (excluant déplacement)		Usager	Local	49,0
60543	*	C	VP			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par dégraissage effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	53,0
60544	*	C	VP			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par palpation effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	63,0
60570	*	C	VP			Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	59,0
60572	*	C	VP			Pathologie clinique	Microscopie électronique : de semi-fine jusqu'à rapport		Usager	Supra	278,0
60573	*	C	VP			Pathologie clinique	Microscopie électronique : jusqu'à l'enrobage à l'épon		Usager	Supra	147,0
60589	*	C	D, VPr			Pathologie clinique	Autopsie limitée au cerveau (excepté autopsie Creutzfeldt-Jakob)		Usager	Local	68,0
60590		C	VP			Pathologie clinique	Ploïdie sur tissus paraffinés		Rapport	Supra	179,0
60591		C	VP			Pathologie clinique	Prélèvement de moelle épinière complète		Usager	Local	44,0
60594						Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme-gradient)		Usager	Régional	62,0
60595		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme complet assisté par ordinateur (CASA)		Rapport	Local	28,0
60596		C	VP			Pathologie-fertilité	Viabilité des spermatozoïdes (coloration éosine - négrosine)		Rapport	Local	6,7
60611		C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique sans production de lame, bloc ou cassette		Spécimen	Local	4,9
60631		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme - SWIMM-UP)		Usager	Régional	39,0
60632		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme complet (test de fertilité) ou vaso-vasostomie		Rapport	Local	42,0
60633		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme partiel (post-vasectomie)		Rapport	Local	20,0
60700	*	C	VP			Télé-pathologie	Numérisation lame (pathologie numérique), effectuée par un technologiste médical		Lame	Local	3,9
60701	*	C	VP			Télé-pathologie	Création d'un dossier dans un système de traitement d'images numérisées (pathologie numérique)		Rapport	Local	9,3
60702	*	C	VP			Télé-pathologie	Prise d'image macroscopique (déposée au dossier) (télépathologie)		Photo	Local	4,9
60705	*	C	VP			Télé-pathologie	Session macroscopique de pièces chirurgicales (télépathologie), effectuée par un technologiste médical (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	16,8

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
65000		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Prosigna™) (hybridation d'ARN)		Rapport	Supra	2456,0
65001		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Endopredict®) (TAAN)		Rapport	Supra	2573,0
65002		C	VP			D. mol. oncologie	Cancers; <i>BRAF</i> , détection de la mutation Val600Glu (TAAN)		Rapport	Supra	86,0
65003		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie	Cancer colorectal, <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> (codon 12, 13, 59, 61, 117, 146), <i>BRAF</i> (codon 600) (SNG)		Rapport	Supra	350,0
65004		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs)		Rapport	Supra	249,0
65005		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer de l'ovaire, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)		Rapport	Supra	520,0
65006		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du poumon; <i>EGFR</i> (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)		Rapport	Supra	182,0
65007		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer de la prostate, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)		Rapport	Supra	520,0
65008	*	C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du sein et de l'estomac, détection (<i>ERBB2</i> ou <i>HER2/neu</i>) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	176,0
65010		C	VP			D. mol. oncologie	Carcinome rénal (PRCC-TFE3 de la t(X;1)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	308,0
65011		C	VP		I	D. mol. Oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); <i>EGFR</i> ; mutation Thr790Met (exon 20) sur ADN tumoral circulant (biopsie liquide)		Rapport	Supra	72,0
65012		C	VP			D. mol. oncologie	Carcinome rénal (alpha-TFEB de la t(6;11)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	287,0
65013		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du sein; <i>PIK3CA</i> ; recherche de 11 mutations (exons 7, 9 et 20) (TAAN)		Rapport	Supra	246,0
65014		C	VP			D. mol. oncologie	Chondrosarcome myxoïde (<i>EWSR1-TEC</i> de la t(9;22) et <i>TAF2N-TEC</i> de la t(9;17)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	308,0
65015		N		R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes diagnostique, pronostic ou prédictif pour le carcinome pulmonaire non à petites cellules (CPNPC) par biopsie liquide (SNG)		Rapport	Supra	1113,0
65016						D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	195,0
65017		N		R*		D. mol. Oncologie	Cancer de l'endomètre; <i>POLE</i> – recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)		Rapport	Supra	509,0
65018		C	VP			D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	111,0
65019		N*		R	I	D. mol. oncologie	Réarrangements du gène des récepteurs des lymphocytes T gamma (<i>TRG</i>) (SNG)		Rapport	Supra	248,0
65020		C	VP			D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	263,0
65021		C	VP			D. mol. oncologie	Détection du virus du papillome humain (VPH) par hybridation in situ chromogénique (RNAScope)		Lame	Supra	179,0
65022	*	C	VP			D. mol. oncologie	Co délétion - chromosome 1p et 19q (FISH)		Sonde	Supra	196,0
65023		C	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>EGFR</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	264,0
65024		C	VP			D. mol. Oncologie	Recherche fusions oncogéniques dans les gènes <i>ALK</i> , <i>ROS1</i> , <i>RET</i> et du saut de l'exon 14 du gène <i>MET</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	320,0
65025		C	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>BRAF</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	207,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
65026		C	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>KRAS</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	233,0
65030		C	VP			D. mol. oncologie	Dermato-Fibrosarcome (<i>COL1A1-PDGFB</i> de la t(17;22) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	273,0
65032		C	D, VP			D. mol. hématologie	Identification du point de cassure <i>BCR::ABL1</i> par PCR multiplex de la t(9;22) (TAAN)		Résultat	Supra	187,0
65034		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène <i>GNAS1</i> (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	170,0
65036		C	VP		I	D. mol. oncologie	Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)		Rapport	Supra	33,0
65040		C	VP			D. mol. oncologie	Fibrosarcome congénital t(12;15) (TAAN)		Rapport	Supra	190,0
65042		C	VP		I	D. mol. oncologie	Lymphome lymphoplasmocytaire, MYD88, détection de la mutation Leu265Pro (TAAN)		Rapport	Supra	76,0
65050		C	VP			D. mol. oncologie	GIST: <i>CKIT</i> et <i>PDGFRA</i> (12 séquençages)		Rapport	Supra	424,0
65065		C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du cerveau; <i>IDH1</i> (R132), <i>IDH2</i> (R172) (TAAN, mutations individuelles)		Rapport	Supra	178,0
65070						D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>KRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN)		Rapport	Supra	132,0
65080		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LLA (2 amplifications) détection de translocations (TAAN)		Rapport	Supra	384,0
65082		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LLC, <i>Igh Vh</i> (séquençage)		Rapport	Supra	343,0
65084		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de translocation t(8;21) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	201,0
65086		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de l'inversion (16) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	200,0
65088		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>FLT3/ITD</i>) (TAAN)		Résultat	Supra	135,0
65090		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>FLT3/TKD</i>) (TAAN)		Résultat	Supra	185,0
65091		C	VP*	R*	I	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, stratification pronostique, panel de gènes (SNG)		Rapport	Supra	576,0
65092		C	D, VP*			D. mol. hématologie	Leucémie LMC et LLA (<i>BCR::ABL1</i> de la t(9;22)) (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	114,0
65094		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), <i>PML/RAR</i> de la t(15;17) amplification simple (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	164,0
65096						D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), <i>PML/RAR</i> de la t(15;17) (TAAN niché)		Résultat	Supra	53,0
65098		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>C/EPBa</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	476,0
65120		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène <i>RUNX1</i> (séquençage)		Résultat	Supra	426,0
65121		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène <i>PAX5</i> (séquençage)		Rapport	Supra	493,0
65122		C	VP			D. mol. cancérologie héréditaire	Mutations germinales - prédisposition familiale, gène <i>TP53</i> (séquençage)		Rapport	Supra	300,0
65128		C	VP			D. mol. oncologie	Leucémies et tumeurs solides: validation de translocations (TAAN)		Rapport	Supra	372,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
65130		C	VP			D. mol. oncologie	Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWRS1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) sur tissus		Rapport	Supra	308,0
65132						D. mol. oncologie	Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN)		Résultat	Supra	99,0
65134		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome à grandes cellules t(2;5) (TAAN)		Rapport	Supra	190,0
65136		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome de Burkitt recherche de translocation cMYC (TAAN)		Rapport	Supra	214,0
65138		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)		Résultat	Supra	122,0
65145					I	D. mol. hématologie	Mutation du gène <i>CALR</i> , exon 9 (TAAN)		Résultat	Supra	27,0
65147		C	VP		I	D. mol. oncologie	Méthylation du gène de l'O-6-méthylguanine-ADN méthyltransférase (MGMT)		Rapport	Supra	147,0
65148						D. mol. hématologie	Myélofibrose primaire et thrombocytémie essentielle; <i>MPL</i> ; mutations Trp515Leu, Trp515Lys, Trp515Ala et Ser505Asn (exon 10) (TAAN)		Rapport	Supra	22,0
65149		C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>NRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN)		Rapport	Supra	221,0
65150		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, nucléophosmine gène NPM1 (exon 12) (TAAN)		Résultat	Supra	262,0
65155		C	VP			D. mol. hématologie	Polycythémie vraie (mutation JAK2-Val617Phe) (TAAN)		Rapport	Supra	303,0
65156		C	VP		I	D. mol. hématologie	Polycythémie vraie; JAK2; mutations exon 12 (TAAN)		Rapport	Supra	75,0
65160		C	VP			D. mol. oncologie	Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (CISH)		Rapport	Régional	152,0
65162		C	VP			D. mol. oncologie	Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN)		Rapport	Supra	225,0
65164		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), <i>EWSR1-CREB1</i> de la t(12;22), <i>EWSR1-CREB1</i> de la t(2;22)) (TAAN)		Rapport	Supra	336,0
65166		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome alvéolaire des tissus mous (ASPL-TFE3 de la t(X;17) (TAAN)		Rapport	Supra	273,0
65168		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome Ewing <i>EWS/FL1</i> t(11;22) et <i>EWS/ERG</i> t(21;22) (TAAN)		Rapport	Supra	223,0
65170						D. mol. oncologie	Sarcome fibromyxoïde de bas grade (FUS- <i>CREB3L2</i> de la t(7;16), FUS- <i>CREB3L1</i> de la t(11;16)) (TAAN)		Rapport	Supra	325,0
65172		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome synovial t(x;18) (TAAN)		Rapport	Supra	226,0
65174		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie	Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG)		Rapport	Supra	803,0
65180		C	VP			D. mol. hématologie	Syndrome hyperéosinophilique (<i>FIP1L1-PDGFR</i> de la délétion 4q12) (TAAN)		Rapport	Supra	323,0
65182		C	VP			D. mol. hématologie	Néoplasie myelo-proliférative NMP/SMD (<i>ETV6-PDGFRB</i>) de la t(5;12) (TAAN)		Rapport	Supra	64,0
65196		C	VP			D. mol. oncologie	Tumeur desmoplastique à petites cellules <i>EWS/WT1</i> (TAAN)		Rapport	Supra	167,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
65198		C	VP			D. mol. oncologie	Tumeurs cérébrales; H3F3A (mutations Lys27Met et Gly34Val/Arg) et HIST1H3B (mutation Lys27Met) (séquençage)		Rapport	Supra	192,0
65199	*	C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); Réarrangement ALK (FISH)		Sonde	Supra	184,0
65200	*	C	VP		I	D. mol. oncologie	Analyse de ROS1 par hybridation in situ en fluorescence (FISH)		Lame	Supra	184,0
65210		C	VP			D. mol. Oncologie	Préparation de cellules, de moelle et de tissus en oncologie		Rapport	Local	56,0
65217		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Oncologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir du transcriptome (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
65218		C	D, ÉC, VPr	R*		D. mol. Oncologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir de l'exome de la tumeur (compilation seulement)		Échantillon	Supra	1,0
65220	*	C	VPr	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG)		Rapport	Supra	485,0
65222	*	C	VPr	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer colorectal (SNG)		Rapport	Supra	498,0
65224	*	C	VPr	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la thyroïde (SNG)		Rapport	Supra	498,0
65226	*	C	VPr	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour carcinome urothélial (SNG)		Rapport	Supra	498,0
65228	*	C	VPr	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour mélanomes (SNG)		Rapport	Supra	498,0
65230	*	C	VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour tumeur stromale gastro-intestinale (TSGI) (SNG)		Rapport	Supra	498,0
65232	*	C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du sein (SNG)		Rapport	Supra	555,0
65233		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du système nerveux central (SNG)		Rapport	Supra	555,0
65234		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour autre tumeur (SNG)		Rapport	Supra	555,0
65240		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage transcriptome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	1905,0
65241		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage exome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	2025,0
65242		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage exome matériel normal (paire) (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	412,0
65245		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Recherche de mutations myéloïdes (SMD, NMP et CCUS) par panel (SNG)		Rapport	Supra	494,0
70002	* F					Envoi	Envoi intergrappes (entre les laboratoires de deux grappes différentes)		Échantillon	Local	4,4
70003	* F					Envoi	Envoi intragrappe (entre les laboratoires d'une même grappe)		Échantillon	Local	2,6
70005	*					Envoi	Envoi ou retour de lame/bloc/cassette		Échantillon	Local	0,3
70006	* F	C	VP			Envoi	Envoi hors Québec (par établissement)		Usager	Local	117,0
70007	*	C	VP			Envoi	Envoi par avion intra-Québec		Boîte	Local	215,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
70008	*	C	VP			Envoi	Envoi sur glace sèche		Boîte	Local	6,2
70019		C	VP			Prélèvements	Prélèvement du test respiratoire de la détection de <i>Helicobacter pylori</i> à l'urée marquée au carbone 13		Usager	Local	33,0
70020	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement biologique (excluant sang et réception)		Usager	Local	12,5
70021	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement capillaire		Usager	Local	25,0
70022		C	VP			Prélèvements	Prélèvement d'une unité de sang total, don autologue ou programme de donneur ambulant		Usager	Local	27,0
70023	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement veineux		Usager	Local	10,8
70024		C	VP			Prélèvements	Prélèvement veineux pédiatrique < 7 ans (incluant l'assistance au prélèvement)		Usager	Local	25,0
70026						Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse en SOP		Usager	Local	162,0
70027	*	C	VP			Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse ou autre spécimen (excluant déplacement)		Usager	Local	57,0
70028		C	VP			Prélèvements	Acide pyruvique (prélèvement au chevet et déprotéinisation)		Usager	Local	46,0
70029		C	VP			Prélèvements	Phlébotomie thérapeutique (saignée)		Usager	Local	17,0
70030	*	C	VP			Prélèvements	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) dans les unités de soins en isolement		Usager	Local	2,0
75004		C	VP			D. mol. divers	Contamination maternelle (TAAN)		Rapport	Supra	178,0
75006	*	C	H, VP			D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un spécimen clinique		Spécimen	Régional désigné	32,0
75008	*	C	VP			D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné		Spécimen	Supra	53,0
75010		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Technique d'analyse des microsatellites (pour disomie uniparentale)		Rapport	Supra	421,0
75020	*	C	VP	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage de l'exome germlin pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)		Échantillon	Supra	412,0
75022		N		R*		D. mol. maladie héréditaire	Séquençage du génome germlin pour l'investigation des maladies génétiques dans le cadre du projet Génome Canada (ICSP) (SNG)		Échantillon	Supra	412,0
75025		C	VPr	R*		D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations)		Rapport	Supra	140,0
75026		C	VPr	R*		D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations)		Rapport	Supra	281,0
75027	*	C	VPr	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes)		Rapport	Supra	304,0
75028	*	C	VPr	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes)		Rapport	Supra	339,0
75029	*	C	VPr	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes)		Rapport	Supra	374,0
75030	*	C	VPr	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)		Rapport	Supra	409,0
75031		N		R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (1 gène)		Rapport	Supra	269,0
75032		N		R	I	D. mol. Divers	Extraction des acides nucléiques circulants totaux (ADN/ARN)		Échantillon	Supra	95,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80007						CTQ	Alcools (acétone, éthanol, isopropanol méthanol) (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80008						CTQ	Alprazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80009						CTQ	Aluminium (sérum)		Résultat	Supra	50,0
80010						CTQ	Amitriptyline et nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80012						CTQ	Amphétamines (sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 10 substances		Résultat	Supra	98,0
80013						CTQ	Antidépresseurs tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80014						CTQ	Antidépresseurs antipsychotiques et non tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 14 substances		Résultat	Supra	98,0
80015						CTQ	Antidépresseurs ISRS (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80016						CTQ	Antimoine (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80017						CTQ	Argent (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80018						CTQ	Arsenic total (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80020						CTQ	Benzodiazépines (urine) (LC-MS-MS) inclut 25 substances		Résultat	Supra	98,0
80024		C	D			CTQ	Congénères de biphényles polychlorés (BPCs), de polybromés (PBDEs), de toxaphènes et les pesticides organochlorés (plasma/sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	192,0
80025						CTQ	Bromazépam qualitatif (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80027						CTQ	Cadmium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80028						CTQ	Cannabis (Delta9-tétrahydrocannabinol, Cannabidiol, Cannabinol, Carboxy-delta9-tétrahydrocannabinol, 11-Hydroxy-delta9-tétrahydrocannabinol) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	82,0
80030						CTQ	Chrome (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80031						CTQ	Citalopram (Celexa®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80033						CTQ	Clomipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80034						CTQ	Clozapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80036						CTQ	Cobalt (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80037						CTQ	Cocaine qualitatif (sang/plasma) (LC-MS-MS) inclut 4 substances		Résultat	Supra	65,0
80038						CTQ	Cotinine (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	102,0
80039						CTQ	Cuivre (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80040						CTQ	Cyanure (sang) (GC-MS)		Résultat	Supra	149,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80041						CTQ	Désipramine (Norpramin®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80049						CTQ	Diazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80050						CTQ	Doxépine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80052						CTQ	Éthylène glycol (sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	76,0
80054						CTQ	Fer (biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80055						CTQ	Fluorure (urine)		Résultat	Supra	50,0
80057						CTQ	Fluoxétine (Prozac®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80059						CTQ	GHB (gamma hydroxybutyrate) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	81,0
80060						CTQ	Imipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80061						CTQ	Isopropanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80063						CTQ	Lorazépam (Ativan®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80065						CTQ	Manganèse (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80066						CTQ	Maprotiline (Ludiomil®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80068						CTQ	Mercure total (sang/urine)		Résultat	Supra	50,0
80069						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans le sang et l'urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	141,0
80074						CTQ	Nickel (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80075						CTQ	Nitrazépam (Mogadon®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80078						CTQ	Nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80080						CTQ	Opiacés (urine) (GC-MS) inclut 8 substances		Résultat	Supra	98,0
80081						CTQ	Or (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	170,0
80082						CTQ	Oxazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80084						CTQ	Paroxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80085						CTQ	Phencyclidine (PCP) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80088						CTQ	Plomb (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	44,0
80092						CTQ	Risperidone (Risperdal®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80093						CTQ	Sélénium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80094						CTQ	Sertraline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80095						CTQ	Tellure (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80096						CTQ	Thallium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80099						CTQ	Dépistage qualitatif de médicaments et drogues (sérum/urine/liquide gastrique) (GC-MS)		Résultat	Supra	92,0
80100						CTQ	Trazodone (Desyrel®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80102						CTQ	Triazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80104						CTQ	Trimipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80105						CTQ	Venlafaxine (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80106						CTQ	Zinc (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80110						CTQ	Acétone (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80112						CTQ	Antimoine (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80113						CTQ	Argent (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80114						CTQ	Arsenic total (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80115						CTQ	Baryum (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80116						CTQ	Baryum (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80118						CTQ	Béryllium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80119						CTQ	Béryllium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80120						CTQ	Béryllium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80121						CTQ	Bismuth (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80122						CTQ	Bismuth (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80126						CTQ	Cadmium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80128						CTQ	Chrome (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80129						CTQ	Clobazam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80130						CTQ	Clonazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80131						CTQ	Cobalt (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80132						CTQ	Cuivre (Biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80133						CTQ	Cuivre (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80134						CTQ	Cuivre (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80137						CTQ	Étain (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80139						CTQ	Flurazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80142						CTQ	Iode (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	77,0
80143						CTQ	Lithium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80144						CTQ	Lithium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80147						CTQ	Manganèse (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80148						CTQ	Mercure total (cheveux/ongles)		Résultat	Supra	80,0
80149						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans les cheveux et les ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80150						CTQ	Méthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80151						CTQ	Molybdène (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80152						CTQ	Molybdène (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80154						CTQ	Nickel (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80159						CTQ	Platine (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80160						CTQ	Plomb (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80161						CTQ	Plomb (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80163						CTQ	Sélénium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80166						CTQ	Tellure (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80167						CTQ	Témazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80168						CTQ	Thallium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80170						CTQ	Uranium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80171						CTQ	Uranium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80172						CTQ	Vanadium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80173						CTQ	Vanadium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80175						CTQ	Zinc (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80176						CTQ	Zinc (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80177						CTQ	Zinc protoporphyrine (ZPP) (sang)		Résultat	Supra	29,0
80180						CTQ	Amiodarone (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80181						CTQ	Arsenic inorganique (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	69,0
80183						CTQ	Chlorpromazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80185						CTQ	Créatinine urinaire		Résultat	Supra	6,0
80186						CTQ	Cyclobenzaprine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80187						CTQ	Densité urinaire (réfractomètre)		Résultat	Supra	6,0
80188						CTQ	Dépistage qualitatif de drogues et médicaments en milieu non biologique (GC-MS)		Résultat	Supra	120,0
80190						CTQ	Diphenhydramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80191	*					CTQ	Drogues de rue par méthode immunoenzymatique (amphétamines, barbituriques, benzodiazépines, cannabis, cocaïne, EDDP, fentanyl, opiacés, oxycodone, phencyclidine (résultat semi-quantitatif par drogue recherchée) (urine)		Résultat	Supra	25,0
80194						CTQ	Kétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80200						CTQ	pH (pH mètre)		Résultat	Supra	6,0
80201						CTQ	Procyclidine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80202						CTQ	Prométhazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80206						CTQ	Antinéoplasiques (5-fluorouracile, cyclophosphamide, gemcitabine, ifosphamide, irinotécan, méthotrexate, paclitaxel, docetaxel et vinorelbine) (surface de travail) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	66,0
80208						CTQ	Amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80210						CTQ	Chlordiazépoxyde (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80211						CTQ	Dextrométorphan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80212						CTQ	Dextrophan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80213						CTQ	Éphédrine/pseudoéphédrine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80214						CTQ	Éthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80216						CTQ	Flunitrazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80218						CTQ	MDA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80219						CTQ	MDEA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80220						CTQ	MDMA et MDA (sérum) (ecstasy) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80221						CTQ	Méthamphétamine et amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80224						CTQ	Midazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80226						CTQ	Oxymorphone (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80227						CTQ	PMA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80248						CTQ	Acide muconique, acide S-Phénylmercapturique (S-PMA) (urine) (benzène) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80255						CTQ	Bupropion (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80256						CTQ	Cannabis (métabolite : THC Delta-9-COOH) (urine) (LC/MS/MS)		Résultat	Supra	114,0
80266						CTQ	Iode (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80270						CTQ	Mirtazapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80277						CTQ	Olanzapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80284						CTQ	Quétiapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80286						CTQ	Spéciation d'arsenic (arsénocholone + arsénobétaine, As +3, As +5, acide diméthylarsinique, acide monométhylarsinique, arsenic inorganique) (UPLC-ICP-MS)		Résultat	Supra	171,0
80287						CTQ	Tellure (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80288						CTQ	6-acétylmorphine (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80289						CTQ	Aluminium (sang, urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80291						CTQ	Fentanyl et norfentanyl (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80294						CTQ	Lévamisol qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80299						CTQ	Méthadone et EDDP (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80302						CTQ	Acide S-Benzylmercapturique (toluène) (urine)(LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80304		C	D			CTQ	Composés perfluorés (PFBS, PFHxS, PFOS, PFBA, PFHxA, PFOA, PFNA, PFDA, PFUDA) (plasma/sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	72,0
80305						CTQ	Métabolites des phtalates (MMP, MEP, 2-OH-MiBP, MiBP, MnBP, MCHP, MCHpP, MBzP, MEHP, MEHHP, MEOHP, MECPP, MCP, MOP, MiNP, MCiNP, MCiOP, MCMHP, MHBP, MHIDP, MHINP, MiDP, MOiDP, MOiNP) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	114,0
80310						CTQ	Benzodiazépines (sérum) (LC-MS-MS) inclut 21 substances		Résultat	Supra	98,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80312						CTQ	Duloxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80317						CTQ	9-hydroxyrispéridone (Palipéridone ou Invega) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80346						CTQ	Cocaine (inclut les métabolites : benzoylecgonine et ecgonine méthylester) (quantitatif) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80347						CTQ	Métabolites des pyréthrinoïdes (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	88,0
80350						CTQ	Alkylphosphates (DEDTP, DEP, DETP, DMDTP, DMP, DMTP) (urine) (APGC-MS-MS)		Résultat	Supra	68,0
80351						CTQ	Bore (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	76,0
80352						CTQ	Buprénorphine, métabolites et naloxone qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80353	*					CTQ	Dépistage qualitatif des xénobiotiques et métabolites (sang/sérum/plasma/urine/liquides) (LC-MS-MS) inclut 290+ substances		Résultat	Supra	81,0
80363						CTQ	Escitalopram (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80365						CTQ	Hallucinogènes et psychédéliques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS), inclut LSD, LSZ, 25B,25C,25H,25I-NBOMe, diméthyltryptamine, mescaline, psilocin		Résultat	Supra	65,0
80367						CTQ	Myraginine qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80368						CTQ	Methylphénidate et acide ritalinique qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80369						CTQ	Méthqualone qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80371						CTQ	Nouveaux opioïdes synthétiques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut AH-7921, desomorphine, MT-45, U-47700, U-49900, W-18		Résultat	Supra	65,0
80372						CTQ	6-acétylmorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80373						CTQ	Acétylfentanyl (qualitatif) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80374						CTQ	Buprénorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80375						CTQ	Butorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80376						CTQ	Codéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80377						CTQ	Dextrométorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80378						CTQ	Dextrophanol/lévorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80379						CTQ	Dihydrocodéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80380						CTQ	Fentanyl (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80381						CTQ	Hydrocodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80382						CTQ	Hydromorphe (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80383						CTQ	Mépéridine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80384						CTQ	Méthadone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80385						CTQ	Morphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80386						CTQ	Naloxone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80387						CTQ	Naltrexone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80388						CTQ	Oxycodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80389						CTQ	Oxymorphe (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80390						CTQ	Pentazocine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80391						CTQ	Propoxyphène (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80392						CTQ	Tapentadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80393						CTQ	Tramadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80394						CTQ	Spéciation mercure (méthylmercure) (GC-ICP-MS)		Résultat	Supra	88,0
80395						CTQ	Arsenic total (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80396						CTQ	Platine (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80397						CTQ	Thorium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80398						CTQ	Tungstène (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80399						CTQ	Vanadium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80400						CTQ	Aripiprazole (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80401						CTQ	Carfentanil qualitatif (sang/sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80402						CTQ	Carfentanil et norcarfentanil qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80403						CTQ	Furanylfentanyl qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80404						CTQ	U-47700 qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80405						CTQ	PCP, 3-MeO-PCP et 4-MeO-PCP qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80406						CTQ	MDPV (qualitatif) (sels de bain) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80409						CTQ	Thorium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
80410		C	D			CTQ	Dépistage haute sensibilité des opioïdes, fentanyl et dérivés et nitazènes (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 48 substances		Résultat	Supra	81,0
80411		C	D			CTQ	Triclosan, BPA et ses analogues (BPB, BPE, BPF, BPS, BPZ, BP4,4', BPAF) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	140,0
80412						CTQ	Glyphosate, glufosinate et leurs métabolites (AMPA et 3-MPPA) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	111,0
80413						CTQ	Aluminium (dialysat)		Résultat	Supra	150,0
80414						CTQ	Fluorure (sérum)		Résultat	Supra	103,0
80415						CTQ	Métabolites du benzène et du toluène (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	122,0
80416						CTQ	Cholestérol libre et phospholipides (sérum) (immunoenzymatique; analyseur Indiko Plus)		Résultat	Supra	42,0
80417						CTQ	Opioïdes libres (sang/sérum/plasma) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	98,0
80419						CTQ	Cérium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80420						CTQ	Lanthane (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80421						CTQ	Yttrium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80422						CTQ	Praséodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80423						CTQ	Néodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80424						CTQ	Gadolinium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80425						CTQ	Brome (sang) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80426						CTQ	Cuivre et fer (biopsie) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	138,0
80427						CTQ	Acide 2,4-dichlorophénoxyacétique (2,4-D), acide 2,4,5-trichlorophénoxyacétique (2,4,5-T), Dicamba, métabolite du pirimiphos (DEAMPY), métabolite du diazinon (IMPY), Métabolite du malathion (MDA), métabolite du parathion (4-nitrophénol), métabolite du chlorpyrifos (3,5,6-trichloropyridinol) et métabolites des pyréthrinoïdes (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	175,0
80428	*					CTQ	Confirmation médicaments et drogues		Résultat	Supra	87,0
80429						CTQ	Confirmation médicaments et drogues, multianalytes		Résultat	Supra	103,0
80430						CTQ	Césium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	53,0
80432		N*				CTQ	Platines solubles (surface de travail) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
81000		C	VPr			LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) sur spécimen clinique à culture négative		Résultat	Supra	100,0
81001						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); identification (phénotypie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
81002						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81003						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); identification (spectrométrie de masse – MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81004						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81005		C	VP			LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); analyse des souches discordantes (TAAN)		Résultat	Supra	51,0
81010						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81011						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81015						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i>); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81016						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i>); antibiogramme (dilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81017						LSPQ - bact.	Cocci Gram négatif (autre qu'anaérobie et <i>Neisseriaceae</i>); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81020		C	VPr			LSPQ - bact.	Anaérobies; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	41,0
81021		C	VPr			LSPQ - bact.	Anaérobies; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	90,0
81024		C	VPr			LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	77,0
81030						LSPQ - bact.	Campylobacter spp.; confirmation (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81031						LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) O157:H7 et O157H non mobile; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81032						LSPQ - bact.	<i>Listeria monocytogenes</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81033						LSPQ - bact.	<i>Salmonella</i> spp.; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81034						LSPQ - bact.	Shigella spp.; programme de surveillance		Résultat	Supra	1,0
81035						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; identification et sérogroupage (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81036						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; antibiogramme (epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81038		C	D			LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) autre que O157; isolement, identification (TAAN, sérotypage) sur bouillon, programme de surveillance		Résultat	Supra	1,0
81040						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81041						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81042						LSPQ - bact.	Entérocoque spp. ; détection des gènes van A-G (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81043						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); confirmation (TAAN et ribotypage)		Résultat	Supra	1,0
81044						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation à l'INESSS

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
81045						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>) ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81050						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection mecA (SARM) (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81051						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection PVL (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81052						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; confirmation SARM-AC (typage spa)		Résultat	Supra	1,0
81053						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection toxine tsst-1 (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81054						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme – vancomycine seulement (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81055						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme – panel complet (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81056						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0
81057						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; programme de surveillance SARM		Rapport	Supra	1,0
81060						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pyogenes</i> ; programme de surveillance (séquençage emm)		Rapport	Supra	1,0
81063						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81064						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81065						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; sérogroupage (agglutination)		Résultat	Supra	1,0
81066						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81067						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81069		C	VPr			LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	29,0
81070						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81071		C	VPr			LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	159,0
81072						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81073						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81074						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81076						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) sur liquide biologique stérile	1	Résultat	Supra	1,0
81080						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
81081						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; identification (TAAN, spectrométrie de masse – MALDI-TOF, sérogroupage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81082						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; investigation d'éclosion		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
81086						LSPQ - bact.	<i>Bordetella pertussis</i> ; identification (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81087						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81088						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détermination du type capsulaire (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81089						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81090						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81091						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; sérotypage (Quellung) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81092						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; identification (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81093						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81094						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81099						LSPQ - bact.	Investigation d'éclosion bactérienne (autre que <i>S. aureus</i> , <i>C. difficile</i> , <i>Legionella</i> , entéropathogène) (EGCP, FTIR)		Rapport	Supra	1,0
82001						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82002						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82003						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82004						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82005						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82006						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; identification (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82007						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82008						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; identification (TAAN) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82009						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82010						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82011						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; identification (TAAN, IF) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82012						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia spp.</i> ; détection (anticorps)	3	Résultat	Supra	1,0
82013						LSPQ - bact. spéciale	<i>Clostridium botulinum</i> ; isolement, identification, toxinotypie (neutralisation)	4	Résultat	Supra	1,0
82014						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82015						LSPQ - bact. spéciale	<i>Corynebacterium diphtheriae</i> ; recherche et production de toxine (TAAN, test d'Elek)	1	Résultat	Supra	1,0
82016		C	D, VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 2e volet (ELISA IgG)		Résultat	Supra	21,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
82017		C	D, VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 2e volet (ELISA IgM)		Résultat	Supra	22,0
82018		C	D, VP			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe ou en Asie); 2e volet (immunoblot IgG)		Résultat	Supra	67,0
82020		C	D, VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); 1er volet (ELISA IgM/IgG)	1	Résultat	Supra	15,6
82021						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection (ELISA IgG) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	1	Résultat	Supra	1,0
82022						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82023		C	D, VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe); 1er volet (ELISA IgM/IgG)	1	Résultat	Supra	15,6
82025						LSPQ - bact. spéciale	Borrelioses récurrentes; détection genre <i>Borrelia</i> dont <i>B. hermsii</i> et <i>B. miyamotoi</i> (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82026						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira</i> spp.; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82027						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira</i> spp.; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82028						LSPQ - bact. spéciale	<i>Coxiella burnetii</i> (fièvre Q); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82029						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bartonella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82030						LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82031						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des fièvres pourprées); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82032						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des fièvres pourprées); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82033						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82034						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82035						LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82036		C	VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (TAAN)		Résultat	Supra	40,0
82037						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82038						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82039		N				LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82040						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; confirmation (anticorps) sur sérum		Résultat	Supra	1,0
82041						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (VDRL) sur LCR		Résultat	Supra	1,0
82042						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82050		C	VPr			LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia trachomatis</i> LGV; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	26,0
82051						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen respiratoire	1	Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
82052						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydomphila psittaci</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82059						LSPQ - bact. spéciale	<i>Haemophilus ducreyi</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82061						LSPQ - bact. spéciale	<i>Mycoplasma genitalium</i> ; détection de résistance (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
83002						LSPQ - virologie	Adénovirus; génotypage (séquençage) sur isolats viraux	1	Résultat	Supra	1,0
83003		C	VPr			LSPQ - virologie	Zika, Dengue, Chikungunya; détection (TAAN)(multiplex) sur sérum, LCR, urine, liquide amniotique		Résultat	Supra	46,0
83004						LSPQ - virologie	Zika; détection (TAAN) sur placenta	1	Résultat	Supra	1,0
83005		C	VP			LSPQ - virologie	Zika; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	59,0
83006		C	VPr			LSPQ - virologie	Dengue; détection (anticorps)		Résultat	Supra	32,0
83007		C	VPr			LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgM) sur sérum		Résultat	Supra	16,6
83008		C	VPr			LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	79,0
83009						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83010						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83011						LSPQ - virologie	Sérogroupe Californie (Jamestown canyon, Snowshoe hare); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83012						LSPQ - virologie	Cache Valley; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83013						LSPQ - virologie	Powassan; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83014						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83015						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83016						LSPQ - virologie	Encéphalite à tiques; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83017						LSPQ - virologie	Encéphalite équine de l'est; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83018						LSPQ - virologie	Encéphalite japonaise; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83019						LSPQ - virologie	Fièvre jaune; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83020						LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83021						LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83030						LSPQ - virologie	Hépatite A (VHA); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0
83031						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); test supplémentaire (anti-HBc) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83032						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); confirmation (HBsAg) (antigène)		Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
83033						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83034						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83035						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); confirmation (anti-VHC) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83036	*					LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83037						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83038		C	D			LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (TAAN) (qualitatif/quantitatif) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83040						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83041						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0
83042		C	VPr			LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (anticorps)		Rapport	Supra	21,0
83043		C	VP			LSPQ - virologie	RITA : Algorithme d'épreuves de laboratoire pour l'identification des infections récentes par le VIH		Rapport	Supra	59,0
83044		C	D			LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); confirmation		Résultat	Supra	1,0
83047						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); ADN proviral (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
83048						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH-2); charge virale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83049						LSPQ - virologie	HTLV 1 et 2; confirmation (anticorps)	5	Résultat	Supra	1,0
83050						LSPQ - virologie	Influenza A et B; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83051		C	VPr			LSPQ - virologie	Influenza A; sous-typage (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	41,0
83052						LSPQ - virologie	Influenza A; caractérisation antigénique (inhibition de l'hémagglutination)		Résultat	Supra	1,0
83053		C	VPr			LSPQ - virologie	Influenza A aviaire (H5, H7, H9); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	206,0
83054						LSPQ - virologie	Coronavirus (MERS-CoV); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83055		C	VP			LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	27,0
83056						LSPQ - virologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex 18 virus et 3 bactéries (TAAN homologué); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
83057		N				LSPQ - virologie	Influenza A; confirmation (TAAN) sur spécimen clinique (soins critiques)		Résultat	Supra	38,0
83060						LSPQ - virologie	Gastroentérite d'allure virale; détection de virus entériques (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83061		C	VP			LSPQ - virologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN homologué) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	188,0
83065						LSPQ - virologie	BK/JC polyomavirus; détection (TAAN) sur LCR, biopsie	1	Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
83069						LSPQ - virologie	Entérovirus; détection et génotypage (sauf poliovirus) (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83070						LSPQ - virologie	Poliovirus; détection et génotypage (séquençage) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83075						LSPQ - virologie	Herpès B; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83076						LSPQ - virologie	Virus de la varicelle et du zona (VZV): génotypage souche vaccinale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83085						LSPQ - virologie	Rougeole; génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83086						LSPQ - virologie	Rubéole; (IgG) (mesure de l'avidité)	1	Résultat	Supra	1,0
83087						LSPQ - virologie	Rubéole; détection et génotypage (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83088						LSPQ - virologie	Oreillons; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83089		C	VPr			LSPQ - virologie	Orthopoxvirus simien; détection (TAAN)		Résultat	Supra	66,0
83090						LSPQ - virologie	Molluscum contagiosum; détection (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83091						LSPQ - virologie	Rage; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83092						LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : confirmation (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83094						LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : séquençage prioritaire		Résultat	Supra	1,0
83095		C	D, VPr			LSPQ - virologie	MPOX; différenciation clade I et II (TAAN)		Résultat	Supra	52,0
83098		N				LSPQ - virologie	Virus du papillome humain (VPH) – types muqueux (génotypage)	1	Résultat	Supra	1,0
83099		N				LSPQ - virologie	Virus du papillome humain (VPH) – types cutanés (génotypage)	1	Résultat	Supra	1,0
84001						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84002						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84003						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84004						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84005						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; confirmation (délétion, séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84006						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; antibiogramme (concentration critique) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84007		C	VP			LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection résistance rifampicine (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	90,0
84008						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection des gènes de résistance (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84009						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; typage moléculaire (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84010						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; identification (délétion, séquençage)		Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
84011						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
86001		C	D			LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification microscopique (coloration permanente / hématoxyline-ferrique)		Résultat	Supra	1,0
86002		C	D			LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux (coccidies); identification microscopique (coloration permanente / Kinyoun-modifié)		Résultat	Supra	1,0
86004		C	D			LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux (microsporidies); identification microscopique (coloration permanente / trichrome-modifié)		Résultat	Supra	1,0
86005						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica/dispar</i> (amibiase); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
86006						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica</i> (amibiase); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86007		N				LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification microscopique (concentration et coloration à l'iode)		Résultat	Supra	1,0
86010		C	D			LSPQ - parasito.	Vers; identification macroscopique		Résultat	Supra	1,0
86011						LSPQ - parasito.	Ectoparasites (acariens, tiques, poux, puces, punaises, larves de mouche); identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86023						LSPQ - parasito.	<i>Baylisascaris procyonis</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86027						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86028						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86029						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86030						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86031						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique	6	Résultat	Supra	1,0
86032						LSPQ - parasito.	<i>Paragonimus</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86033		C	VPr			LSPQ - parasito.	<i>Strongyloides</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	12,1
86035						LSPQ - parasito.	<i>Gnathostoma spinigerum</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86036						LSPQ - parasito.	<i>Fasciola hepatica</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86051						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86052						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86054						LSPQ - parasito.	<i>Babesia microti</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86055						LSPQ - parasito.	<i>Babesia</i> spp.; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
86064						LSPQ - parasito.	Filaires (filarioses) : détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86069						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp. (culture)	6	Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
86070						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86071						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86073		C	VPr			LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	10,0
86074						LSPQ - parasito.	<i>Toxocara</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86075						LSPQ - parasito.	<i>Trichinella</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86076						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86077						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86078						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86079						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86080						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; confirmation (IgG-IgM) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
86081						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; avidité (IgG) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
86082						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
87001						LSPQ - mycologie	Levures; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87002						LSPQ - mycologie	Levures; antifongogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87003		C	VP			LSPQ - mycologie	<i>Candida auris</i> ; confirmation (MALDI) et séquençage; test de sensibilité et séquençage génomique (LNM)	1	Résultat	Supra	27,0
87004						LSPQ - mycologie	Levures; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87018						LSPQ - mycologie	(1-3)-β-D-glucane sérique (dosage)		Rapport	Supra	1,0
87020						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; identification (microscopie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87021						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; antifongogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87022						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87030						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; détection (TAAN) sur spécimen primaire *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87031						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; identification (TAAN, microscopie) sur colonie *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87034		C	VPr			LSPQ - mycologie	<i>Coccidioides immitis</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	101,0
87050		C	VPr			LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; détection (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	48,0
87051						LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; investigation d'éclosion (génotypage)		Rapport	Supra	1,0
88002						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dénombrement bactérien (membrane filtrante)		Résultat	Supra	22,0

ANALYSES 2025-2026
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif.	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 25-26
88003						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; endotoxines bactériennes (LAL Gel-Clot)		Résultat	Supra	18,8
88004						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; anions (chromatographie ionique)		Résultat	Supra	25,0
88005						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; chlore résiduel total (titrimétrie)		Résultat	Supra	13,5
88006		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; carbone organique total (oxydation)		Résultat	Supra	36,0
88007		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; métaux (en sous-traitance)		Résultat	Supra	148,0
88008		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; pH (électrométrie)		Résultat	Supra	25,0
88009		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; conductivité (électrométrie)		Résultat	Supra	12,1
88010		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; silice réactive (colorimétrie)		Résultat	Supra	35,0
88011						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dureté totale (en sous-traitance)		Résultat	Supra	47,0
90000						PNR	Procédures non répertoriées (PNR)			Supra	1,0
95000						PNR	Coût en \$\$ des PNR			Supra	1,0

Techniques de dosage des anticorps			
Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Agglutination passive	<ul style="list-style-type: none"> • Agglutination indirecte • Particle agglutination test • Particle latex assay (LA, PLA) • Hémagglutination • Hemagglutination assay (HA) • Flocculation • Agglutination sur lame • Slide agglutination 	Réaction d'agglutination obtenue à partir de particules inertes (ex. : latex) servant de simple support à des antigènes solubles qui y ont été artificiellement fixés. On parle d'agglutination passive inversée lorsque la méthode utilise des particules recouvertes d'anticorps servant à détecter des antigènes.	<ul style="list-style-type: none"> • Monotest • Détection antigénique du cryptocoque • Détection de l'antigène du streptocoque du groupe A • Venereal Disease Research Laboratory test (VDRL) • Rapid Plasma Reagin (RPR) • Treponema pallidum particle agglutination test (TPPA)
Agglutination en tube	<ul style="list-style-type: none"> • Microagglutination 	Des dilutions successives d'un sérum à tester sont mises en contact avec une concentration connue et constante de l'antigène ou du microorganisme correspondant. L'épreuve de microagglutination se fait dans les puits d'une microplaque.	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie <i>Brucella sp.</i> • Sérologie <i>Francisella tularensis</i> • Sérologie <i>Leptospira interrogans</i>
Épreuve d'inhibition de l'hémagglutination	<ul style="list-style-type: none"> • Hemagglutination inhibition assay (HAI) 	Certains virus possèdent des hémagglutinines à leur surface, ce qui les rend capables d'agglutiner certains types de globules rouges. Cette propriété permet d'identifier des virus retrouvés en culture à l'aide d'un antisérum correspondant et permet également de détecter dans un échantillon clinique la présence d'anticorps spécifiques à un virus.	<ul style="list-style-type: none"> • Caractérisation antigénique des souches du virus de l'influenza • Sérologie pour le virus Powassan
Immunobuvardage	<ul style="list-style-type: none"> • Buvardage de western • Western blot (WB) • Recombinant immunoblot assay (RIBA) • Line immunoassay (LIA) 	Les techniques d'immunobuvardage permettent de détecter la présence d'anticorps spécifiques dans un échantillon clinique. Si les anticorps recherchés sont présents dans le spécimen analysé, ils réagissent d'abord avec leurs antigènes cibles (recombinants ou non) qui ont été immobilisés sur une membrane par buvardage. Les anticorps peuvent ensuite être révélés par des autoanticorps couplés à un chromogène.	<ul style="list-style-type: none"> • Tests de confirmation pour différentes sérologies (ex. : VIH, hépatite C, syphilis, Lyme)
Immunoélectrophorèse	<ul style="list-style-type: none"> • Immunoelectrophoresis • Immunoélectrophorèse croisée • Électrosynérèse • Contre-immunoélectrophorèse • Counter immunoelectrophoresis 	Méthode d'électrophorèse consistant à effectuer d'abord la séparation des constituants d'un mélange antigénique en fonction de leur mobilité dans un gel soumis à un champ électrique et, dans un deuxième temps ou simultanément, à identifier ces antigènes par réaction immunologique spécifique.	<ul style="list-style-type: none"> • Détection d'anticorps anti-Aspergillus

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunofluorescence	<ul style="list-style-type: none"> • Immunofluorescence directe • Direct immunofluorescence assay (DFA) • Immunofluorescence indirecte • Indirect immunofluorescence assay (IFA) • Immuno-fluorescent Assay (IFA) • Fluorescent assay (FA) • Fluorescence immunoassay (FIA) • Fluorescent-antibody-to-membrane-antigen (FAMA) 	<p>Technique de détection immunologique dans laquelle la présence d'un antigène ou d'un anticorps est révélée dans une cellule, un tissu ou autre type d'échantillon biologique par fixation avec l'anticorps correspondant marqué avec une substance fluorescente. Il existe diverses méthodes d'immunofluorescence parmi lesquelles l'immunofluorescence directe et l'immunofluorescence indirecte, et il existe des techniques microscopiques ou automatisées. Les techniques microscopiques requièrent une bonne expertise.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie fièvre Q • Détection rapide du virus Varicella-Zoster sur spécimen clinique • Détection directe de <i>Pneumocystis jirovecii</i> sur spécimen clinique • Fluorescent treponemal antibody-absorption test (FTA-Abs)
Méthode immunoenzymatique	<ul style="list-style-type: none"> • Essai immunoenzymatique • Dosage immunoenzymatique • Enzyme immunoassay (EIA) • Enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA) • Immunochromatographie • Lateral flow immunoassay 	<p>Épreuve de dosage immunologique qui utilise des réactifs marqués par des enzymes pour détecter les anticorps ou les antigènes. La méthode EIA la plus répandue est l'ELISA, dans laquelle des anticorps de laboratoire conjugués à une enzyme sont utilisés pour révéler les anticorps, antigènes ou haptènes recherchés dans un échantillon biologique. Différents types d'anticorps peuvent être détectés tels que des IgG ou des IgM. Les techniques peuvent être automatisées ou manuelles, et elles peuvent être qualitatives ou quantitatives</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie hépatites (anticorps comme anti-HBs et antigène comme HBs Ag) • Sérologie rubéole • Sérologie VIH (anticorps et antigène p24) • Sérologie CMV • Sérologie syphilis
Neutralisation	<ul style="list-style-type: none"> • Neutralisation de la toxine botulinique chez la souris • Séroneutralisation par réduction des plages, en anglais Plaque reduction neutralization test (PRNT) 	<p>La neutralisation représente la capacité qu'ont certains anticorps de neutraliser l'activité biologique de certains antigènes ou des microorganismes porteurs de ces derniers.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • PRNT utilisée au LNM pour la confirmation de certaines sérologies (ex. : dengue, VNO, encéphalite équine de l'Est) • Sérologie antirabique au LNM • Confirmation d'une toxine botulinique à Ottawa

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'avidité	<ul style="list-style-type: none"> Avidity 	<p>L'avidité des IgG est liée à la maturation des sous-classes d'IgG qui, d'anticorps à faible capacité de liaison, deviennent des anticorps à forte capacité de liaison avec le temps après une première exposition à l'antigène. Par conséquent, les IgG de faible avidité sont une indication d'une infection aiguë, alors que les IgG de forte avidité sont une indication d'une infection passée ou d'une réinfection. Un test d'avidité compare les résultats dans une série de puits en présence d'un dénaturant (ex. : urée) aux résultats dans des puits sans dénaturant. Les IgG de faible avidité sont lavés par le dénaturant et sont détectés par une baisse importante de la quantité d'IgG dans les puits avec dénaturant comparativement aux puits sans dénaturant.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Avidité des IgG anti-rubéole, anti-toxoplasmose ou anti-VNO

Techniques de biologie moléculaire

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Sonde moléculaire (hybridation)	<ul style="list-style-type: none"> Probe Nucleic probe Fluorescence in situ hybridization (FISH) Colorimetric in situ hybridization (CISH) Line probe assay (LiPA) 	<p>Détection d'une séquence précise d'acides nucléiques à l'aide d'une sonde moléculaire (séquence d'acides nucléiques) complémentaire. Il existe plusieurs formats de tests (phase solide, phase liquide, ou in situ) et plusieurs méthodes de détection pour révéler l'hybridation (luminescence, colorimétrie ou fluorescence). Par exemple, les sondes peuvent être couplées à une molécule fluorescente ou à une enzyme capable de produire une couleur à partir d'un substrat.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Identification de microorganismes par sondes d'ADN (ex. : mycobactéries, streptocoque du groupe A) Diagnostic de certaines aneuploïdies (ex. : FISH pour la trisomie 21)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunodétection d'hybrides (capture d'hybrides)	<ul style="list-style-type: none"> Hybrid Capture (test commercial) 	<p>Cette technique débute par l'hybridation de l'ADN ciblé par des sondes d'ARN spécifiques. Les hybrides moléculaires formés sont ensuite détectés par des anticorps spécifiques (des anticorps ciblant des molécules ADN-ARN). Ces anticorps sont couplés à une enzyme qui, en présence d'un substrat particulier, produit de la lumière. Plusieurs anticorps peuvent se lier à un même hybride moléculaire. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Détection du VPH dans un spécimen de col utérin par le test commercial Hybrid Capture
Technique de l'ADN ramifié	<ul style="list-style-type: none"> Branched DNA (bDNA) 	<p>Une fois la séquence d'acides nucléiques ciblée immobilisée sur un support solide grâce à une sonde spécifique ancrée, une cascade de sondes (dont certaines sont ramifiées) s'hybrident entre elles se terminant par de multiples sondes lumineuses. Le signal lumineux ainsi généré peut être détecté et quantifié. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Mesure de la charge virale (VIH, hépatite B, hépatite C) et détection de <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> avec les troussees Versant (Siemens)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'amplification d'acides nucléiques (TAAN)	<ul style="list-style-type: none"> • Amplification en chaîne par polymérase (en anglais polymerase chain reaction, PCR) • Quelques exemples de variantes de la PCR : <ul style="list-style-type: none"> – PCR en temps réel (real-time PCR, qPCR) – PCR emboîtée ou imbriquée (nested PCR) – PCR précédée d'une transcription inverse (reverse transcription PCR, RT-PCR) – PCR multiplex – PCR in situ – Methylation-specific PCR (MSP) – dPCR (digital PCR) – ddPCR (droplet digital PCR) • Exemples de méthodes d'amplification d'acides nucléiques dites « isothermes » (méthodes différentes de la PCR) : <ul style="list-style-type: none"> – Strand displacement amplification (SDA) – Transcription mediated amplification (TMA) – Nucleic acid sequence-based amplification (NASBA) – Loop-mediated amplification (LAMP) – Technologie Invader® – Ligase chain reaction (LCR) 	<p>Les tests d'amplification d'acides nucléiques sont des procédés d'amplification enzymatiques in vitro permettant de faire de multiples copies d'une courte séquence d'ADN ou d'ARN, et ce, jusqu'à ce que la quantité de copies soit détectable. La PCR utilise une enzyme appelée polymérase et comporte des cycles successifs (généralement de 20 à 40) d'amplification menant à une multiplication exponentielle du fragment d'ADN. Pour procéder à l'amplification d'une séquence d'ARN par PCR, il faut d'abord obtenir une copie d'ADN par transcription inverse. Une PCR multiplex permet d'amplifier dans la même réaction plusieurs séquences d'ADN spécifiques (ex. : PCR pour <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i>). Avec la PCR traditionnelle, les copies d'acides nucléiques obtenues après amplification sont détectées par migration (électrophorèse) sur un gel d'agarose contenant du bromure d'éthidium (composé fluorescent) et sont ensuite révélées par exposition à des rayons ultraviolets. Dans la PCR en temps réel ainsi que la plupart des méthodes d'amplification isothermes, grâce à des fluorophores déjà présents dans le mélange réactionnel, les copies d'acides nucléiques engendrent la production de fluorescence au fur et à mesure qu'elles sont synthétisées jusqu'à l'obtention d'un seuil détectable. Les fluorophores utilisés dans les TAAN en temps réel sont souvent couplés à des sondes nucléiques spécifiques à la séquence cible. Contrairement à la PCR, les méthodes d'amplification isothermes utilisent des enzymes différentes et ne requièrent pas de cycles successifs de changement de température. La réaction en chaîne par polymérase numérique (dPCR) est un raffinement biotechnologique des méthodes conventionnelles de réaction en chaîne par polymérase qui peuvent être utilisées pour quantifier directement les acides nucléiques. La ddPCR est un PCR digital réalisé sur une émulsion eau-huile de gouttelette.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Détection de <i>C. trachomatis</i> et <i>N. gonorrhoeae</i> à partir d'écouvillonnages génitaux, anaux ou pharyngés • Détection d'influenza ou autres virus respiratoires dans les spécimens respiratoires • Détection de <i>Clostridioides difficile</i> toxigène dans les selles • Détection de <i>Mycobacterium tuberculosis</i> • Détection de VPH à partir de spécimens génitaux • Détection du virus herpes (HSV-1 et HSV-2) à partir d'écouvillonnages (peau ou muqueuses) ou dans le liquide céphalorachidien (LCR) • Détection d'entérovirus dans le LCR • Détection du <i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) • Détection de l'entérocoque résistant à la vancomycine (ERV) • Mesure de charges virales (ex. : VIH, hépatite B, hépatite C, CMV, EBV, adénovirus, JC/BK)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Séquençage d'acides nucléiques	<ul style="list-style-type: none"> • DNA sequencing • Méthode Sanger • Pyroséquençage • Séquençage de nouvelle génération (SNG), NGS ou séquençage de 2e génération (séquençage massif en parallèle, séquençage à haut débit, séquençage à « longues lectures ») • Séquençage de 3e génération (séquençage de molécules uniques) 	<p>Le séquençage de l'ADN est la détermination de l'ordonnement linéaire des nucléotides d'une molécule d'ADN. La méthode traditionnelle de Sanger fonctionne par terminaison des chaînes de nucléotides lors de l'amplification grâce à des nucléotides fluorescents qui bloquent l'amplification subséquente. On procède ensuite à la détection de ces chaînes par électrophorèse (de la plus courte à la plus longue) et de leur nucléotide terminal fluorescent. Le pyroséquençage consiste à copier la molécule à séquencer au fur et à mesure en ajoutant des nucléotides un à la fois. Lorsque le bon nucléotide est ajouté au mélange réactionnel, une réaction enzymatique produit de la lumière. Les séquenceurs de 2e génération amplifient de façon très importante des fragments des acides nucléiques à séquencer, et le séquençage se fait soit par pyroséquençage, par synthèse ou par ligation. Le séquençage à « longues lectures » ou long read est une variante du SNG qui permet de lire de plus long fragment d'ADN que la technique de SNG habituelle. Le séquençage de 3e génération permet le séquençage direct d'une seule molécule d'acides nucléiques sans avoir recours à l'amplification et peut séquencer directement de l'ARN sans conversion préalable en ADN.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Génotypage de virus (ex. : VIH, hépatite C, influenza) • Détection de mutations conférant de la résistance à des antimicrobiens (ex. : VIH, hépatite C, CMV) • Identification de microorganismes (ex. : bactéries) • Détection de mutations génétiques humaines associées à certaines maladies (ex. : fibrose kystique) • Détection de mutations génétiques humaines influençant le métabolisme de certains médicaments • Détermination du complexe majeur d'histocompatibilité
MLPA	<ul style="list-style-type: none"> • <i>Multiplex ligation-dependent probe amplification</i> 	<p>La MLPA (<i>multiplex ligation-dependent probe amplification</i> ou amplification multiplex de sondes dépendant d'une ligation) est une variante de la PCR multiplex dans laquelle les deux parties qui composent la sonde doivent se lier à l'ADN pour que l'amplification ait lieu. Cette méthode semi-quantitative est utilisée pour dénombrer les copies d'une même séquence dans un brin d'ADN.</p>	<p>Identification de délétions et de duplications d'un ou de plusieurs exons</p>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
MALDI-TOF	<ul style="list-style-type: none"> • <i>Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation – Time of Flight mass spectrometry</i> (MALDI-TOF) 	<p>Un instrument de type MALDI-TOF est un spectromètre de masse couplant une source d'ionisation de type laser assistée par une matrice (MALDI, Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation) et un analyseur à temps de vol (TOF, time-of-flight mass spectrometry). Sous l'influence du laser, les différentes biomolécules (protéines, peptides, sucres) sont ionisées et détachées du substrat (la matrice), et en fonction de leur charge électrique mais surtout de leur masse, chaque molécule nécessite un temps précis pour atteindre le détecteur. Lorsque la résolution est de bonne qualité, on obtient un spectre sur lequel chaque molécule génère un pic unique, et ce spectre peut être comparé à une banque de données afin d'obtenir l'identification de différentes substances ou d'un microorganisme.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Identification rapide de microorganismes • Plusieurs autres applications sont en développement
Cartographie optique du génome (COG)	<ul style="list-style-type: none"> • <i>Optical Genome Mapping (OGM)</i> 	<p>La COG permet de détecter les anomalies chromosomiques structurales (ou VS, de l'anglais structural variant) et les variants de nombre de copies (VNC) de l'ADN de tout le génome (ADNg). Il s'agit d'une méthode d'analyse moléculaire effectuée à partir de l'ADN génomique de haut poids moléculaire. À la suite d'un marquage par fluorophore, les anomalies chromosomiques peuvent être visualisées grâce à l'appareil SaphyrMC (Bionano) et sa plateforme bio-informatique.</p>	

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
19098	H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire complet IDHPA (SSO Luminex)	Code retiré par Héma-Québec	-
20015	Hémato-hémostase	Antithrombine (antigène)	Cette analyse n'est plus réalisée dans le réseau. Peut être envoyée hors Québec.	-
20077	D. mol. hématogreffe	Sélection avec micro-billes de sous-populations de lymphocytes pour analyse moléculaire CD3 et CD33 (incluant Ficoll)	Aucune production depuis 3 ans, le code a été retiré.	-
20222	Hémato-hémostase	Rétraction du caillot sur plasma riche en plaquettes	Le code a été retiré car il n'est plus utilisé.	-
20772	Hémato-immunologie	Complexes immuns circulants	Le laboratoire désigné (CHUL) a cessé de produire l'analyse.	-
20784	Hémato-immunologie	Interferon Gamma induite par IL-12 (sécrétion) (dosage) (ELISA)	Le laboratoire ne produit plus.	-
30085	Bio-clinique	BNP (Brain Natriuretic Peptide)	Ce code a été fusionné avec le code 30095.	30095
30103	Bio-clinique	Caféine	Le laboratoire désigné (CHU Sainte-Justine) a cessé de produire l'analyse.	-
30510	Bio-clinique	Tumor necrosis factor (TNF-alpha)	Le laboratoire désigné (CHUM) a cessé de produire l'analyse.	-
30530	Bio-clinique	Lipoprotéines (ultracentrifugation)	Le laboratoire désigné (CHU de Québec - UL) a cessé de produire l'analyse.	-
30920	Bio-médicament	Thiocyanate (sérum)	Les laboratoires producteurs ont cessé l'analyse.	-
40355	Micro-bact.	Remplir et transférer un formulaire au LSPQ dans le cadre d'une surveillance obligatoire (fait par un employé du laboratoire)	Le code a été retiré.	-
40599	Micro-viro.	Adénovirus (détection rapide sur spécimen clinique) (selles) (ELISA)	Retrait de l'analyse car cette analyse n'est plus effectuée.	-
40730	Micro-imm-séro.	Legionella IgG ou Ac totaux (Ag de groupe) (ELISA)	Le laboratoire producteur ne produit plus.	81080
41223	Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (culture en tube)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41224	Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (Shell vial)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41397	Micro-viro.	Oreillons (culture cellulaire)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41398	Micro-viro.	Rhinovirus (test d'acidité)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41399	Micro-viro.	Rougeole (culture cellulaire)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41403	Micro-viro.	Virus spécimen respiratoire (culture cellulaire)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41405	Micro-viro.	Virus spécimen normalement stérile (biopsie, LCR, liquide biologique) (culture cellulaire)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41406	Micro-viro.	Virus spécimen urinaire (culture cellulaire)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41410	Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en microplaque)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41411	Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en tube)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
41412	Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (Shell vial)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
45080	D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (hybridation) (accuprobe) sur culture solide ou liquide	Trousse discontinuée. À remplacer par le code 45082.	45082
55018	D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène R-LDL (TAAN, mutation unique)	Aucune production depuis 2 ans, le code a été retiré.	-
80135	CTQ	Diltiazem (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
80162	CTQ	Propranolol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
80196	CTQ	Méthotriméprazine (sérum) (GC-MS)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
80307	CTQ	1-Hydroxypyrrène (urine) (GC-MS-MS)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
80319	CTQ	Antinéoplasiques (cyclophosphamide, ifosphamide, alpha-fluoro-beta-alanine, méthotrexate) (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
80362	CTQ	Cannabinoïdes synthétiques qualitatif (urine) (LC-MS-MS) inclut 24 substances	Retrait du code car cette analyse n'est plus effectuée.	-
83039	LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); charge virale (TAAN quantitatif)	Retrait du code, fusion avec le code 83038.	83038
83046	LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); détection et confirmation (antigène p24)	Arrêt de l'analyse, trousse discontinuée par le fabricant.	-
86072	LSPQ - parasito.	Schistosoma spp; identification (microscopie) sur spécimen primaire	Retrait du code.	-

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
1050	C phénotype (Grand)	4140	k (Cellano) phénotype culot
1060	c phénotype (Petit)	4145	k (Cellano) phénotype culot (reprise)
1070	CDE Phénotype	4180	Lea phénotype culot
1170	E phénotype (Grand)	4185	Lea phénotype culot (reprise)
1180	e phénotype (Petit)	4190	Leb phénotype culot
1290	Fya phénotype	4195	Leb phénotype culot (reprise)
1300	Fyb phénotype	4220	M phénotype culot
1430	Jka phénotype	4225	M phénotype culot (reprise)
1440	Jkb phénotype	4230	N phénotype culot
1460	K (Kell) phénotype	4235	N phénotype culot (reprise)
1470	k (Cellano) phénotype	4240	P1 phénotype culot
1490	Lea phénotype	4245	P1 phénotype culot (reprise)
1500	Leb phénotype	4250	S phénotype (Grand) culot
1510	Lectine A1	4255	S phénotype (Grand) culot (reprise)
1520	Lectine H	4260	s phénotype (Petit) culot
1540	M phénotype	4265	s phénotype (Petit) culot (reprise)
1550	N phénotype	15092	l phénotype
1560	P1 phénotype	20005	A1 phénotype segment 1
1670	S phénotype	20010	C phénotype (Grand) segment 1
1680	s phénotype	20015	c phénotype (Petit) segment 1
4000	A1 Phénotype culot	20020	E phénotype (Grand) segment 1
4005	A1 Phénotype culot (reprise)	20025	e phénotype (Petit) segment 1
4010	C phénotype (Grand) culot	20030	Fya phénotype segment 1
4015	C phénotype (Grand) culot (reprise)	20035	Fyb phénotype segment 1
4020	c phénotype (Petit) culot	20040	Jka phénotype segment 1

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
4025	c phénotype (Petit) culot (reprise)	20045	Jkb phénotype segment 1
4030	CDE phénotype culot	20060	K (Kell) phénotype segment 1
4035	CDE Phénotype culot (reprise)	20065	k (Cellano) phénotype segment 1
4050	E phénotype (Grand) culot	20080	Lea phénotype segment 1
4055	E phénotype (Grand) culot (reprise)	20085	Leb phénotype segment 1
4060	e phénotype (Petit) culot	20100	M phénotype segment 1
4065	e phénotype (Petit) culot (reprise)	20105	N phénotype segment 1
4070	Fya phénotype culot	20110	P1 phénotype segment 1
4075	Fya phénotype culot (reprise)	20115	S phénotype segment 1
4080	Fyb phénotype culot	20120	s phénotype segment 1
4085	Fyb phénotype culot (reprise)	30005	A1 phénotype segment 2
4090	Jka phénotype culot	30010	C phénotype (Grand) segment 2
4095	Jka phénotype culot (reprise)	30015	c phénotype (Petit) segment 2
4100	Jkb phénotype culot	30020	E phénotype (Grand) segment 2
4105	Jkb phénotype culot (reprise)	30025	e phénotype (Petit) segment 2
4130	K (Kell) phénotype culot	30030	Fya phénotype segment 2
4135	K (Kell) phénotype culot (reprise)	30035	Fyb phénotype segment 2
30045	Jkb phénotype segment 2	30040	Jka phénotype segment 2
30060	K (Kell) phénotype segment 2	50025	e phénotype (Petit) segment 4
30065	k (Cellano) phénotype segment 2	50030	Fya phénotype segment 4
30080	Lea phénotype segment 2	50035	Fyb phénotype segment 4
30085	Leb phénotype segment 2	50040	Jka phénotype segment 4
30100	M phénotype segment 2	50045	Jkb phénotype segment 4
30105	N phénotype segment 2	50060	K (Kell) phénotype segment 4
30110	P1 phénotype segment 2	50065	k (Cellano) phénotype segment 4

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
30115	S phénotype segment 2	50080	Lea phénotype segment 4
30120	s phénotype segment 2	50085	Leb phénotype segment 4
40005	A1 phénotype segment 3	50100	M phénotype segment 4
40010	C phénotype (Grand) segment 3	50105	N phénotype segment 4
40015	c phénotype (Petit) segment 3	50110	P1 phénotype segment 4
40020	E phénotype (Grand) segment 3	50115	S phénotype segment 4
40025	e phénotype (Petit) segment 3	60005	A1 phénotype segment 5
40030	Fya phénotype segment 3	60010	C phénotype (Grand) segment 5
40035	Fyb phénotype segment 3	60015	c phénotype (Petit) segment 5
40040	Jka phénotype segment 3	60020	E phénotype (Grand) segment 5
40045	Jkb phénotype segment 3	60025	e phénotype (Petit) segment 5
40060	K (Kell) phénotype segment 3	60030	Fya phénotype segment 5
40065	k (Cellano) phénotype segment 3	60035	Fyb phénotype segment 5
40080	Lea phénotype segment 3	60040	Jka phénotype segment 5
40085	Leb phénotype segment 3	60045	Jkb phénotype segment 5
40100	M phénotype segment 3	60060	K (Kell) phénotype segment 5
40105	N phénotype segment 3	60065	k (Cellano) phénotype segment 5
40110	P1 phénotype segment 3	60080	Lea phénotype segment 5
40115	S phénotype segment 3	60085	Leb phénotype segment 5
40120	s phénotype segment 3	60100	M phénotype segment 5
50005	A1 phénotype segment 4	60105	N phénotype segment 5
50010	C phénotype (Grand) segment 4	60110	P1 phénotype segment 5
50015	c phénotype (Petit) segment 4	60115	S phénotype segment 5
50020	E phénotype (Grand) segment 4	60120	s phénotype segment 5
50120	s phénotype segment 4		

Tableau 2 – Liste des phénotypes rares (code 10137)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
1150	Cw phénotype	15088	Cob phénotype
1475	K11 Phénotype	20070	Kpa phénotype segment 1
1480	Kpa Phénotype	20075	Kpb phénotype segment 1
1485	Kpb Phénotype	20090	Lua phénotype segment 1
1530	Lua phénotype	20095	Lub phénotype segment 1
1535	Lub phénotype	30070	Kpa phénotype segment 2
1830	Wright phénotype	30075	Kpb phénotype segment 2
4040	Cw phénotype culot	30090	Lua phénotype segment 2
4045	Cw phénotype culot (reprise)	30095	Lub phénotype segment 2
4150	K11 Phénotype culot	40070	Kpa phénotype segment 3
4155	K11 Phénotype culot (reprise)	40075	Kpb phénotype segment 3
4160	Kpa phénotype culot	40090	Lua phénotype segment 3
4165	Kpa phénotype culot (reprise)	40095	Lub phénotype segment 3
4170	Kpb phénotype culot	50070	Kpa phénotype segment 4
4175	Kpb phénotype culot (reprise)	50075	Kpb phénotype segment 4
4200	Lua phénotype culot	50090	Lua phénotype segment 4
4205	Lua phénotype culot (reprise)	50095	Lub phénotype segment 4
4210	Lub phénotype culot	60070	Kpa phénotype segment 5
4215	Lub phénotype culot (reprise)	60075	Kpb phénotype segment 5
4280	Wright phénotype culot	60090	Lua phénotype segment 5
4285	Wright phénotype culot (reprise)	60095	Lub phénotype segment 5
15078	Dia phénotype		

Tableau 3 – Liste des phénotypes par méthode automatisée (code 10134)

Code	Libellé	Code	Libellé
829	Rh/Kell Automatisé	1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés
833	Rh Kell Automatisé #2	1685	S s phénotypes automatisés
1051	C phénotype (Grand) Automatisé	4037	CcEe phénotype culot automatisé
1061	c phénotype (Petit) Automatisé	4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1072	CcEe phénotype automatisé	4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot
1171	E phénotype (Grand) Automatisé	4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot
1181	e phénotype (Petit) Automatisé	4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot
1301	Fya Fyb phénotype automatisé	4237	M N phénotypes automatisés culot
1445	Jka Jkb phénotype automatisé	4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1461	K (Kell) phénotype Automatisé	4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot
1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	4267	S s phénotypes automatisés culot
1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés	5085	Rh/Kell Automatisé pour culot
1537	Lua Lub phénotypes automatisés	5087	Rh Kell Automatisé pour culot #2
1555	M N phénotypes automatisés		

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10000		Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus	1160	Dépistage aggl. froides	Inclut le code 1164, mais il ne doit pas être calculé en plus.
			1161	Dépist. agg. froides cordon	
			1162	Dépist. ISO. agg. froides	
			1163	Dépistage agglutinines froides OI	
			1330	Identification d'agglutinines froides	
10001		Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus	1691	Titrage agg. froides cell.OI à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
			1692	Titrage agg. froides cell.OI à 22 °C	
			1693	Titrage agg. froides cell.OI à 4 °C	
			1694	Titrage agg. froides cell.OI à 30 °C	
			1711	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
			1712	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 22 °C	
			1713	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 4 °C	
			1714	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 30 °C	
10002		Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) autocontrôles inclus	1690	Titrage agg. froides cell.OI	Inclut le code 1730, mais il ne doit pas être calculé en plus.
			1710	Titrage agg. froides cell.OI (petit)	
			1731	Titrage agg. Froide ISO	
			1732	Titrage agg. Froide ISO #2	
			1090	Allo-Absorption Anti-HLA sur HPC	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10007	*	Anticorps irréguliers (identification manuelle)	1082	Identification d'anticorps sur sérum absorbé	<p>Exemple de compilation pour code :</p> <p>Pour un même usager, vous utilisez votre panel initial de 11 cellules, puis votre panel enzymé de 11 cellules, et pour finir, vous sélectionnez 9 cellules discriminantes* supplémentaires. Vous devez alors compter 3 panels.</p> <p>Panel initial = 1 panel Panel enzymé = trousse commerciale = 1 panel 9 cellules discriminantes = 1 panel Donc 3 panels</p> <p>Décompte par tranche de 5 cellules discriminantes :</p> <p>0-4 = 0 panel 5-9 = 1 panel 10 = 2 panels</p> <p>Pour plus de détails, consulter la partie texte du Répertoire.</p>
			1340	Identification d'anticorps	
			12000	Panel supplémentaire #1	
			12001	Panel supplémentaire #2	
			12002	Panel supplémentaire #3	
			12003	Panel supplémentaire #4	
			12004	Panel supplémentaire #5	
10008	*	Allo ou auto adsorption à chaud	1086	Adsorption à chaud #1	
			1087	Adsorption à chaud #2	
			1088	Adsorption à chaud #3	
			1089	Adsorption à chaud #4	
10009	*	Allo ou auto adsorption à froid	1091	Adsorption à froid #1	
			1092	Adsorption à froid #2	
			1093	Adsorption à froid #3	
			1094	Adsorption à froid #4	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10020	*	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)	1310	HB foetale (dépistage)	
10021		Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)	1320	HB foetale (Kleihauer)	Ce code est classé en hémato-cyto-chimie dans le Répertoire. Vous pouvez compiler cette activité si elle est réalisée en banque de sang dans votre installation.
10024	*	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	1110	Compatibilité post-distribution #1	Attention à la distinction entre les codes d'analyses et les ajouts techniques. Attention : les codes 5010, 5020, 5030, 5040, 5060 et 5070 ne peuvent être ajoutés qu'une seule fois par rapport, donc si plus d'un culot est comptabilisé, les calculs devront être faits manuellement.
			1111	Compatibilité post-distribution #2	
			1112	Compatibilité post-distribution #3	
			1113	Compatibilité post-distribution #4	
			1114	Compatibilité post-distribution #5	
			1115	Compatibilité post-distribution #6	
			1116	Compatibilité post-distribution #7	
			1117	Compatibilité post-distribution #8	
			1118	Compatibilité post-distribution #9	
			1119	Compatibilité post-distribution #10	
			1120	Compatibilité post-distribution #11	
			1121	Compatibilité post-distribution #12	
			1122	Compatibilité post-distribution #13	
			1123	Compatibilité post-distribution #14	
			1124	Compatibilité post-distribution #15	
			5000	Compatibilité	
5010	Compatibilité centrifugation immédiate				
5020	Compatibilité albumine				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10024 (suite)	*	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	5030	Compatibilité Liss	
			5040	Compatibilité en PEG	
			5050	Compatibilité en GEL	
			5060	Compatibilité donneur vs bébé	
			5070	Compatibilité donneur vs mère	
			5080	Compatibilité automatisée	
			5081	Compatibilité post-distribution automatisée	
			6201	Compatibilité pré-transfusionnel #1	
			6202	Compatibilité pré-transfusionnel #2	
			6203	Compatibilité pré-transfusionnel #3	
			6204	Compatibilité pré-transfusionnel #4	
			6205	Compatibilité pré-transfusionnel #5	
			6501	Compatibilité post-transfusionnel #1	
			6502	Compatibilité post-transfusionnel #2	
			6503	Compatibilité post-transfusionnel #3	
			6504	Compatibilité post-transfusionnel #4	
			6505	Compatibilité post-transfusionnel #5	
			20150	Compatibilité sur segment 1	
			30150	Compatibilité sur segment 2	
			40150	Compatibilité sur segment 3	
50150	Compatibilité sur segment 4				
60150	Compatibilité sur segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	880	Coombs direct polyvalent	L'élément de compte est par résultat. Par exemple, pour un même usager, Coombs polyspécifique positif, fraction IgG positive et fraction C3 négative = 3 résultats
			881	Coombs direct polyvalent 22 °C	
			882	Coombs direct à 22 °C en Salin	
			883	Coombs direct à 22 °C en Sérum AB	
			884	Coombs direct à 22 °C en Salin Plasma	
			885	Coombs direct polyvalent 37	
			886	Coombs direct à 37 °C en Salin	
			887	Coombs direct à 37 °C en Sérum AB	
			899	Coombs direct gel BB	
			900	Coombs direct polyvalent BB	
			901	Coombs direct en IgG gel BB	
			902	Coombs direct polyvalent BB plasma	
			903	Coombs direct polyvalent plasma	
			904	Coombs direct polyvalent en gel plasma	
			905	Coombs direct IgG en gel sur plasma	
920	Coombs direct C3				
921	Coombs direct C3 Plasma				
922	Coombs direct C3 Gel				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	925	Coombs direct à 37 °C en C3	
			940	Coombs direct IgG	
			941	Coombs direct IgG BB	
			942	Coombs direct IgG plasma	
			943	Coombs direct IgG BB plasma	
			944	Coombs direct à 22 °C en Salin BB plasma	
			945	Coombs direct à 37 °C en IgG	
			950	Coombs direct IgG gel	
			951	Coombs direct à 22 °C en Salin BB	
			952	Coombs direct polyvalent 37 BB	
			953	Coombs direct C3 BB	
			954	Coombs direct C3 BB plasma	
			960	Coombs direct Gel	
			964	Coombs direct polyspécifique en gel	
			1625	Coombs direct sur le culot	
1860	Coombs direct sur le culot #2				
1861	Coombs direct sur le culot #3				
1862	Coombs direct sur le culot #4				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	1863	Coombs direct sur le culot #5	
			1864	Coombs direct sur le culot #6	
			1865	Coombs direct sur le culot #7	
			1866	Coombs direct sur le culot #8	
			1867	Coombs direct sur le culot #9	
			1868	Coombs direct sur le culot #10	
			6080	Coombs direct pré-transfusionnel	
			6082	Coombs direct IgG pré-transfusionnel	
			6084	Coombs direct C3 pré-transfusionnel	
			6380	Coombs direct post-transfusionnel	
			6382	Coombs direct IgG post-transfusionnel	
			6384	Coombs direct C3 post-transfusionnel	
			20160	Coombs direct sur segment 1	
			30160	Coombs direct sur segment 2	
			40160	Coombs direct sur segment 3	
50160	Coombs direct sur segment 4				
60160	Coombs direct sur segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10028		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisé)	923	Coombs direct C3 automatisé	
			961	Coombs direct polyspécifique automatisé	
			963	Coombs direct IgG automatisé	
			965	Coombs direct IgG automatisé #2	
10040	*	Différentiation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)	1095	Différenciation IgG-IgM (DTT)	Section hémato-immunologie
10044		Donath Landsteiner	1165	Donath Landsteiner	
10060	*	Élution (identification sur éluat incluse)	1195	Elution	
			1200	Élution 56 °C	
			1270	Elution GEL	
10085	*	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)	806	ABO automatisé	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus.
			827	ABOBB automatisé	
10086	*	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	800	ABO groupe	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus. Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
			801	ABO groupe plasma	
			802	ABO BB groupe plasma	
			803	ABO gel	
			824	ABO BB groupe	
			1020	ABO BB groupe confirmation	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10086 (suite)	*	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	1030	ABO confirmation receveur #2	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus. Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
			1031	ABO confirmation receveur #3	
			1032	ABO confirmation receveur #4	
			1033	ABO confirmation receveur #5	
			1034	ABO confirmation receveur #6	
			1036	ABO confirmation receveur #7	
			1037	ABO confirmation receveur #8	
			1038	ABO confirmation receveur #9	
			1039	ABO confirmation receveur #10	
			1660	ABO maternel	
			1805	Tube surplus	
			1806	Tube surplus (2)	
			6020	ABO groupe pré-transfusionnel	
6320	ABO groupe post-transfusionnel				
10111	*	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	1004	Identification d'anticorps automatisée	
			12005	Panel automatisé supplémentaire #1	
			12006	Panel automatisé supplémentaire #2	
			12007	Panel automatisé supplémentaire #3	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10111 (suite)	*	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	12008	Panel automatisé supplémentaire #4	
			12009	Panel automatisé supplémentaire #5	
10115	*	Investigation RhD faible	1187	D phénotype	Investigation pour un RhD faible, faite en cas de discordance de groupe ou chez un usager, une seule fois dans sa vie , qui appartient à l'une des populations ciblées. L'extraction peut être réalisée à l'aide des codes eTrace Line 1187 D phénotype, 840 D faible ou 845 D faible BB, par exemple. Il importe de ne pas extraire de doublons en fonction du paramétrage local, d'exclure les résultats « non testés » et tous les résultats de génotypage se terminant par « (Géno connu) ».
			840	D faible	
			845	D faible BB	
			...	Autre, selon paramétrage local	
10134		Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	829	Rh/Kell automatisé	
			833	Rh Kell automatisé #2	
			1051	C phénotype (grand) automatisé	
			1061	c phénotype (petit) automatisé	
			1072	CcEe phénotype automatisé	
			1171	E phénotype (grand) automatisé	
			1181	e phénotype (petit) automatisé	
			1301	Fya Fyb phénotype automatisé	
			1445	Jka Jkb phénotype automatisé	
			1461	K (Kell) phénotype automatisé	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10134 (suite)		Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	
			1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés	
			1537	Lua Lub phénotypes automatisés	
			1555	M N phénotypes automatisés	
			1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés	
			1685	S s phénotypes automatisés	
			4037	CcEe phénotype culot automatisé	
			4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
			4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot	
			4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot	
			4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot	
			4237	M N phénotypes automatisés culot	
			4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
			4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot	
			4267	S s phénotypes automatisés culot	
5085	Rh/Kell automatisé pour culot				
5087	Rh/Kell automatisé pour culot #2				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1050	C phénotype (grand)	
			1060	c phénotype (petit)	
			1070	CDE Phénotype	
			1170	E phénotype (grand)	
			1180	e phénotype (petit)	
			1290	Fya phénotype	
			1300	Fyb phénotype	
			1430	Jka phénotype	
			1440	Jkb phénotype	
			1460	K (Kell) phénotype	
			1470	k (Cellano) phénotype	
			1490	Lea phénotype	
			1500	Leb phénotype	
			1510	Lectine A1	
			1520	Lectine H	
			1540	M phénotype	
1550	N phénotype				
1560	P1 phénotype				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1670	S phénotype	
			1680	s phénotype	
			4000	A1 Phénotype culot	
			4005	A1 Phénotype culot (confirmation)	
			4010	C phénotype (grand) culot	
			4015	C phénotype (grand) culot (confirmation)	
			4020	c phénotype (petit) culot	
			4025	c phénotype (petit) culot (confirmation)	
			4030	CDE phénotype culot	
			4035	CDE Phénotype culot (confirmation)	
			4050	E phénotype (grand) culot	
			4055	E phénotype (grand) culot (confirmation)	
			4060	e phénotype (petit) culot	
			4065	e phénotype (petit) culot (confirmation)	
			4070	Fya phénotype culot	
			4075	Fya phénotype culot (confirmation)	
4080	Fyb phénotype culot				
4085	Fyb phénotype culot (confirmation)				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4090	Jka phénotype culot	
			4095	Jka phénotype culot (confirmation)	
			4100	Jkb phénotype culot	
			4105	Jkb phénotype culot (confirmation)	
			4130	K (Kell) phénotype culot	
			4135	K (Kell) phénotype culot (confirmation)	
			4140	k (Cellano) phénotype culot	
			4145	k (Cellano) phénotype culot (confirmation)	
			4180	Lea phénotype culot	
			4185	Lea phénotype culot (confirmation)	
			4190	Leb phénotype culot	
			4195	Leb phénotype culot (confirmation)	
			4220	M phénotype culot	
			4225	M phénotype culot (confirmation)	
			4230	N phénotype culot	
			4235	N phénotype culot (confirmation)	
4240	P1 phénotype culot				
4245	P1 phénotype culot (confirmation)				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4250	S phénotype (grand) culot	
			4255	S phénotype (grand) culot (confirmation)	
			4260	s phénotype (petit) culot	
			4265	s phénotype (petit) culot (confirmation)	
			15092	I phénotype	
			20005	A1 phénotype segment 1	
			20010	C phénotype (grand) segment1	
			20015	c phénotype (petit) segment 1	
			20020	E phénotype (grand) segment 1	
			20025	e phénotype (petit) segment 1	
			20030	Fya phénotype segment 1	
			20035	Fyb phénotype segment 1	
			20040	Jka phénotype segment 1	
			20045	Jkb phénotype segment 1	
			20060	K (Kell) phénotype segment 1	
			20065	k (Cellano) phénotype segment 1	
20080	Lea phénotype segment 1				
20085	Leb phénotype segment 1				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	20100	M phénotype segment 1	
			20105	N phénotype segment 1	
			20110	P1 phénotype segment 1	
			20115	S phénotype segment 1	
			20120	s phénotype segment 1	
			30005	A1 phénotype segment 2	
			30010	C phénotype (grand) segment 2	
			30015	c phénotype (petit) segment 2	
			30020	E phénotype (grand) segment 2	
			30025	e phénotype (petit) segment 2	
			30030	Fya phénotype segment 2	
			30035	Fyb phénotype segment 2	
			30040	Jka phénotype segment 2	
			30045	Jkb phénotype segment 2	
			30060	K (Kell) phénotype segment 2	
			30065	k (Cellano) phénotype segment 2	
			30080	Lea phénotype segment 2	
30085	Leb phénotype segment 2				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	30100	M phénotype segment 2	
			30105	N phénotype segment 2	
			30110	P1 phénotype segment 2	
			30115	S phénotype segment 2	
			30120	s phénotype segment 2	
			40005	A1 phénotype segment 3	
			40010	C phénotype (grand) segment 3	
			40015	c phénotype (petit) segment 3	
			40020	E phénotype (grand) segment 3	
			40025	e phénotype (petit) segment 3	
			40030	Fya phénotype segment 3	
			40035	Fyb phénotype segment 3	
			40040	Jka phénotype segment 3	
			40045	Jkb phénotype segment 3	
			40060	K (Kell) phénotype segment 3	
			40065	k (Cellano) phénotype segment 3	
			40080	Lea phénotype segment 3	
40085	Leb phénotype segment 3				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	40100	M phénotype segment 3	
			40105	N phénotype segment 3	
			40110	P1 phénotype segment 3	
			40115	S phénotype segment 3	
			40120	s phénotype segment 3	
			50005	A1 phénotype segment 4	
			50010	C phénotype (grand) segment 4	
			50015	c phénotype (petit) segment 4	
			50020	E phénotype (grand) segment 4	
			50025	e phénotype (petit) segment 4	
			50030	Fya phénotype segment 4	
			50035	Fyb phénotype segment 4	
			50040	Jka phénotype segment 4	
			50045	Jkb phénotype segment 4	
			50060	K (Kell) phénotype segment 4	
			50065	k (Cellano) phénotype segment 4	
			50080	Lea phénotype segment 4	
50085	Leb phénotype segment 4				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	50100	M phénotype segment 4	
			50105	N phénotype segment 4	
			50110	P1 phénotype segment 4	
			50115	S phénotype segment 4	
			50120	s phénotype segment 4	
			60005	A1 phénotype segment 5	
			60010	C phénotype (grand) segment 5	
			60015	c phénotype (petit) segment 5	
			60020	E phénotype (grand) segment 5	
			60025	e phénotype (petit) segment 5	
			60030	Fya phénotype segment 5	
			60035	Fyb phénotype segment 5	
			60040	Jka phénotype segment 5	
			60045	Jkb phénotype segment 5	
			60060	K (Kell) phénotype segment 5	
			60065	k (Cellano) phénotype segment 5	
			60080	Lea phénotype segment 5	
60085	Leb phénotype segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	60100	M phénotype segment 5	
			60105	N phénotype segment 5	
			60110	P1 phénotype segment 5	
			60115	S phénotype segment 5	
			60120	s phénotype segment 5	
10137	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	1150	Cw phénotype	
			1475	K11 Phénotype	
			1480	Kpa Phénotype	
			1485	Kpb Phénotype	
			1530	Lua phénotype	
			1535	Lub phénotype	
			1830	Wright phénotype	
			4040	Cw phénotype culot	
			4045	Cw phénotype culot (confirmation)	
			4150	K11 Phénotype culot	
			4155	K11 Phénotype culot (confirmation)	
			4160	Kpa phénotype culot	
			4165	Kpa phénotype culot (confirmation)	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	4170	Kpb phénotype culot	
			4175	Kpb phénotype culot (confirmation)	
			4200	Lua phénotype culot	
			4205	Lua phénotype culot (confirmation)	
			4210	Lub phénotype culot	
			4215	Lub phénotype culot (confirmation)	
			4280	Wright phénotype culot	
			4285	Wright phénotype culot (confirmation)	
			15078	Dia phénotype	
			15088	Cob phénotype	
			20070	Kpa phénotype segment 1	
			20075	Kpb phénotype segment 1	
			20090	Lua phénotype segment 1	
			20095	Lub phénotype segment 1	
			30070	Kpa phénotype segment 2	
			30075	Kpb phénotype segment 2	
30090	Lua phénotype segment 2				
30095	Lub phénotype segment 2				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	40070	Kpa phénotype segment 3	
			40075	Kpb phénotype segment 3	
			40090	Lua phénotype segment 3	
			40095	Lub phénotype segment 3	
			50070	Kpa phénotype segment 4	
			50075	Kpb phénotype segment 4	
			50090	Lua phénotype segment 4	
			50095	Lub phénotype segment 4	
			60070	Kpa phénotype segment 5	
			60075	Kpb phénotype segment 5	
			60090	Lua phénotype segment 5	
			60095	Lub phénotype segment 5	
10150		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	805	Cellules A1 37 °C	
			847	Recherche d'anticorps Salin plasma	
			848	Recherche d'anticorps Salin BB	
			850	Recherche d'anticorps Contrôle	
			851	Recherche d'anticorps en PEG plasma	
			852	Recherche d'anticorps en LISS plasma	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	853	Recherche d'anticorps en LISS BB	
			854	Recherche d'anticorps en GEL plasma	
			855	Recherche d'anticorps en GEL BB	
			856	Recherche d'anticorps en GEL BB plasma	
			858	Recherche d'anticorps Salin Coombs	
			859	Recherche d'anticorps immediate spin 2	
			861	Recherche d'anticorps en SALIN	
			862	Recherche d'anticorps en ALBUMINEUX	
			863	Recherche d'anticorps en ALBUMINE ANTIGLOBULINE	
			864	Recherche d'anticorps en LISS	
			865	Recherche d'anticorps en PEG	
			866	Recherche d'anticorps en GEL	
			867	RECHERCHE D'ANTICORPS IMMEDIATE SPIN	
			868	Recherche d'anticorps en phase solide	
			869	Recherche d'anticorps avec ANTI-GLOBULINE	
			870	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN GEL	
871	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN TUBE				
872	RAI préchauffage Salin Coombs				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	873	Recherche d'anticorps ANTIGLOBULINE LISS	
			875	Recherche d'anticorps avec ENZYME ANTIGLOBULINE	
			876	Recherche d'anticorps Préchauffage ANTIGLOBULINE	
			877	Recherche d'anticorps Préchauffage LISS	
			878	Recherche d'Anticorps dilution 1:3	
			879	Recherche d'Anticorps dilution 1:5	
			1570	Rech. d'anti-A IgG	
			1580	Rech. d'anti-B IgG	
			1581	Rech. d'anti-A IgG Gel	
			1582	Rech. d'anti-B IgG Gel	
			1664	RAI maternel	
			5090	Recherche d'anticorps en gel sur produit	
			6060	Recherche d'anticorps pré-transfusionnel	
6360	Recherche d'anticorps post-transfusionnel				
10151		Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)	Aucun code		
10153		Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel)	846	Recherche d'anticorps automatisée	
			857	Recherche d'anticorps automatisée #2	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10154		Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)	874	Recherche d'anticorps en phase solide automatisée	
10170	*	Titration anticorps (par anticorps)	1770	Titration nouveau spécimen	
			1771	Titration nouveau (anticorps 2)	
			1772	Titration nouveau (anticorps 3)	
			1773	Titration nouveau (anticorps 4)	
			1774	Titration nouveau (anticorps 5)	
			1780	Titration TEFA #1	
			1781	Titration TEFA #2	
			1790	Titration	
			1791	Titration (anticorps 2)	
			1792	Titration (anticorps 3)	
			1793	Titration (anticorps 4)	
			1794	Titration (anticorps 5)	
			1795	Titration isohémaggl.Cell A1	
			1796	Titration isohémaggl.Cell A1 Coombs	
			1797	Titration isohémaggl.Cell A2	
			1798	Titration isohémaggl.Cell A2 Coombs	
1799	Titration isohémaggl.Cell B				
1800	Titration isohémaggl.Cell B Coombs				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10170 (suite)	*	Titration anticorps (par anticorps)	1951	Titre isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-A	
			1952	Titre isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-B	
10173	*	Traitement cellules (méthode EGA KIT)	4500	Traitement cellules (Phénotype) #1	
			4502	Traitement cellules (Phénotype) #2	
10174	*	Traitement enzymatique (Ex : ficine) pour identification d'anticorps	4510	Traitement enzymatique identification d'anticorps	
10510	*	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)	200	Spécimen congelé	
			1810	Tube reçu	
10512		Étude de don antérieur (par cas) (fait par technologiste)	750	Étude de don antérieur	
10513	*	Étude de réaction transfusionnelle (fait par technologiste)	700	Réaction transfusionnelle post	
10730	*	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1620	Retypage ABO globulaire	
			1630	Retypage ABO plasmatique	
			1850	Retypage ABO globulaire #2	
			1851	Retypage ABO globulaire #3	
			1852	Retypage ABO globulaire #4	
			1853	Retypage ABO globulaire #5	
			1854	Retypage ABO globulaire #6	
			1855	Retypage ABO globulaire #7	
1856	Retypage ABO globulaire #8				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10730 (suite)	*	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1857	Retypage ABO globulaire #9	
			1858	Retypage ABO globulaire #10	
			1870	Retypage ABO plasmatique #2	
			1871	Retypage ABO plasmatique #3	
			1872	Retypage ABO plasmatique #4	
			1873	Retypage ABO plasmatique #5	
			1874	Retypage ABO plasmatique #6	
			1875	Retypage ABO plasmatique #7	
			1876	Retypage ABO plasmatique #8	
			1877	Retypage ABO plasmatique #9	
			1878	Retypage ABO plasmatique #10	
			20001	ABO groupe sur segment 1	
			30001	ABO groupe sur segment 2	
			40001	ABO groupe sur segment 3	
			50001	ABO groupe sur segment 4	
60001	ABO groupe sur segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf. texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
70002	*	Envoi intergroupes (vers un laboratoire d'un autre établissement)	1280	Envoi inter-établissement	Décompte manuel des échantillons requis
70003	*	Envoi intragroupe (entre les laboratoires d'un même établissement)	1283	Envoi interinstallations	Décompte manuel des échantillons requis
70006	*	Envoi hors Québec (par établissement) (excluant frais postaux)	1282	Envoi hors Québec	

**CALENDRIER DE TRANSMISSION DES DONNÉES D'ACTIVITÉ DE LABORATOIRE
POUR L'ANNÉE FINANCIÈRE DÉBUTANT LE 1^{ER} AVRIL 2025**

Périodes	Date de fin de la période financière	Date limite de transmission des données par les installations	Date limite de transmission et de validation des données dans Centralab	Commentaires
13 (2025)	2025-03-31	2025-04-24	2025-05-15	<p>Validation signifie : s'assurer de l'<u>exactitude</u> des <u>codes utilisés</u> et des <u>données d'activité inscrites</u>.</p> <p>La fermeture de l'année financière 2025-2026 est fixée au 15 mai 2026.</p> <p>À cette date, toutes les données contenues dans Centralab devront avoir été préalablement validées par tous les intervenants dans ce dossier.</p> <p>Une lettre signée par les codirecteurs de la grappe doit attester les données de la banque de données et doit être transmise dans l'application.</p>
1	2025-04-30	2025-05-31	2025-06-14	
2	2025-05-31	2025-06-30	2025-07-14	
3	2025-06-30	2025-07-31	2025-08-14	
4	2025-07-31	2025-08-31	2025-09-14	
5	2025-08-31	2025-09-30	2025-10-14	
6	2025-09-30	2025-10-31	2025-11-14	
7	2025-10-31	2025-11-30	2025-12-14	
8	2025-11-30	2025-12-31	2026-01-14	
9	2025-12-31	2026-01-31	2026-02-14	
10	2026-01-31	2026-02-28	2026-03-14	
11	2026-02-28	2026-03-31	2026-04-14	
12 (2026)	2026-03-31	2026-04-25	2026-05-15	

NOTE : Le calendrier de transmission des données de Centralab est modifié pour s'ajuster au calendrier des périodes financières des établissements publics du réseau de la santé et des services sociaux. À cet effet, les périodes financières se terminent le dernier jour calendrier de chacun des 12 mois de l'année.

Les personnes mandatées de la grappe ont l'**obligation, à chaque période de l'année financière**, de **valider** et de **transmettre** les données d'activité de laboratoire au ministère de la Santé et des Services sociaux (Centralab).

Les données compilées de l'installation qui effectue des activités de laboratoire sont transmises aux personnes mandatées de la grappe, selon l'entente convenue préalablement avec les intervenants dans ce dossier.

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (1/3)	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Erreurs innées du métabolisme (PKU, TYR1, MCADD, VLCADD, LCHADD-TFPD, ASA, GA1, MMA, PA, CbS, CUD) <i>Voir le tableau de tests de confirmation diagnostique pour l'appellation complète des maladies</i>	
50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)	50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
PLASMA (SÉRUM)/URINE/SANG				
Phénylcétonurie (PKU)				
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		
50390 - Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
55268 – Phénylcétonurie (PKU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)		✓		
55266 – Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, régions codantes complètes)		✓		
Tyrosinémie type 1 (TYR1)				
50624 – Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)			✓	
55314 – Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM/ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique				✓
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		
50390 - Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
Acidurie argininosuccinique (ASA)				
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		
50390 - Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
50405 – Acide orotique			✓	
Déficit en acyl Co-A déshydrogénase des acides gras à chaîne moyenne (MCADD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50440 – Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
55196 – Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); ACADM (Lys304Glu/Lys329Glu)		✓		
Déficit en déshydrogénase des hydroxyacyl-CoA à longue chaîne (LCHADD) / Protéine trifonctionnelle mitochondriale (TFPD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Déficit en déshydrogénase des acyl-CoA à chaîne très longue (VLCADD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Acidurie glutarique de type 1 (GA1)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
50433 – Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)			✓	

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (2/3)	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Erreurs innées du métabolisme (PKU, TYR1, MCADD, VLCADD, LCHADD-TFPD, ASA, GA1, MMA, PA, CbS, CUD) <i>Voir le tableau de tests de confirmation diagnostique pour l'appellation complète des maladies</i>	
50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)	50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (MS-MS)
Hypothyroïdie congénitale	
50800 – TSH sur sang séché	50641 – Thyroxine (T4) totale sur sang séché 50800 – TSH sur sang séché
Syndromes drépanocytaires majeurs	
50488 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)	50489 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2 ^e intention (électrophorèse capillaire)
Fibrose kystique du pancréas	
50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché	50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché 55219 – Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
PLASMA (SÉRUM)/URINE/SANG				
Acidémie méthylmalonique (MMA)				
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)			✓	
50404 – Acide méthylmalonique			✓	
30234 – Homocystéine			✓	
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
50409 – Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		✓		
50410 – Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		✓		
55132 – Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; MMACHC, LMBR1D; (TAAN, mutation individuelle)		✓		
Acidémie propionique (PA)				
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)			✓	
50404 – Acide méthylmalonique			✓	
30234 – Homocystéine			✓	
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
50604 – Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		✓		
Homocystinurie classique par déficit en cystathionine bêta synthase (CbS)				
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)			✓	
30234 – Homocystéine			✓	
Déficit systémique en carnitine (CUD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
Hypothyroïdie congénitale				
TSH sérique (régional)	✓	✓	✓	✓
T4 libre (régional)	✓	✓	✓	✓
Syndromes drépanocytaires majeurs				
20765 – Hémoglobine chromatographie	✓	✓	✓	✓
Fibrose kystique du pancréas				
30517 – Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)	✓	✓	✓	✓
Également désignés : CISSS du Bas-Saint-Laurent, CISSS de l'Abitibi-Témiscamingue, CIUSSS du Saguenay – Lac Saint-Jean				

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (3/3)	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Amyotrophie Spinale	
50483 – Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A (TREC; SMN1); (TAAN) sur sang séché	50484 – Amyotrophie spinale (SMA); Trousse B (SMN1; TREC) - test de 2 ^e intention, partie 1; (TAAN) sur sang séché
	50485 – Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C1 (SMN1) - test de 2 ^e intention, partie 2.1; (TAAN) sur sang séché
	50486 – Amyotrophie spinale (SMA) Trousse C2 (SMN2) - test de 2 ^e intention partie 2.2; (TAAN) sur sang séché
Déficit immunitaire combiné sévère (SCID)	
50483 – Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A (TREC; SMN1); (TAAN) sur sang séché	50487 – Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse B (TREC; SMN1) – test de 2 ^e intention; (TAAN) sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
PLASMA (SÉRUM)/URINE/SANG				
Amyotrophie spinale				
55133 – Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 SMN1, SMN2 (TAAN)	√			
Déficit immunitaire combiné sévère (SCID)				
Première intention				
21004 – Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45RA/45RO, CD31)	√			√
Deuxième intention				
55405 – Panel virtuel ciblé de gènes associés au déficit immunitaire combiné sévère (SCID) (interprétation seulement)	√			

TEST DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL URINAIRE	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CENTRE HOSPITALIER UNIVERSITAIRE DE SHERBROOKE	
Première intention	Seconde intention/validation
50490 – Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)	50411 – Acides aminés (qualitatif) 50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)

TEST DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
3-méthylcrotonyl glycinurie de type 1				
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
Citrullinémie classique et citrullinémie de type 2				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique			✓	
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		
Syndrôme triple H (hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie)				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique			✓	
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		
Hyperargininémie				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique			✓	
50390 – Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)		✓		

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
i1	Abeille domestique (venin)	√	√		√	√
D2	Acarien (<i>Dermatophagoides farinae</i>) (mites)	√	√	√	√	√
D1	Acarien (<i>Dermatophagoides pteronyssinus</i>) (mites)	√	√	√	√	√
F47	Ail	√	√		√	√
F76	Alpha-lactalbumine (nBos d4 alpha-lactalbumine)	√	√	√	√	
M6	<i>Alternaria tenuis</i> / <i>Alternaria alternata</i> (moisissures)	√	√	√	√	√
F20	Amande	√	√	√	√	√
F13	Arachides	√	√	√	√	√
W6	Armoise commune		√	√		
M3	<i>Aspergillus fumigatus</i> (IgE spécifique) (moisissures)	√	√	√	√	√
M207	<i>Aspergillus niger</i> (IgE spécifique) (moisissures)	√	√	√		
F7	Avoine	√	√	√	√	√
F77	Bêta-lactoglobuline (nBos d5 bêta-lactoglobuline)	√	√	√	√	
F1	Blanc d'œuf	√	√	√	√	√
F4	Blé	√	√	√	√	√
F27	Bœuf (viande)	√	√	√		√
T3	Bouleau	√	√	√	√	√
F78	Caséine (nBos d8 caséine)	√	√	√	√	
E1	Chat (squames)	√	√	√	√	√
T7	Chêne		√	√		
E3	Cheval (squames)	√	√		√	√
E5	Chien (squames)	√	√	√	√	√
M2	<i>Cladosporium hebarum</i> (moisissures)	√	√		√	√
F23	Crabe	√	√	√	√	√
F24	Crevette	√	√	√	√	√
T1	Érable	√	√	√		
F11	Farine sarrasin	√	√	√		

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
i2	Frelon à face blanche / Frelon tête blanche (venin)	√	√		√	√
i5	Frelon jaune (venin)	√	√		√	√
F10	Graine de sésame	√	√	√	√	√
K84	Graine de tournesol	√	√	√		√
i4	Guêpe (poliste) (venin)	√	√		√	√
i3	Guêpe de l'est jaune	√	√		√	√
W3	H. Ambroisie trilobée / Herbe à poux grande		√	√	√	
W1	Herbe à poux (herbacée)	√	√	√	√	√
F80	Homard	√	√	√	√	√
F290	Huître	√	√	√		
F75	Jaune d'œuf	√	√	√	√	√
F84	Kiwi	√	√	√	√	√
F2	Lait de vache	√	√	√	√	√
K82	Latex (allergène professionnel)	√	√		√	√
F235	Lentille	√	√	√	√	
F8	Mais	√	√	√	√	√
F3	Morue	√	√	√	√	√
F37	Moule bleue	√	√	√	√	√
F17	Noisette	√	√	√	√	√
F202	Noix de cajou	√	√	√	√	√
F36	Noix de coco	√	√	√		√
F256	Noix de Grenoble	√	√	√	√	√
F345	Noix de macadam	√	√	√	√	
F201	Noix de pacane / Noix d'hickory	√	√	√	√	√
F18	Noix du Brésil	√	√	√	√	√
F6	Orge (farine)	√	√	√	√	√
F232	Ovalbumine (nGal d2 ovalbumine)	√	√	√	√	√

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
F233	Ovomucoïde (nGal d1 ovomucoïde)	√	√	√	√	√
C1	Pénicilline G	√	√		√	√
C2	Pénicilline V	√	√		√	√
M1	<i>Penicillium notatum</i> (<i>P. chrysogenum</i>)	√	√		√	√
F338	Pétoncle	√	√	√	√	
T14	Peuplier		√	√	√	
G6	Phléole des prés (graminée)	√	√	√		
F253	Pignon de pin	√	√	√	√	
F203	Pistache	√	√	√	√	√
W9	Plantain lancéolé (herbacée)		√	√	√	
F12	Pois	√	√	√	√	√
F309	Pois chiche	√	√	√	√	
F49	Pomme	√	√		√	√
H1	Poussière de maison (Lab. Greer)	√	√			√
F9	Riz	√	√	√	√	√
F41	Saumon	√	√	√	√	√
F5	Seigle	√	√	√	√	√
F337	Sole	√	√	√		
F14	Soya / Soja	√	√	√	√	√
F40	Thon	√	√	√	√	√
F414	Tilapia		√		√	
F204	Truite	√	√	√	√	√

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.2 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
C1	Pénicilline G	√	√		√	√
C2	Pénicilline V	√	√		√	√
D1	Acarien (<i>Dermatophagoides pteronyssinus</i>) (mites)	√	√	√	√	√
D2	Acarien (<i>Dermatophagoides farinae</i>) (mites)	√	√	√	√	√
E1	Chat (squames)	√	√	√	√	√
E3	Cheval (squames)	√	√		√	√
E5	Chien (squames)	√	√	√	√	√
F1	Blanc d'œuf	√	√	√	√	√
F10	Graine de sésame	√	√	√	√	√
F11	Farine sarrasin	√	√	√		
F12	Pois	√	√	√	√	√
F13	Arachides	√	√	√	√	√
F14	Soya / Soja	√	√	√	√	√
F17	Noisette	√	√	√	√	√
F18	Noix du Brésil	√	√	√	√	√
F2	Lait de vache	√	√	√	√	√
F20	Amande	√	√	√	√	√
F201	Noix de pacane / Noix d'hickory	√	√	√	√	√
F202	Noix de cajou	√	√	√	√	√
F203	Pistache	√	√	√	√	√
F204	Truite	√	√	√	√	√
F23	Crabe	√	√	√	√	√
F232	Ovalbumine (nGal d2 ovalbumine)	√	√	√	√	√
F233	Ovomucoïde (nGal d1 ovomucoïde)	√	√	√	√	√
F235	Lentille	√	√	√	√	
F24	Crevette	√	√	√	√	√
F253	Pignon de pin	√	√	√	√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.2 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
F256	Noix de Grenoble	√	√	√	√	√
F27	Bœuf (viande)	√	√	√		√
F290	Huître	√	√	√		
F3	Morue	√	√	√	√	√
F309	Pois chiche	√	√	√	√	
F337	Sole	√	√	√		
F338	Pétoncle	√	√	√	√	
F345	Noix de macadam	√	√	√	√	
F36	Noix de coco	√	√	√		√
F37	Moule bleue	√	√	√	√	√
F4	Blé	√	√	√	√	√
F40	Thon	√	√	√	√	√
F41	Saumon	√	√	√	√	√
F414	Tilapia		√		√	
F47	Ail	√	√		√	√
F49	Pomme	√	√		√	√
F5	Seigle	√	√	√	√	√
F6	Orge (farine)	√	√	√	√	√
F7	Avoine	√	√	√	√	√
F75	Jaune d'œuf	√	√	√	√	√
F76	Alpha-lactalbumine (nBos d4 alpha-lactalbumine)	√	√	√	√	
F77	Bêta-lactoglobuline (nBos d5 bêta-lactoglobuline)	√	√	√	√	
F78	Caséine (nBos d8 caséine)	√	√	√	√	
F8	Maïs	√	√	√	√	√
F80	Homard	√	√	√	√	√
F84	Kiwi	√	√	√	√	√
F9	Riz	√	√	√	√	√

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 1.2 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
G6	Phléole des prés (graminée)	√	√	√		
H1	Poussière de maison (Lab. Greer)	√	√			√
i1	Abeille domestique (venin)	√	√		√	√
i2	Frelon à face blanche / Frelon tête blanche (venin)	√	√		√	√
i3	Guêpe de l'est jaune	√	√		√	√
i4	Guêpe (poliste) (venin)	√	√		√	√
i5	Frelon jaune (venin)	√	√		√	√
K82	Latex (allergène professionnel)	√	√		√	√
K84	Graine de tournesol	√	√	√		√
M1	<i>Penicillium notatum</i> (<i>P. chrysogenum</i>)	√	√		√	√
M2	<i>Cladosporium hebarum</i> (moisissures)	√	√		√	√
M207	<i>Aspergillus niger</i> (IgE spécifique) (moisissures)	√	√	√		
M3	<i>Aspergillus fumigatus</i> (igE spécifique) (moisissures)	√	√	√	√	√
M6	<i>Alternaria tenuis</i> / <i>Alternaria alternata</i> (moisissures)	√	√	√	√	√
T1	Érable	√	√	√		
T14	Peuplier		√	√	√	
T3	Bouleau	√	√	√	√	√
T7	Chêne		√	√		
W1	Herbe à poux (herbacée)	√	√	√	√	√
W3	H. Ambroisie trilobée / Herbe à poux grande		√	√	√	
W6	Armoise commune		√	√		
W9	Plantain lancéolé (herbacée)		√	√	√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F237	Abricot		√	
F297	<i>Acacia</i> ssp. (gomme arabique)	√		
M202	<i>Acremonium kiliense</i> (<i>Cephalosporium</i>)		√	
G9	Agrostide stolonifère / <i>Agrostis stolonifera</i>	√	√	
F42	Aiglefin		√	
W14	Amarante	√		
W2	Ambrosie à épi grêle / Herbe à poux Western USA		√	
F210	Ananas	√	√	√
F313	Anchois		√	√
F277	Aneth	√		
F271	Anis		√	
F261	Asperge		√	
F262	Aubergine		√	
T2	Aulne	√	√	
F96	Avocat	√	√	√
F92	Banane	√	√	√
F269	Basilic	√		
F319	Betterave		√	
F288	Bleuet		√	
F260	Brocoli		√	
F93	Cacao (chocolat)		√	
F221	Café		√	
F258	Calmar	√	√	√
E86	Canard (plumes)	√		
E201	Canari (plumes)	√		
M5	<i>Candida albicans</i>		√	
F341	Canneberge		√	
F220	Cannelle	√	√	
F31	Carotte	√	√	
F296	Caroube	√		
T17	Cèdre		√	
C7	Cefaclor	√		
F85	Céleri	√	√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F242	Cerise		√	
F212	Champignon		√	
F299	Chataigne	√		
E80	Chèvre (épithélium)	√		
F279	Chili (piment)	√		
C8	Chlorhexidine		√	
F216	Chou		√	
F291	Chou-fleur	√		
F217	Choux de Bruxelles	√		
F208	Citron		√	
F302	Clémentine / Mandarine / Tangerine		√	
F268	Clou girofle	√		
E6	Cobaye (épithélium)	√		
F244	Concombre		√	
i6	Coquerelle		√	
F317	Coriandre	√		
F265	Cumin	√		
G3	Dactyle pelotonné (graminée)	√	√	√
F289	Datte		√	
D3	<i>Dermatophagoides microceras</i> (acarien)	√		
E89	Dinde (plumes)	√		
F284	Dinde (viande)		√	
F124	Épeautre	√		
F214	Épinard / <i>Spinacia oleracea</i>		√	
T11	Érable faux platane / Platane anglais		√	
F314	Escargot	√	√	
F272	Estragon	√		
D74	<i>Euroglyphus maynei</i> (acarien)	√		
F276	Fenouil	√		
G4	Fétuque des prés (graminée)		√	
F278	Feuille de laurier	√		
F182	Fève de Lima	√		
F328	Figue		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F303	Flétan	√	√	√
i70	Fourmi rouge	√		
F44	Fraise	√	√	
F343	Framboise	√	√	
T15	Frêne blanc		√	
F81	Fromage cheddar		√	
F294	Fruit de la passion		√	
E217	Furet	√		
C74	Gélatine	√		
T6	Genévrier		√	
F270	Gingembre	√	√	
F79	Gluten	√	√	
F246	Gomme de guar (agar)	√		
F226	Graine de citrouille		√	√
F333	Graine de lin	√	√	√
F335	Graine de lupin	√		
F224	Graine de pavot	√		
F147	Gulf flounder	√		
E84	Hamster (épithélium)	√		
F205	Hareng		√	√
F15	Haricot blanc	√	√	√
F287	Haricot rouge	√	√	√
F315	Haricot vert	√	√	√
M8	<i>Helminthosporium halodes</i> (moisissure)		√	
t5	Hêtre		√	
K75	Isocyanate TDI (allergène professionnel)	√		
G5	Ivraie (graminée)		√	
F325	Lait de brebis	√	√	
F300	Lait de chèvre	√	√	
F215	Laitue		√	
F304	Langouste	√	√	√
E82	Lapin (épithélium)	√		
E211	Lapin (urine)	√		

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F213	Lapin (viande)	√		
D71	<i>Lepidoglyphus destructor</i> (acarien)	√		
F45	Levure (bière)	√		
F90	Malt	√		
F91	Mangue	√	√	√
F206	Maquereau	√		
F274	Marjolaine	√		
F87	Melon (miel, cantaloup)		√	
F329	Melon d'eau (pastèque)		√	
F332	Menthe	√		
F55	Millet		√	
i71	Moustique		√	
F89	Moutarde	√	√	√
E81	Mouton (épithélium)	√		
F88	Mouton (viande)		√	
M4	<i>Mucor racemosus</i> (moisissure)		√	
F211	Mûre		√	
T4	Noisetier		√	
F282	Noix de muscade		√	
T10	Noyer		√	
E70	Oie (plumes)		√	
F48	Oignon	√		
F342	Olive noire		√	
T9	Olivier européen		√	
F33	Orange	√	√	
F283	Origan	√		
T8	Orme		√	
K78	Oxyde éthylène	√		
F207	Palourde	√	√	√
F209	Pamplemousse		√	
F293	Papaye		√	
F218	Paprika (piment doux)	√		
G8	Paturin des prés (graminée)	√	√	√

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F95	Pêche	√	√	√
M209	<i>Penicillium frequentans</i>		√	√
E213	Perroquet (plumes)	√		
E78	Perruche (plumes)	√		
F86	Persil	√		
W13	Petite bardane (lampourde)		√	
T16	Pin blanc		√	
W8	Pissenlit (herbacée)		√	
F94	Poire		√	
F280	Poivre noir	√		
F263	Poivre vert		√	
F35	Pomme de terre		√	
E83	Porc (épithélium)	√		
F26	Porc (viande)	√	√	
E85	Poulet (plumes)	√		
F83	Poulet (viande)	√	√	√
F59	Poulpe		√	
H2	Poussière de maison (Lab. Hollister-Stier)		√	
F255	Prune		√	
F347	Quinoa		√	
F259	Raisin		√	
E87	Rat (épithélium + protéines sériques + protéines urinaires)	√		
E73	Rat (épithélium)	√		
E74	Rat (urine)	√		
M11	<i>Rhizopus nigricans</i>		√	
E214	Roselin (plumes)	√		
F61	Sardine		√	√
T12	Saule		√	
G10	Sorgho d'Alep		√	
E71	Souris (épithélium)	√		
E88	Souris (épithélium, protéines sériques et protéines urinaires)	√		
E72	Souris (protéines urinaires)	√		

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.1 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Nom de l'allergène en ordre alphabétique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
o70	Sperme (IgE spécifique)		√	
i204	Taon	√		
F222	Thé		√	
F273	Thym	√		
T208	Tilleul		√	
F25	Tomate	√	√	
E4	Vache (squames)		√	
F234	Vanille	√		
W12	Verge d'or (herbacée)		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
C7	Cefaclor	√		
C74	Gélatine	√		
C8	Chlorhexidine		√	
D3	<i>Dermatophagoides microceras</i> (acarien)	√		
D71	<i>Lepidoglyphus destructor</i> (acarien)	√		
D74	<i>Euroglyphus maynei</i> (acarien)	√		
E201	Canari (plumes)	√		
E211	Lapin (urine)	√		
E213	Perroquet (plumes)	√		
E214	Roselin (plumes)	√		
E217	Furet	√		
E4	Vache (squames)		√	
E6	Cobaye (épithélium)	√		
E70	Oie (plumes)		√	
E71	Souris (épithélium)	√		
E72	Souris (protéines urinaires)	√		
E73	Rat (épithélium)	√		
E74	Rat (urine)	√		
E78	Perruche (plumes)	√		
E80	Chèvre (épithélium)	√		
E81	Mouton (épithélium)	√		
E82	Lapin (épithélium)	√		
E83	Porc (épithélium)	√		
E84	Hamster (épithélium)	√		
E85	Poulet (plumes)	√		
E86	Canard (plumes)	√		
E87	Rat (épithélium + protéines sériques + protéines urinaires)	√		
E88	Souris (épithélium, protéines sériques et protéines urinaires)	√		
E89	Dinde (plumes)	√		
F124	Épeautre	√		
F147	Gulf flounder	√		
F15	Haricot blanc	√	√	√
F182	Fève de Lima	√		

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F205	Hareng		√	√
F206	Maquereau	√		
F207	Palourde	√	√	√
F208	Citron		√	
F209	Pamplemousse		√	
F210	Ananas	√	√	√
F211	Mûre		√	
F212	Champignon		√	
F213	Lapin (viande)	√		
F214	Épinard / <i>Spinacia oleracea</i>		√	
F215	Laitue		√	
F216	Chou		√	
F217	Choux de Bruxelles	√		
F218	Paprika (piment doux)	√		
F220	Cannelle	√	√	
F221	Café		√	
F222	Thé		√	
F224	Graine de pavot	√		
F226	Graine de citrouille		√	√
F234	Vanille	√		
F237	Abricot		√	
F242	Cerise		√	
F244	Concombre		√	
F246	Gomme de guar (agar)	√		
F25	Tomate	√	√	
F255	Prune		√	
F258	Calmar	√	√	√
F259	Raisin		√	
F26	Porc (viande)	√	√	
F260	Brocoli		√	
F261	Asperge		√	
F262	Aubergine		√	
F263	Poivre vert		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F265	Cumin	√		
F268	Clou girofle	√		
F269	Basilic	√		
F270	Gingembre	√	√	
F271	Anis		√	
F272	Estragon	√		
F273	Thym	√		
F274	Marjolaine	√		
F276	Fenouil	√		
F277	Aneth	√		
F278	Feuille de laurier	√		
F279	Chili (piment)	√		
F280	Poivre noir	√		
F282	Noix de muscade		√	
F283	Origan	√		
F284	Dinde (viande)		√	
F287	Haricot rouge	√	√	√
F288	Bleuet		√	
F289	Datte		√	
F291	Chou-fleur	√		
F293	Papaye		√	
F294	Fruit de la passion		√	
F296	Caroube	√		
F297	<i>Acacia</i> ssp. (gomme arabique)	√		
F299	Chataigne	√		
F300	Lait de chèvre	√	√	
F302	Clémentine / Mandarine / Tangerine		√	
F303	Flétan	√	√	√
F304	Langouste	√	√	√
F31	Carotte	√	√	
F313	Anchois		√	√
F314	Escargot	√	√	
F315	Haricot vert	√	√	√

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F317	Coriandre	√		
F319	Betterave		√	
F325	Lait de brebis	√	√	
F328	Figue		√	
F329	Melon d'eau (pastèque)		√	
F33	Orange	√	√	
F332	Menthe	√		
F333	Graine de lin	√	√	√
F335	Graine de lupin	√		
F341	Canneberge		√	
F342	Olive noire		√	
F343	Framboise	√	√	
F347	Quinoa		√	
F35	Pomme de terre		√	
F42	Aiglefin		√	
F44	Fraise	√	√	
F45	Levure (bière)	√		
F48	Oignon	√		
F55	Millet		√	
F59	Poulpe		√	
F61	Sardine		√	√
F79	Gluten	√	√	
F81	Fromage cheddar		√	
F83	Poulet (viande)	√	√	√
F85	Céleri	√	√	
F86	Persil	√		
F87	Melon (miel, cantaloup)		√	
F88	Mouton (viande)		√	
F89	Moutarde	√	√	√
F90	Malt	√		
F91	Mangue	√	√	√
F92	Banane	√	√	√
F93	Cacao (chocolat)		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
F94	Poire		√	
F95	Pêche	√	√	√
F96	Avocat	√	√	√
G10	Sorgho d'Alep		√	
G3	Dactyle pelotonné (graminée)	√	√	√
G4	Fétuque des prés (graminée)		√	
G5	Ivraie (graminée)		√	
G8	Paturin des prés (graminée)	√	√	√
G9	Agrostide stolonifère / <i>Agrostis stolonifera</i>	√	√	
H2	Poussière de maison (Lab. Hollister-Stier)		√	
i204	Taon	√		
i6	Coquerelle		√	
i70	Fourmi rouge	√		
i71	Moustique		√	
K75	Isocyanate TDI (allergène professionnel)	√		
K78	Oxyde éthylène	√		
M11	<i>Rhizopus nigricans</i>		√	
M202	<i>Acremonium kiliense</i> (<i>Cephalosporium</i>)		√	
M209	<i>Penicillium frequentans</i>		√	√
M4	<i>Mucor racemosus</i> (moisissure)		√	
M5	<i>Candida albicans</i>		√	
M8	<i>Helminthosporium halodes</i> (moisissure)		√	
o70	Sperme (IgE spécifique)		√	
T10	Noyer		√	
T11	Érable faux platane / Platane anglais		√	
T12	Saule		√	
T15	Frêne blanc		√	
T16	Pin blanc		√	
T17	Cèdre		√	
T2	Aulne	√	√	
T208	Tilleul		√	
T4	Noisetier		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 2.2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)**Identifiant de l'allergène en ordre alphanumérique**

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
t5	Hêtre		√	
T6	Genévrier		√	
T8	Orme		√	
T9	Olivier européen		√	
W12	Verge d'or (herbacée)		√	
W13	Petite bardane (lampourde)		√	
W14	Amarante	√		
W2	Ambroisie à épi grêle / Herbe à poux Western USA		√	
W8	Pissenlit (herbacée)		√	

Légende :	Allergènes alimentaires
	Allergènes environnementaux

Tableau 3 - Liste des allergènes moléculaires (code 30288)

Identifiant de l'allergène	Allergènes	CHUM
o215	alpha-Gal; nGal- alpha-1,3 Thyroglobuline (Bœuf)	√
F443	Ana o 3 (Cajou)	√
F422	Ara h 1 (Arachides)	√
F423	Ara h 2 (Arachides)	√
F424	Ara h 3 (Arachides)	√
F352	Ara h 8; PR-10 (Arachides)	√
F427	Ara h 9; LTP (Arachides)	√
W233	Art v 3 (Armoise commune)	√
T215	Bet v 1 (Bouleau)	√
T216	Bet v 2; Profiline (Bouleau)	√
F428	Cor a 1 (Noisette)	√
F439	Cor a 14 (Noisette)	√
F425	Cor a 8; LTP (Noisette)	√
F440	Cor a 9 (Noisette)	√
D202	Der p 1 (Dermatophagoides pteronyssinus)	√
D205	Der p 10; Tropomyosine (<i>Dermatophagoïdes Pteronyssinus</i>)	√
D203	Der p 2 (Dermatophagoides pteronyssinus)	√
D209	Der p 23 (Dermatophagoides pteronyssinus)	√
F323	Gal d3; Conalbumine (Œuf)	√
F353	Gly m 4; PR-10 (Soya)	√
F431	Gly m 5; Bêta-conglycinine (Soya)	√
F432	Gly m 6; Glycinine (Soya)	√
F441	Jug r 1 (Noix de Grenoble)	√
F442	Jurg r 3; LTP (Noix de Grenoble)	√
F434	Mal d 1; PR-10 (Pomme)	√
F435	Mal d 3; LTP (Pomme)	√
F351	Pen a 1; Tropomysine (Crevette)	√
G205	Phl p 1 (Phléole des prés)	√
G212	Phl p 12 (Phléole des prés)	√
G213	Phl p 5b (Phléole des prés)	√
F419	Pru p 1 (Pêche)	√
F420	Pru p 3 (Pêche)	√
F421	Pru p 4 (Pêche)	√
F416	Tri a 19; Omega-5 Gliadine (Blé)	√

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002445	Phénotype f	002543	Phénotype CE
002449	Phénotype G	002547	Phénotype CEAG
001564	Phénotype Js(a)	002550	Phénotype CELO
001565	Phénotype Js(b)	002554	Phénotype CENR
001537	Phénotype Do(a)	002558	Phénotype CEST
001538	Phénotype Do(b)	002562	Phénotype C(G)
002465	Phénotype ABTI	002566	Phénotype Ch1
002469	Phénotype ALe(b)	002570	Phénotype Ch2
002473	Phénotype An(a)	002574	Phénotype Ch3
001575	Phénotype AnWj	002578	Phénotype Ch4
002480	Phénotype At(a)	002582	Phénotype Ch5
002484	Phénotype Au(a)	002586	Phénotype Ch6
002488	Phénotype Au(b)	002590	Phénotype Cl(a)
002492	Phénotype BARC	002594	Phénotype c-like
002496	Phénotype Be(a)	002598	Phénotype Co3
002503	Phénotype Bi	002602	Phénotype Co4
002507	Phénotype BLe(b)	001533	Phénotype Co(a)
002511	Phénotype BOW	001534	Phénotype Co(b)
002515	Phénotype Bp(a)	002612	Phénotype Chr(a)
002519	Phénotype Bx(a)	002616	Phénotype Cr(a)
002523	Phénotype By	002620	Phénotype CRAM
002527	Phénotype Can	002624	Phénotype Crawford
002531	Phénotype CD99	002628	Phénotype CROV
002535	Phénotype Ce	002632	Phénotype CROZ
002539	Phénotype cE	001569	Phénotype Cs(a)

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002639	Phénotype Cs(b)	002736	Phénotype ENKT
002643	Phénotype C(x)	002740	Phénotype Er3
002647	Phénotype DAK	001540	Phénotype Er(a)
002651	Phénotype DANE	001541	Phénotype Er(b)
002655	Phénotype Dantu	002750	Phénotype ERIK
002659	Phénotype Dav	002754	Phénotype Es(a)
002663	Phénotype Dh(a)	002758	Phénotype Evans
001535	Phénotype Di(a)	002762	Phénotype E(W)
001536	Phénotype Di(b)	002766	Phénotype Far
002673	Phénotype DISK	002770	Phénotype FORS
002677	Phénotype DOLG	002774	Phénotype FPTT
002681	Phénotype DOMR	002778	Phénotype Fr(a)
002685	Phénotype DOYA	002782	Phénotype Fy3
002689	Phénotype Dr(a)	002786	Phénotype Fy5
002693	Phénotype DSLK	002790	Phénotype Fy6
002697	Phénotype Duclos	002794	Phénotype Ge2
002701	Phénotype D(W)	002798	Phénotype Ge3
002705	Phénotype ELO	002802	Phénotype Ge4
002709	Phénotype Emm	002806	Phénotype GEAT
001539	Phénotype En(a)	002810	Phénotype GEIS
002716	Phénotype ENAV	002814	Phénotype GEPL
002720	Phénotype ENDA	002818	Phénotype GETI
002724	Phénotype ENEH	002822	Phénotype GIL
002728	Phénotype ENEP	002826	Phénotype Go(a)
002732	Phénotype ENEV	002830	Phénotype GUTI

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001543	Phénotype Gy(a)	002936	Phénotype JAHK
002837	Phénotype H	002940	Phénotype JAL
002845	Phénotype HAG	002944	Phénotype Je(a)
002849	Phénotype He	002948	Phénotype JFV
002853	Phénotype Hg(a)	002952	Phénotype Jk3
002857	Phénotype Hil	002956	Phénotype JMH
002861	Phénotype HJK	002960	Phénotype JMHG
002865	Phénotype HOFM	002964	Phénotype JMHK
002869	Phénotype Hop	002968	Phénotype JMHL
002873	Phénotype Hr	002972	Phénotype JMHM
002877	Phénotype Hr0	002976	Phénotype JMHQ
002881	Phénotype Hr(B)	002980	Phénotype Jn(a)
002885	Phénotype hr(B)	002984	Phénotype Jo(a)
002889	Phénotype hr(H)	002988	Phénotype JONES
002893	Phénotype hr(s)	001547	Phénotype Jr(a)
002897	Phénotype Hu	001550	Phénotype K11
002901	Phénotype Hut	002998	Phénotype K12
001544	Phénotype Hy	003002	Phénotype K13
002908	Phénotype I	003004	Phénotype K14
002912	Phénotype i	003008	Phénotype K16
002916	Phénotype IFC	003012	Phénotype K17
002920	Phénotype In(a)	003016	Phénotype K18
002924	Phénotype In(b)	003019	Phénotype K19
002928	Phénotype INF1	003023	Phénotype K22
002932	Phénotype INJA	003027	Phénotype K23

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003031	Phénotype K24	003129	Phénotype LKE
003035	Phénotype KALT	003133	Phénotype LOCR
003039	Phénotype KANT	003137	Phénotype Ls(a)
003043	Phénotype KASH	003141	Phénotype Lu11
003047	Phénotype KCAM	001553	Phénotype Lu12
003051	Phénotype KELP	003148	Phénotype Lu13
003055	Phénotype KETI	003152	Phénotype Lu14
003059	Phénotype Kg	003156	Phénotype Lu16
003063	Phénotype KHUL	001554	Phénotype Lu17
003067	Phénotype Km	003163	Phénotype Lu20
001571	Phénotype Kn(a)	003167	Phénotype Lu21
003074	Phénotype Kn(b)	003171	Phénotype Lu3
003078	Phénotype Kp(c)	003175	Phénotype Lu4
003082	Phénotype KREP	003179	Phénotype Lu5
003086	Phénotype KTIM	001551	Phénotype Lu6
003090	Phénotype Ku	003186	Phénotype Lu7
003094	Phénotype KUCI	001552	Phénotype Lu8
003098	Phénotype Kx	003193	Phénotype Lu9
003102	Phénotype KYO	003197	Phénotype LURC
001556	Phénotype Lan	001531	Phénotype Lw(a)
003109	Phénotype Le(ab)	003204	Phénotype Lw(ab)
003113	Phénotype Le(bH)	001532	Phénotype Lw(b)
003117	Phénotype Le(c)	003211	Phénotype M1
003121	Phénotype Le(d)	003215	Phénotype MAM
003125	Phénotype Li(a)	003219	Phénotype MAR

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003223	Phénotype MARS	003321	Phénotype OKVM
003227	Phénotype M(c)	003325	Phénotype OI(a)
001572	Phénotype McC(a)	003329	Phénotype Or
003234	Phénotype McC(b)	003333	Phénotype Os(a)
003238	Phénotype M(e)	003337	Phénotype P
003242	Phénotype MER2	001558	Phénotype PEL
003246	Phénotype M(g)	003344	Phénotype P(k)
003250	Phénotype Mi(a)	003348	Phénotype PP1P(k)
003254	Phénotype Milne	003352	Phénotype Pt(a)
003258	Phénotype MINY	003356	Phénotype PX2
003262	Phénotype Mit	003360	Phénotype RASM
003266	Phénotype MNTD	003364	Phénotype RAZ
003270	Phénotype Mo(a)	003368	Phénotype Rb(a)
003274	Phénotype Mt(a)	003372	Phénotype Rd
003278	Phénotype Mur	003376	Phénotype Re(a)
003282	Phénotype MUT	003380	Phénotype REIT
003285	Phénotype M(v)	003384	Phénotype Rg1
003289	Phénotype "N"	003388	Phénotype Rg2
003293	Phénotype NFLD	003392	Phénotype Rh29
003297	Phénotype Nob	003396	Phénotype Rh32
003301	Phénotype NOR	003400	Phénotype Rh33
003305	Phénotype Nou	003404	Phénotype Rh35
003309	Phénotype Ny(a)	003408	Phénotype Rh39
003313	Phénotype Ok(a)	003412	Phénotype Rh41
003317	Phénotype OKGV	003416	Phénotype Rh42

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003420	Phénotype RHAG4	003517	Phénotype Tc(a)
003424	Phénotype Ri(a)	003521	Phénotype Tc(b)
003428	Phénotype Riv	003525	Phénotype Tc(c)
003432	Phénotype SARA	003529	Phénotype Tm
003436	Phénotype SAT	003533	Phénotype To(a)
001560	Phénotype Sc1	003537	Phénotype TOU
001561	Phénotype Sc2	003541	Phénotype Tr(a)
003446	Phénotype Sc3	003545	Phénotype TSEN
003450	Phénotype SCAN	001511	Phénotype U
003454	Phénotype SCER	003553	Phénotype Ul(a)
003458	Phénotype s(D)	003557	Phénotype UMC
001573	Phénotype Sd(a)	003561	Phénotype V
003465	Phénotype Sec	001529	Phénotype Vel
003469	Phénotype SERF	003568	Phénotype Vg(a)
003473	Phénotype Sext	003572	Phénotype VLAN
003477	Phénotype Sj	003576	Phénotype VONG
003481	Phénotype Sl(a)	003580	Phénotype Vr
003485	Phénotype Vil	003584	Phénotype VS
003489	Phénotype Sl3	003588	Phénotype Vw
003493	Phénotype St(a)	003592	Phénotype WARR
003497	Phénotype STAR	003596	Phénotype Wb
003501	Phénotype STEM	003600	Phénotype Wd(a)
003505	Phénotype SW1	003604	Phénotype WES(a)
003509	Phénotype Sw(a)	003608	Phénotype WES(b)
003513	Phénotype Tar	003612	Phénotype WH

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001528	Phénotype Wr(b)		
003622	Phénotype Wu		
001566	Phénotype Xg(a)		
001570	Phénotype Yk(a)		
001562	Phénotype Yt(a)		
001563	Phénotype Yt(b)		
003638	Phénotype ZENA		



25-932-02W