

# RÉPERTOIRE QUÉBÉCOIS ET SYSTÈME DE MESURE DES PROCÉDURES DE BIOLOGIE MÉDICALE

2024-2025

LES ANNEXES

## ÉDITION

La Direction des communications du ministère de la Santé et des Services sociaux

Le présent document s'adresse spécifiquement aux intervenants du réseau québécois de la santé et des services sociaux et n'est accessible qu'en version électronique à l'adresse :

**msss.gouv.qc.ca** section, **Publications**

Le genre masculin utilisé dans ce document désigne aussi bien les femmes que les hommes.

Dépôt légal

Bibliothèque et Archives nationales du Québec, 2024

ISBN : ISBN : 978-2-550-96937-2 (version PDF)

Tous droits réservés pour tous pays. La reproduction, par quelque procédé que ce soit, la traduction ou la diffusion de ce document, même partielles, sont interdites sans l'autorisation préalable des Publications du Québec. Cependant, la reproduction de ce document ou son utilisation à des fins personnelles, d'étude privée ou de recherche scientifique, mais non commerciales, sont permises à condition d'en mentionner la source.

© Gouvernement du Québec, 2024

## ANNEXES 2024-2025

Annexe A	Informations .....	1
Annexe B	Analyses de biologie médicale (ordre numérique).....	3
Annexe C	Liste des techniques de dosage des anticorps.....	81
Annexe E	Liste des codes retirés .....	89
Annexe F	Informations pour la banque de sang.....	91
Annexe G	Calendrier de transmission des données d'activité de laboratoire pour l'année financière débutant le 1 <sup>er</sup> avril 2024 .....	121
Annexe I	Liste des établissements désignés pour les analyses suprarégionales (consulter à cet effet le Répertoire Web des procédures de biologie médicale)	
Annexe K	Analyses associées au dépistage néonatal sanguin et urinaire.....	123
Annexe M	Distribution des allergènes .....	127
Annexe N	Phénotypes érythrocytaires particuliers pour Héma-Québec (code 19366).....	137



## INFORMATIONS

Veuillez prendre note que toute information inscrite en rouge au *Répertoire 2024-2025* constitue une mise à jour par rapport à l'année précédente.

Toute information supplémentaire relative au *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2024-2025 doit être acheminée au ministère de la Santé et des Services sociaux (MSSS) par courrier électronique à l'adresse suivante : [biomed@msss.gouv.qc.ca](mailto:biomed@msss.gouv.qc.ca).

**Chaque demande d'ajout d'analyse au *Répertoire* doit inclure :**

### Évaluation de la pertinence :

- le formulaire de demande d'évaluation de la pertinence d'une nouvelle analyse (fichier original et copie PDF signée) ;
- le calcul de la valeur pondérée théorique (fichier Excel détaillé du calcul et copie PDF signée). Le formulaire est disponible sur demande à l'adresse suivante : [biomed@msss.gouv.qc.ca](mailto:biomed@msss.gouv.qc.ca) ;
- les études d'intérêt ou les articles publiés concernant l'analyse proposée (minimum suggéré de deux études ou articles) ;
- toute référence économique pertinente à l'évaluation de cet aspect (si disponible) ;
- les lignes directrices d'organisation (si disponibles) ;
- la monographie de la trousse (s'il y a lieu) ;
- la procédure opératoire normalisée (PON) ou le protocole.



Il importe que les demandes soient préalablement documentées et signées et que les coordonnées du requérant (nom, téléphone et titre d'emploi) y soient fournies.

Pour toute information supplémentaire relative au processus d'introduction d'analyses au *Répertoire*, consultez la page de la biologie médicale sur le site Internet du MSSS, section « Professionnels », thématique « Soins et services ».

### Pilotage d'orientation :



Direction de la biovigilance et de la biologie médicale  
Direction générale des affaires universitaires, médicales, infirmières et pharmaceutiques

Ministère de la Santé et des Services sociaux

✓ Adresse courriel : [biomed@msss.gouv.qc.ca](mailto:biomed@msss.gouv.qc.ca)



La version électronique du *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2024-2025, se trouve sur le site Web du MSSS à l'adresse suivante : <https://publications.msss.gouv.qc.ca/msss/>.

## ANNEXE A

### Centre de services de la DGTI-MSSS

Toute demande d'information relative à l'application des bases de données GestLab et Centralab doit être adressée au Centre de services de la DGTI-MSSS. Vous pouvez consulter leur site Internet à l'adresse suivante :

[ti.msss.gouv.qc.ca/Nous-joindre.aspx](http://ti.msss.gouv.qc.ca/Nous-joindre.aspx)

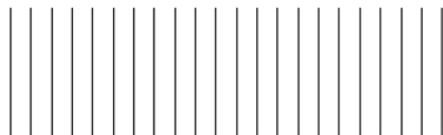
### Win Info

Toute demande d'information relative à l'application de la base de données MedSip doit être adressée au service de soutien de Win Info. Le site Web Win Info donne également de l'information sur cette application :

[www.wininfo.qc.ca/WininfoWP/](http://www.wininfo.qc.ca/WininfoWP/)

---

Santé  
et Services sociaux  
Québec 



*Manuel de  
gestion financière*

---

Les circulaires sur les normes et pratiques de gestion sont disponibles sur le site Web du MSSS.

Adresse Web : [www.msss.gouv.qc.ca](http://www.msss.gouv.qc.ca) : menu du haut > Publications > Normes et pratiques de gestion (Manuel de gestion financière et Répertoire des circulaires).

Pour toute question relative à ces normes et pratiques de gestion, vous pouvez vous adresser au MSSS :

Direction des normes et pratiques de gestion réseau  
Direction générale adjointe de la gestion financière et des politiques de financement réseau  
Direction générale du financement, de l'allocation des ressources et du budget  
Ministère de la Santé et des Services sociaux  
1075, chemin Sainte-Foy, 5<sup>e</sup> étage  
Québec (Québec) G1S 2M1  
[rapfin@msss.gouv.qc.ca](mailto:rapfin@msss.gouv.qc.ca)

LÉGENDE DES MODIFICATIONS											
C	Procédures modifiées										
N	Procédures ajoutées										
N*	Procédures ajoutées lors de la mise à jour de mi-année 2024-2025										
LÉGENDE DES TYPES DE MODIFICATION											
D	Modification dans la description										
VP	Révision de la valeur pondérée (ajustement des paramètres de calcul)										
VPr	Révision de la valeur pondérée (nouveaux calculs de VP)										
S	Modification de la sous-section										
H	Modification de la hiérarchie										
EC	Modification de l'élément de compte										
Réf	Modification à la référence au code numérique										
* Rêfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire											
L'ajout d'une lettre dans la colonne « Réf. texte » rêfère à l'annexe du Répertoire portant cette même lettre.											
Banque de sang : Section 13.1											
Pathologie : Section 13.2											
Prélèvement : Section 12.3											
EBMD : Section 13.4.1											
Biochimie : Section 13.4.2											
Hématologie : Section 13.4.3											
Microbiologie : Section 13.4.4											
Envoi : Section 13.5											
Génétique : Section 13.7											
LÉGENDE DES CODES NUMÉRIQUES											
1	Analyse référée au Laboratoire national de microbiologie										
3	Analyse référée au Laboratoire provincial de l'Ontario										
4	Analyse référée au Bureau des dangers microbiens, Santé Canada										
5	Analyse référée au Laboratoire national des services de référence du VIH										
6	Analyse référée au Centre national de référence en parasitologie										
LÉGENDE INESSS et RQDM											
I	Ajout après évaluation										
R	Portée du Réseau québécois de diagnostic moléculaire (RQDM)										
R*	Analyses financées dans le cadre du Réseau québécois de diagnostic moléculaire (RQDM)										
LÉGENDE DES SOUS-SECTIONS											
B. S.	Banque de sang										
H-Q imm.	Héma-Québec immunologie										
Bio	Biochimie										
EBMD	Examen de biologie médicale délocalisée										
Micro	Microbiologie										
D. mol.	Diagnostic moléculaire										
CTQ	Centre de toxicologie du Québec										
LSPQ	Laboratoire de santé publique du Québec										
Code	Réf. texte	Modif	Type mod. VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
10000		C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus		Résultat	Local	5,8

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
10001		C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus		Rapport	Local	77,0
10002		C	VP			B. S. générale	Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) (autocontrôles inclus)		Rapport	Local	40,0
10007	*	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification manuelle)		Panel	Local	42,0
10008	*	C	VP			B. S. générale	Allo ou auto adsorption à chaud		Adsorption	Régional	77,0
10009	*	C	VP			B. S. générale	Allo ou auto adsorption à froid		Adsorption	Régional	87,0
10020		C	VPr			B. S. générale	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)		Rapport	Régional	30,0
10021		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)		Résultat	Régional	42,0
10024	*	C	VP			B. S. générale	Compatibilité (manuelle ou automatisée)		Résultat	Local	9,1
10028		C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée)		Résultat	Local	3,6
10032		C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)		Résultat	Local	13,0
10034		C	VP			B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)		Résultat	Local	8,0
10040	*	C	VP			Hémato-immunologie	Différenciation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)		Spécimen	Régional	17,6
10041		C	VP			B. S. générale	Division de produit sanguin labile		Produit final	Local	16,4
10042	*	C	VP			B. S. générale	Division de produit sanguin stable ou de lait maternel		Produit final	Local	18,5
10044		C	VP			B. S. générale	Donath Landsteiner		Résultat	Local	13,3
10045	*	C	VP			B. S. générale	Décongélation de produit sanguin ou de lait maternel		Produit	Local	3,3
10060	*	C	VP			B. S. générale	Élution (identification sur éluat incluse)		Rapport	Local	100,0
10085	*	C	VPr			B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)		Rapport	Local	10,0
10086	*	C	VPr			B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)		Rapport	Local	10,8
10110		C	EC, VP			B. S. générale	Irradiation de produit sanguin dans l'établissement		Produit final	Supra	15,7
10111	*	C	VP			B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification automatisée)		Panel	Local	30,0
10115	*	C	VP			B. S. générale	Investigation RhD faible		Résultat	Local	47,0
10133	*	C	VP			B. S. générale	Poolage produits sanguins labiles		Produit final	Local	33,0
10134	*	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)		Résultat	Local	5,8
10135		C	VP			B. S. générale	Poolage de produits sanguins stables		Produit final	Local	26,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
10136	*	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	15,2
10137	*	C	VP			B. S. générale	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	13,5
10150		C	VPr			B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)		Résultat	Local	11,9
10151		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)		Rapport	Régional	146,0
10152		C	VP			B. S. générale	Reconstitution de produit sanguin stable (ex. : facteur de coagulation, immunoglobulines, etc.)		Produit	Local	20,0
10153		C	D, VPr			B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel)		Résultat	Local	7,2
10154		N				B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)		Résultat	Local	16,1
10170	*	C	D, VPr			B. S. générale	Titrage anticorps (par anticorps)		Résultat	Local	63,0
10173	*	C	VP			B. S. générale	Traitement cellules (méthode EGA KIT)		Usager	Régional	55,0
10174	*	C	VP			B. S. générale	Traitement enzymatique (ex.: ficine) pour identification d'anticorps		Usager	Régional	132,0
10177		C	VP			B. S. générale	Retrait de surageant		Produit final	Local	37,0
10178	*	C	VP			B. S. générale	Reconstitution d'un produit sanguin labile		Produit final	Local	14,0
10179		C	VP			B. S. générale	Mise en seringue de produit sanguin labile		Produit final	Local	19,4
10181		N				B. S. générale	Traitement enzymatique des cellules (ex. : DTT), neutralisation des anticorps monoclonaux anti-CD38		Usager	Local	132,0
10505		C	EC, VPr			B. S. gestion	Gestion de la confirmation de l'administration ou de la transfusion		Résultat	Local	3,6
10510	*	C	VP			B. S. gestion	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)		Usager	Local	5,7
10511	*	C	VPr			B. S. gestion	Émission produit sanguin labile ou stable, de tissu ou de lait maternel		Produit	Local	9,7
10512		C	VP			B. S. gestion	Étude de don antérieur (par cas) (fait par un technologiste)		Usager	Local	14,4
10513	*	C	VP			B. S. gestion	Étude de réaction transfusionnelle (fait par un technologiste)		Rapport	Local	28,0
10515	*	C	EC, VPr			B. S. gestion	Vigie des demandes en produits sanguins (fait par un technologiste)		Résultat	Local	12,3
10531	*	C	VP			B. S. gestion	Rejet produit sanguin, tissu ou lait maternel (fait par un technologiste)		Produit final	Local	3,8
10532	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage de produit (labile ou stable) pour usage de produit sans transfert d'inventaire		Produit	Local	17,9
10533	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage pour expédition de produit sanguin (labile ou stable) OU retour au fournisseur		Produit	Local	11,5
10534	*	C	VP			B. S. gestion	Emballage de produits pour administration à domicile et cueillette par l'utilisateur au CH		Usager	Local	21,0
10700	*	C	VP			B. S. gestion	Réception de produit sanguin labile		Produit	Local	4,0
10701	*	C	VPr			B. S. gestion	Réception de produit sanguin stable, tissu ou lait maternel		Produit	Local	4,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
10702	*	C	VPr			B. S. gestion	Mise en quarantaine et investigation (incluant chaîne de froid et retrait)		Produit	Local	11,3
10704		C	D, VPr			B. S. gestion	Réception don autologue		Produit	Local	12,0
10730	*	C	D, VP			B. S. générale	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaires)		Produit	Local	3,1
19007		C	VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	80,0
19008		C	VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	204,0
19010						H-Q imm. plaquettaire	Anti-HPA et HLA (dépistage et identification d'anticorps par Luminex)		Rapport	Supra	302,0
19030						Héma-Québec	Congélation de cellules souches autologues		Sac	Supra	1,0
19044						H-Q imm. érythrocytaire	Analyses REF envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19045						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire complet (SSO)		Rapport	Supra	200,0
19050						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-2 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19051						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-3 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19052						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-4 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19053						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-5 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19054						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-15 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19065						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage du RhD faible type 1,2,3 et 42		Rapport	Supra	193,0
19073						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus A basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	111,0
19075						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus B basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	111,0
19077						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus C basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	155,0
19080						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DRB1 basse résolution (SSO Luminex) incluant DRB3/4/5		Rapport	Supra	122,0
19082						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-1 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19085						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh(D), Rh(D) pseudogène par SSP		Rapport	Supra	1,0
19092						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DQA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	167,0
19095						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	155,0
19098						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire complet IDHPA (SSO Luminex)		Rapport	Supra	210,0
19099						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage R&D		Rapport	Supra	1,0
19110						H-Q imm. leucocytaire	Séquençage HLA A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1, DQA1, DPB1, DPA1 (SNG)		Rapport	Supra	340,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
19111						H-Q imm. leucocytaire	Analyses HLA envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19302						Héma-Québec	Transport du greffon CSP au CH sur demande (par greffon retourné)		Greffon	Supra	1,0
19303						H-Q imm. érythrocytaire	Dosage semi-quantitatif des IgA		Rapport	Supra	1,0
19304						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe ABO		Rapport	Supra	1,0
19305						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe Rh(D)		Rapport	Supra	1,0
19306						H-Q imm. érythrocytaire	ABO globulaire		Rapport	Supra	1,0
19307						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD 37		Rapport	Supra	1,0
19308						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD AGH		Rapport	Supra	1,0
19309						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 22		Rapport	Supra	1,0
19310						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 4		Rapport	Supra	1,0
19311						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé		Rapport	Supra	1,0
19312						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19313						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob hématies enzymées		Rapport	Supra	1,0
19314						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique sédimentation		Rapport	Supra	1,0
19315						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé sédim		Rapport	Supra	1,0
19316						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire EGA		Rapport	Supra	1,0
19317						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 22		Rapport	Supra	1,0
19318						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 4		Rapport	Supra	1,0
19319						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérum AB		Rapport	Supra	1,0
19320						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine A1		Rapport	Supra	1,0
19321						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine H		Rapport	Supra	1,0
19322						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19323						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD EGA		Rapport	Supra	1,0
19324						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 2° source		Rapport	Supra	1,0
19325						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 3° source		Rapport	Supra	1,0
19326						H-Q imm. érythrocytaire	TDA (test direct à l'antiglobuline)		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
19327						H-Q imm. érythrocytaire	TDA tube détaillé		Rapport	Supra	1,0
19328						H-Q imm. érythrocytaire	TDA lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19329						H-Q imm. érythrocytaire	TDA détaillé lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19330						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19331						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire Éluat		Rapport	Supra	1,0
19332						H-Q imm. érythrocytaire	Test de compatibilité érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19333						H-Q imm. érythrocytaire	Inactivation/Inhibition		Rapport	Supra	1,0
19334						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 1 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19335						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 2 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19336						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 3 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19337						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 4 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19338						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 5 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19339						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 1 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19340						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 2 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19341						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 3 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19342						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 4 et plus Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19343						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : C		Rapport	Supra	1,0
19344						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : E		Rapport	Supra	1,0
19345						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : c		Rapport	Supra	1,0
19346						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : e		Rapport	Supra	1,0
19347						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : K		Rapport	Supra	1,0
19348						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : S		Rapport	Supra	1,0
19349						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : s		Rapport	Supra	1,0
19350						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fya		Rapport	Supra	1,0
19351						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fyb		Rapport	Supra	1,0
19352						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jka		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
19353						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jkb		Rapport	Supra	1,0
19354						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Cw		Rapport	Supra	1,0
19355						H-Q imm. érythrocytaire	phénotype régulier autres : M		Rapport	Supra	1,0
19356						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : N		Rapport	Supra	1,0
19357						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : P1		Rapport	Supra	1,0
19358						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lea		Rapport	Supra	1,0
19359						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Leb		Rapport	Supra	1,0
19360						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : k		Rapport	Supra	1,0
19361						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpa		Rapport	Supra	1,0
19362						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpb		Rapport	Supra	1,0
19363						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lua		Rapport	Supra	1,0
19364						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lub		Rapport	Supra	1,0
19365						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Wra		Rapport	Supra	1,0
19366	*					H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype érythrocytaire particulier		Rapport	Supra	1,0
19367						H-Q imm. érythrocytaire	Traitement des hématies EGA		Rapport	Supra	1,0
19368						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire de haute fréquence		Rapport	Supra	1,0
19369						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaires différents enzyme		Rapport	Supra	1,0
19370						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire phase solide		Rapport	Supra	1,0
19371						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire technique tube		Rapport	Supra	1,0
19372						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire cellules de collections		Rapport	Supra	1,0
19373						H-Q imm. érythrocytaire	Auto adsorption (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19374						H-Q imm. érythrocytaire	Allo adsorption différentielle (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19375						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption Rest/HPC		Rapport	Supra	1,0
19376						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption/élution (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19377						H-Q imm. érythrocytaire	Test de Donath-Landsteiner		Rapport	Supra	1,0
19378						H-Q imm. érythrocytaire	Test d'amplitude thermique (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
19379						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19380						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19381						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIb/IX par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19382						H-Q imm. plaquettaire	Anti-Gov par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19383						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19384						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19385						H-Q imm. plaquettaire	MAIPA avec traitement du sérum		Rapport	Supra	1,0
19386						H-Q imm. plaquettaire	Analyses PLT envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19387		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	96,0
19388		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	95,0
19389		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	88,0
19390		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	80,0
19391		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	96,0
19392		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	95,0
19393		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	88,0
19394		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	220,0
19395		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	219,0
19396		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	212,0
19397		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	185,0
19398		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	202,0
19399		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	201,0
19400		C	D, VP			H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	194,0
19402						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus A haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19403						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus B haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19404						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus C haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19405						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
19406						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB3 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19407						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB4 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19408						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB5 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	148,0
19409						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQA1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	249,0
19410						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19411						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	249,0
19412						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution (SNG)		Rapport	Supra	257,0
19424						H-Q imm. érythrocytaire	Dépistage des anti-IgA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19425						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage CEAG par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19426						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Knops par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19427						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Yka Par SSP		Rapport	Supra	1,0
19428						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage RhD Position 48 par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19429						H-Q imm. érythrocytaire	MMA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19431		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHD eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19432		C	D			H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire HPA eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19434		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire RHCE eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
19436		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire HEA eMAP BeadChip		Rapport	Supra	1,0
20000		C	VPr			Hémato-hémostase	Agrégation plaquettaire (par agent)		Résultat	Régional	84,0
20001		C	VP			Hémato-immunologie	Alpha-2 macroglobuline (antigène)		Résultat	Supra	12,7
20003		C	VP			Hémato-immunologie	Anticardiolipine (IgG ou IgM)		Résultat	Régional	11,3
20005		C	VP			Hémato-immunologie	Anticardiolipine anticorps (total)		Résultat	Régional	29,0
20006		C	VP			Hémato-hémostase	Dépistage de lupus anticoagulant avec réactif APTT sensible aux antiphospholipides (incluant correction avec pool de plasmas normaux)		Rapport	Régional	28,0
20007		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-héparine (méthode agrégation plaquettaire)		Résultat	Supra	191,0
20008		C	VP			Hémato-immunologie	Anti Bêta-2 glycoprotéine 1 IgG ou IgM		Résultat	Régional	12,7
20009		C	VP			Hémato-hémostase	Anti Facteur Von Willebrand (anti-FVW)		Résultat	Supra	75,0
20011		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-héparine-FP4 (ELISA)		Résultat	Régional	84,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20013		C	VP			Hémato-hémostase	Antiplasmine (activité)		Résultat	Supra	33,0
20014		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-thrombine (activité)		Résultat	Régional	15,4
20015		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-thrombine (antigène)		Résultat	Supra	12,7
20019		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-saccharomyces IgA ou IgG (ASCA)		Rapport	Supra	21,0
20020		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-centromere Protein B (CENP-B)		Rapport	Supra	14,3
20022		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-C1 inhibiteur (ELISA) (quantitatif)		Rapport	Supra	140,0
20040		C	VP			Hémato-hémostase	Cofacteur de la ristocétine		Résultat	Régional	44,0
20044		C	VP			Hémato-hémostase	Cryofibrinogène		Résultat	Régional	9,1
20060		C	VP			Hémato-hémostase	D-Dimère (semi-quantitatif ou qualitatif ou sur lame)		Résultat	Local	22,0
20061		C	VP			Hémato-hémostase	D-Dimère (ELISA)		Résultat	Local	26,0
20062		C	VP			Hémato-hémostase	D-Dimère (automatisé)		Résultat	Local	19,7
20064		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-B27 (TaqMan)		Rapport	Supra	39,0
20077		C	VP			D. mol. hémato-greffe	Sélection avec micro-billes de sous-populations de lymphocytes pour analyse moléculaire CD3 et CD33 (incluant Ficoll)		Rapport	Supra	632,0
20080		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité)		Résultat	Régional	13,1
20086		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur VII (antigène)		Résultat	Supra	26,0
20088		C	D, VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (activité)		Résultat	Supra	17,2
20089		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (antigène)		Résultat	Régional	11,9
20090		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (multimères)		Rapport	Supra	194,0
20092		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur X (antigène)		Résultat	Supra	28,0
20098		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur XIII (activité) (quantitatif)		Résultat	Supra	66,0
20101		C	VP			Hémato-hémostase	Fibrinogène (antigène)		Résultat	Supra	150,0
20102		C	VP			Hémato-hémostase	Fibrinogène (activité)		Résultat	Local	3,9
20103		C	VP			Hémato-hémostase	Fonction plaquettaire à la luminescence (par agent)		Résultat	Régional	73,0
20106		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur XIII (test de solubilité)		Résultat	Régional	15,5
20107		C	VP			Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - activité (dosage quantitatif)		Résultat	Supra	238,0
20108		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-IIa-activité (dosage quantitatif) (Dabigatran)		Résultat	Régional	25,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20109		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Rivaroxaban)		Résultat	Régional	52,0
20110		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-Facteur XIII (dosage quantitatif) (ELISA)		Résultat	Supra	140,0
20111		C	VP			Hémato-hémostase	Facteur XIII (sous-unité A) (dosage quantitatif) (ELISA)		Résultat	Supra	33,0
20113		C	VPr		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Édoxaban)		Résultat	Régional	217,0
20114		C	VPr		I	Hémato-hémostase	Facteur I antigénique (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	85,0
20115		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Apixaban)		Résultat	Régional	28,0
20116		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anti-facteur H (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	65,0
20118		C	VP		I	Hémato-hémostase	Facteur IX (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	121,0
20122		C	VP		I	Hémato-hémostase	Facteur VIII (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	51,0
20130		C	VP			Hémato-hémostase	Héparine anti-Xa		Résultat	Local	21,0
20140		C	VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation (qualitatif)		Résultat	Supra	80,0
20141		C	D, VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation quantitatif (dosage Bethesda)		Résultat	Supra	124,0
20142		C	D, VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur VIII porcin quantitatif (dosage Bethesda)		Résultat	Supra	188,0
20143		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-facteur VIII (détection) (ELISA)		Rapport	Supra	13,0
20144		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-facteur IX (détection) (ELISA)		Rapport	Supra	13,0
20145		C	VP			Hémato-hémostase	Anti-glucocerebrosidase (détection)		Rapport	Supra	140,0
20146		C	VP			Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - antigène (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	133,0
20147		C	VP		I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-ADAMTS-13 (ELISA) (quantitatif)		Rapport	Supra	67,0
20160		C	VP			Hémato-hémostase	Kaolin clotting time (KCT)		Rapport	Régional	43,0
20170		C	VPr			Hémato-hémostase	Lyse des euglobulines		Rapport	Supra	111,0
20190		C	VP			Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité)		Résultat	Supra	49,0
20191		C	VPr			Hémato-hémostase	Plasminogène (activité)		Résultat	Supra	41,0
20194		C	VP			Hémato-hémostase	Prékallicroïne (activité)		Résultat	Supra	17,4
20196		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine C (activité)		Résultat	Régional	12,7
20197		C	VPr			Hémato-hémostase	Protéine C (antigène)		Résultat	Régional	20,0
20198		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine S (activité)		Résultat	Régional	9,5

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20199		C	VP			Héмато-hémostase	Protéine S libre (antigène)		Résultat	Régional	53,0
20200		C	VP			Hémato-hémostase	Protéine S totale (antigène)		Résultat	Supra	83,0
20202		N			I	Hémato-hémostase	Dosage du sC5b-9 plasmatique		Rapport	Supra	68,0
20220		C	VP			Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée		Résultat	Régional	8,9
20221		C	VP			Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée (avec calcul de 3 ratios)		Résultat	Régional	37,0
20222		C	VP			Hémato-hémostase	Rétraction du caillot sur plasma riche en plaquettes		Résultat	Supra	37,0
20238		C	VP			Hémato-hémostase	Thromboelastographie ( <i>platelet mapping</i> )		Rapport	Supra	352,0
20240		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de thrombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50		Rapport	Local	3,2
20241		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA)		Résultat	Local	2,3
20242		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de céphaline après neutralisation de l'héparine (TCA)		Résultat	Local	11,9
20243		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé		Résultat	Local	2,2
20244		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de reptilase		Résultat	Supra	10,4
20245		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de saignement in vitro (par agent) (PFA-100)		Résultat	Local	28,0
20246		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de saignement in vivo		Résultat	Local	80,0
20247		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de Stypven dilué (DRVVT ou temps de Russell) (incluant confirmation)		Rapport	Régional	9,7
20248		C	VP			Hémato-hémostase	Temps de thrombine (TT)		Résultat	Local	3,4
20249		C	VP			Hémato-hémostase	Test de liaison du FVW au collagène		Résultat	Supra	87,0
20250		C	VP			Hémato-hémostase	Test de liaison du FVIII au FVW		Résultat	Supra	19,1
20251		C	VP			Hémato-hémostase	Test de neutralisation par les phospholipides (PNP)		Rapport	Régional	9,0
20252		C	VP			Hémato-hémostase	Test d'inhibition de la thromboplastine tissulaire diluée		Rapport	Régional	14,4
20254		C	VP			Hémato-hémostase	Thromboélastographie		Rapport	Régional	62,0
20255		C	VP			Hémato-hémostase	Activateur tissulaire du plasminogène (activité) (tPA)		Résultat	Supra	283,0
20259		C	VP			Hémato-hémostase	Confirmation de lupus anticoagulant par mesure de l'APTT après neutralisation par des phospholipides en phase hexagonale		Résultat	Supra	26,0
20300		C	VP			Prélèvements	Assistance à l'infusion de CPH/DLI (excluant déplacement)		Sac	Supra	10,5
20303		C	VP		I	Hémato-hémostase	Ecarin clotting test (ECT)		Rapport	Supra	203,0

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20304		C	VP		I	Hémato-hémostase	Eculizumab plasmatique (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	328,0
20320		C	VP			Hémato-cytologie	Cytologie des liquides (manuelle)		Rapport	Local	43,0
20321		C	VP			Hémato-cytologie	Cytologie des liquides avec cytopspin		Rapport	Local	37,0
20342		C	VP			Hémato-cytologie	Éosinophiles (sécrétions nasales ou urine)		Résultat	Local	18,6
20358		N				Hémato-cytologie	Décompte automatisé (liquides biologiques autres que le sang)		Résultat	Local	10,7
20360		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) Thiosulfite		Résultat	Régional	52,0
20361	*	C	VP			Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée		Rapport	Local	2,0
20362	*	C	VP			Hémato-cytologie	Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration)		Rapport	Local	12,1
20363	*	C	VP			Hémato-cytologie	Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)		Rapport	Local	6,6
20364	*	C	VP			Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-plaq. micro-méthode (automatisé)		Rapport	Local	2,7
20380	*	C	VP			Hémato-cytologie	Leucocytes (sang) (manuel)		Résultat	Local	7,6
20381		C	VP			Hémato-cytologie	Sédimentation automatisée		Résultat	Local	3,0
20390		C	VP			Hémato-immunologie	Haptoglobine		Résultat	Régional	4,8
20391		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine plasmatique (excluant bandelette)		Résultat	Régional	13,7
20430		C	VP			Hémato-cytologie	Moelle osseuse (différentielle manuelle faite par un technologiste médical incluant la lecture de 2 lames)		Rapport	Régional	81,0
20450		C	VP			Hémato-cytologie	Plaquettes (sang) (manuel)		Résultat	Local	30,0
20470		C	VP			Hémato-cytologie	Réticulocytes (automatisé)		Résultat	Local	2,4
20471		C	VP			Hémato-cytologie	Réticulocytes (manuel)		Résultat	Local	6,4
20472		C	VP			Hémato-cytologie	Réticulocytes (semi-automatisé incluant prétraitement)		Résultat	Local	10,5
20490		C	VP			Hémato-cytologie	Sédimentation manuelle		Résultat	Local	3,4
20494		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) métabisulfite		Résultat	Régional	14,2
20574		C	VP			Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI fraîches		Greffon	Supra	220,0
20575		C	VP			Hémato-greffe	Réception des unités de CPH ou DLI cryo		Greffon	Supra	366,0
20580		C	VP			Hémato-greffe	Évaluation des greffons de CPH (ou CT) frais (de l'interne ou de l'externe)		Greffon	Supra	295,0
20582		C	VP			Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH (auto ou allo) 1 <sup>er</sup> sac		sac	Supra	1039,0
20583		C	VP			Hémato-greffe	Cryopréservation de CPH aphérèse (auto et allo) sac supplémentaire		sac	Supra	92,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20585		C	D, VP			Hémato-greffe	Décongélation d'un greffon		sac	Supra	883,0
20588		C	D, VP			Hémato-greffe	Ajustement de la concentration du greffon par dilution		Greffon	Supra	433,0
20590		C	D, VP			Hémato-greffe	Filtration du greffon		Greffon	Supra	179,0
20592		C	VP			Hémato-greffe	Distribution des greffons de CPH à l'unité de soin		Greffon	Supra	224,0
20593		C	VP			Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopréservé à l'unité de soin (1 <sup>er</sup> sac)		sac	Supra	531,0
20594		C	VP			Hémato-greffe	Distribution et assistance à l'infusion d'un greffon cryopréservé à l'unité de soin (sac supplémentaire)		sac	Supra	140,0
20598		C	VP			Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (1 <sup>er</sup> sac)		sac	Supra	281,0
20599		C	VP			Hémato-greffe	Envoi de greffons frais ou cryopreservés à l'extérieur du centre hospitalier (sac supplémentaire)		sac	Supra	59,0
20603		C	VP			Hémato-greffe	Réduction plasmatique, volume ou érythrocytaire d'un greffon avec Sepax		Rapport	Supra	1950,0
20615		C	VP			Hémato-greffe	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) pour salle blanche et niveau grade B		Greffon	Supra	97,0
20620		C	VP			Hémato-greffe	Cryopréservation de CD3 ou CD34 ou MNC (aliquot)		Spécimen	Supra	148,0
20622		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire complète de progéniteurs hématopoïétiques : aspiration de moelle osseuse ou sang		Spécimen	Supra	754,0
20628		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire de progéniteurs hématopoïétiques : unités de CPH (aphérèse, moelle osseuse, sang de cordon)		Spécimen	Supra	195,0
20629		C	VP			Hémato-greffe	Culture cellulaire de BFU-E avec et sans érythropoïétine		Spécimen	Supra	469,0
20640		C	VP			Hémato-greffe	Centrifugation de CPH		Centrifugation	Supra	72,0
20641		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Inactivation du complément à 56°C		Spécimen	Supra	3,9
20647	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Isolement de cellules mononucléées par centrifugation sur gradient de densité		Spécimen	Supra	63,0
20649		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Énumération de cellules progénitrices hématopoïétiques (CD34)		Rapport	Supra	87,0
20651		C	H, VP			Hémato-greffe	Préparation de gouttes ophtalmiques autologues pour sécheresse oculaire		Usager	Régional désigné	268,0
20663		C	VPr			Hémato-greffe	Sélection négative des cellules TCRab+ et CD19+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	29980,0
20664		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-cytoplasme des neutrophiles ANCA		Rapport	Supra	39,0
20665	*	C	VP			Hémato-greffe	Sélection + ou - de cellules du sang ou de la moelle osseuse avec microbilles		Spécimen	Supra	204,0
20667		C	VPr			Hémato-greffe	Sélection positive simple des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	15482,0
20668		C	VPr			Hémato-greffe	Sélection positive double des cellules CD34+ avec billes magnétiques sur CliniMacs		Rapport	Supra	27821,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20669		C	VP		I	Micro-imm-séro.	Hépatite B (HBsAg); dosage immunologique microparticulaire par chimiluminescence (CMIA) (quantitatif)		Résultat	Supra	15,5
20670		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgM spécifique		Résultat	Régional	15,9
20671		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	10,4
20672		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,2
20673		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,2
20674		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique		Résultat	Régional	11,2
20675		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBe) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	8,8
20676		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg)		Résultat	Local	7,7
20677		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite B (HbeAg) (antigène)		Résultat	Régional	8,0
20678		C	VP			Micro-imm-séro.	Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	9,2
20680		C	VP			Hémato- immunocytométrie	Activation des neutrophiles		Rapport	Supra	183,0
20682		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ADN (ELISA)		Résultat	Régional	6,1
20683		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ADN (immunofluorescence) ( <i>Cryptidia luciliae</i> )		Résultat	Régional	8,6
20684		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-cellules pariétales		Résultat	Régional	24,0
20685		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-centromères		Résultat	Régional	9,5
20686		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-cochlée		Rapport	Supra	63,0
20691		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-facteur intrinsèque		Rapport	Régional	8,4
20694		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-histone (ELISA)		Résultat	Supra	6,2
20696		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-îlots de Langherans		Rapport	Supra	23,0
20698		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-Jo-1		Résultat	Régional	13,3
20699		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-LKM (anti-liver kidney microsomes)		Rapport	Supra	17,7
20701		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-membrane basale glomérulaire		Résultat	Régional	12,5
20702		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-mitochondries		Rapport	Régional	24,0
20703		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-muscle lisse		Rapport	Régional	24,0
20704		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-muscle strié		Rapport	Supra	38,0
20705		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-myéloperoxydase (anti-MPO)		Résultat	Régional	6,1

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20709		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-protéinase 3 (anti-PR3)		Résultat	Régional	6,2
20710		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-ribonucléoprotéines (RNP)		Résultat	Régional	6,5
20711		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-Scl 70 (topoisomérase)		Résultat	Régional	7,5
20712		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-Sm		Résultat	Régional	6,1
20713		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-SSA (Ro)		Résultat	Régional	7,1
20714		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-SSB (La)		Résultat	Régional	6,3
20716		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-surréaliens		Rapport	Supra	35,0
20717		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)		Rapport	Régional	17,1
20718		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-peptides cycliques citrulinés (Anti-CCP)		Résultat	Régional	13,6
20719		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)		Résultat	Régional	8,7
20720		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-réticuline		Rapport	Régional	33,0
20721		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-bordure en brosse		Rapport	Régional	33,0
20722		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-canalicule biliaire		Rapport	Régional	33,0
20724		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-endomysium		Rapport	Supra	30,0
20725		C	VP			Hémato-immunologie	Anti-membrane basale cutanée et anti-substance intercellulaire		Rapport	Supra	43,0
20765		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine chromatographie		Rapport	Régional	13,0
20768		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Compatibilité cellulaire par cytométrie en flux (Flow x-match)		Résultat	Supra	440,0
20769		C	VP			Hémato-immunologie	Composantes du complément (activité)		Résultat	Supra	163,0
20771		C	VP			Bio-immuno.	Complément sérique total (CH50) (activité)		Résultat	Supra	33,0
20772		C	VP			Hémato-immunologie	Complexes immuns circulants		Rapport	Supra	18,2
20773		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Corps de Heinz		Résultat	Régional	15,2
20774		C	VP			Hémato-immunologie	Cryoglobulines (qualitatif)		Rapport	Local	20,0
20775		C	VP			Hémato-immunologie	Cryoglobulines (quantitatif)		Rapport	Régional	124,0
20776		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C3 (antigène)		Résultat	Local	6,7
20777		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C4 (antigène)		Résultat	Local	6,7
20778		C	VP			Hémato-immunologie	Activation des TLR(2, 4) par clivage du CD62L		Rapport	Supra	417,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20781		C	VP			Hémato-immunologie	Fas Ligand (dosage) (sérique)		Rapport	Supra	10,6
20784		C	VP			Hémato-immunologie	Interferon Gamma induite par IL-12 (sécrétion) (dosage) (ELISA)		Rapport	Supra	783,0
20800		C	VP			Hémato-greffe	Déplétion plasmatique ou érythrocytaire par centrifugation de CPH et évaluation		Centrifugation	Supra	72,0
20820	*	C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine électrophorèse (agarose ou capillaire)		Rapport	Régional	23,0
20825		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Enzymes érythrocytaires (par enzyme) (G6PD, 6PGD, PK, HX, GPI)		Résultat	Régional	45,0
20827		C	D, VP			Hémato-érythrocytaire	Érythropoïétine (quantitatif)		Résultat	Supra	19,4
20828		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Estérases non spécifiques		Résultat	Régional	29,0
20829		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Estérases spécifiques		Résultat	Régional	40,0
20850		C	VP			Hémato-immunologie	Complément Facteur B (antigène)		Résultat	Supra	184,0
20852		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Fer médullaire (Bleu de Prusse)		Rapport	Régional	14,8
20900		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine (électrophorèse des chaînes de globine)		Rapport	Régional	9,4
20902		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine A2		Résultat	Régional	19,5
20918		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	282,0
20928		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	108,0
20929		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	196,0
20932		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Rapport	Supra	110,0
20935		C	VP			Hémato-immunocytométrie	HLA-B27, marqueur de surface		Résultat	Régional	26,0
20941		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	306,0
20942		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	110,0
20949		C	VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-DPB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	154,0
20950		C	VPPr			D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	107,0
20952		C	VPPr			D. mol. hémato-greffe	HLA-DPA1/DPB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	45,0
20953		C	VPPr			D. mol. hémato-greffe	HLA-DQA1/DQB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	71,0
20954		C	VPPr			D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	55,0
20956		C	VPPr			D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB3/4/5 (génotypage) (SSO basse résolution)		Résultat	Supra	71,0
20958		C	VPPr			Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T (CD3/4/8/45)		Rapport	Régional	44,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
20959		C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45)		Rapport	Régional	91,0
20961		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (antigène)		Résultat	Supra	13,2
20962		C	VP			Hémato-immunologie	Facteur C3 néphritique (activité) (C3NEF)		Résultat	Supra	396,0
20966		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (activité)		Résultat	Supra	46,0
20968		C	D, VP			D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C ou -DRB1 ou -DQB1 (génotypage) (SNG) (haute résolution)		Rapport	Supra	691,0
20969	*	C	D, VPr			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs NK (panel complet NK-CLPD)		Rapport	Supra	257,0
20971		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe I		Rapport	Supra	128,0
20972		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA spécificité classe II		Rapport	Supra	114,0
20973	*	C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Panel maladie résiduelle minimale de la LLA-B (panel MRD LLA-B)		Rapport	Supra	415,0
20974	*	C	D, VPr			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs B (panel complet B-CLPD)		Rapport	Supra	221,0
20975	*	C	D, VPr			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës B (panel complet LLA-B)		Rapport	Supra	351,0
20976	*	C	D, VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës T (panel complet LLA-T)		Rapport	Supra	301,0
20977	*	C	D, VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies myéloïdes aiguës/SMD (panel complet LMA/SMD)		Rapport	Supra	395,0
20978	*	C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Marquage de surface ou intracellulaire (par marqueur)		Résultat	Régional	10,7
20979	*	C	VP			Hémato-immunocytométrie	Panel des dyscrasies plasmocytaires (myélome multiple) (panel PCD)		Rapport	Supra	197,0
20983		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (coloration)		Usager	Local	4,1
20993		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (fixation sans coloration)		Usager	Local	2,8
20994		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Prolifération des lymphocytes T (PHA)		Rapport	Supra	208,0
20995		C	VP			Hémato-immunologie	Activation du complément (ELISA)		Résultat	Régional	19,9
20996		C	VP			Hémato-immunologie	Complément C1q (antigène)		Résultat	Supra	40,0
20997		C	VP			Hémato-immunologie	Complément-Facteur H (antigène)		Résultat	Supra	124,0
20998		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Isolement lymphocytes T ou B du sang total par sélection négative		Rapport	Supra	82,0
20999		C	VP			Hémato-immunologie	Maladie de Devic (neuromyelite optique) (anti-NMO) (immunofluorescence)		Résultat	Supra	99,0
21000		C	VP			Hémato-immunologie	Myosite détection anti antigène (Mi-2a, Mi-2b, Ku, Pm-Sc1-100, SRP, Pm-Sc1-75, Jo-1 (Myos), PI-7, PI-12, EJ, OJ, Ro-52, MDA-5, TIFgamma, NXP2, SAE1)		Rapport	Supra	68,0
21002		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobine fœtale (cytométrie de flux)		Rapport	Supra	22,0
21004		C	VPr			Dépistage néonatal	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45RA/45RO, CD31)		Rapport	Supra	119,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
21005		C	VP		I	Hémato-immunologie	Sclérodémie systémique (ScS); Détection d'IgG dirigés contre 7 antigènes (Scl-70, CENP-A, CENP-B, RP11, RP155, fibrillarine, Th/To) (Immunobuvardage)		Rapport	Supra	54,0
21020		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Periodic Acid Schiff (P.A.S.)		Rapport	Régional	17,3
21023		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Myéloperoxydase		Rapport	Régional	14,4
21026		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Phosphatase alcaline intra-leucocytaire		Rapport	Régional	27,0
21028		C	VPr			D. mol. hémato-greffe	Analyse du chimérisme (STR) pré ou post greffe (TAAN)		Rapport	Supra	191,0
21030		C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA Dépistage (FLOW-PRA) (par classe)		Rapport	Supra	83,0
21033	*	C	D, VP			Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs T (panel complet T-CLPD)		Rapport	Supra	314,0
21034	*	C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Tube d'orientation des leucémies aiguës (tube ALOT)		Rapport	Supra	138,0
21035	*	C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Tube de dépistage des cellules lymphoïdes (syndromes lymphoprolifératifs) (tube LST)		Rapport	Supra	116,0
21036	*	C	VPr			Hémato-immunocytométrie	Tube pour spécimen pauvre en cellules (liquide céphalorachidien et liquide vitreux) (tube SST)		Rapport	Supra	173,0
21037		C	VPr		I	Hémato-immunocytométrie	Lymphohistiocytose hémaphagocytaire (LHH); Dégranulation des cellules NK (marqueur CD107a)		Rapport	Supra	783,0
21038		N				Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation (Euroflow) (par tube)		Tube	Régional désigné	49,0
21072		C	VP			Hémato-cyto-chimie	Soudan noir B		Rapport	Régional	15,4
21094		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Transformation lymphoblastique		Rapport	Supra	449,0
25002		C	VP			D. mol. hématologie	Alpha-thalassémie; <i>HBA1</i> , <i>HBA2</i> (- $\alpha3.7/\alpha\alpha$ , - $\alpha4.2/\alpha\alpha$ , - $\alpha20.5/\alpha\alpha$ , --SEA/ $\alpha\alpha$ , --MED/ $\alpha\alpha$ , --FIL/ $\alpha\alpha$ , --THAI/ $\alpha\alpha$ )		Rapport	Supra	195,0
25004		C	VP			D. mol. hémato-oncologie	Analyse mutationnelle du domaine kinase de la protéine de fusion BCR-ABL (séquençage)		Rapport	Supra	215,0
25007		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Sphérocytose héréditaire; éosine-5'-maléimide (EMA) (cytométrie en flux)		Rapport	Supra	156,0
25009		C	VP			D. mol. hématologie	Facteur VII (séquençage)		Rapport	Supra	395,0
25011		C	VP			D. mol. hématologie	Anémie falciforme; <i>HBB</i> (HbS-HbC); (séquençage)		Rapport	Supra	414,0
25015		C	VP			D. mol. hématologie	Bêta-thalassémie; <i>HBB</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	658,0
25017		C	VP			D. mol. hématologie	Désordre plaquettaire québécois; gène <i>PLAU</i> (duplication) (TAAN)		Rapport	Supra	58,0
25019		C	VP			D. mol. hématologie	Élément de réponse au fer (IRE) du gène L-Ferritine ( <i>FTL</i> ) (séquençage)		Rapport	Supra	202,0
25021		C	VP			D. mol. hématologie	Facteur V Leiden (TAAN)		Résultat	Supra	35,0
25022		C	VP			D. mol. hématologie	Facteur VIII haplotype (hémophilie A) (TAAN)		Rapport	Supra	347,0
25024		C	VP			D. mol. hématologie	Hémoglobine S diag. porteuse et diag. prénatal (séquençage)		Rapport	Supra	428,0
25026		C	VP			D. mol. hématologie	Hémophilie A Facteur VIII; inversion intron 22 (IVS22 inv) (TAAN)		Rapport	Supra	587,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
25028		C	VP			D. mol. hématologie	Hémophilie A ou B (diagnostic de porteuses et prénatal, mutation connue) (séquençage)		Rapport	Supra	435,0
25037		N		R	I	D. mol. hématologie	Diagnostic et stratification pronostique des hémopathies malignes (cartographie optique du génome (COG))		Rapport	Supra	978,0
25038		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA et Syndromes myélo dysplasiques, (GATA2) (séquençage)		Rapport	Supra	392,0
25040		C	VP			D. mol. hématologie	Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)		Rapport	Supra	32,0
25044		C	VP			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; 3363insC (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	79,0
25046		C	D, VP			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; mutations individuelles Arg178Gln ou Thr298Met (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	79,0
25054		C	VP			D. mol. hématologie	Angioedème (détection de 5 variations génétiques : APP g.2953-3127del et c.-2399C > A, ACE I/D, PAI-1 c.-817dupG, FXII c.1032C > A et c.1032C > G) (TAAN)		Rapport	Supra	496,0
25056		C	VP			D. mol. hématologie	Protéine C (séquençage)		Rapport	Supra	583,0
25060		C	VP			D. mol. oncologie	Thiopurine méthyltransferase (TPMT) enzyme (TPMT*2 (Gly238Cys), TPMT*3A (Gly460Ala et A719G), TPMT*3B (Gly460Ala), et TPMT*3C (Ala719Gly) (TAAN)		Résultat	Supra	132,0
25070		C	VP			D. mol. hématologie	Von Willebrand type 2 (2A, 2B, 2M, 2N) ; VWF (exons 18 à 21 et 28 à 31) mutations associées (séquençage)		Rapport	Supra	459,0
25080		C	VP	R	I	D. mol. hématologie	Hémophilie A et maladie de von Willebrand (gènes F8 et VWF) (SNG)		Rapport	Supra	629,0
30005		C	VP			Bio-clinique	Bêta-hydroxybutyrate (sang total)		Résultat	Local	1,4
30008		C	VP			Bio-clinique	Acide delta aminolévulinique (delta-ALA) (HPLC)		Résultat	Supra	440,0
30009		C	VP			Bio-clinique	Acide folique (folates)		Résultat	Régional	3,7
30010	*	C	VP			Bio-clinique	Acide lactique (colorimétrique)		Résultat	Local	4,1
30011		C	VP			Bio-médicament	Acide mycophénolique incluant glucuronides		Rapport	Supra	22,0
30012		C	VP			Bio-clinique	Acide pyruvique (dosage seulement)		Rapport	Supra	30,0
30013		C	VP			Bio-clinique	Acide urique		Résultat	Local	0,6
30016		C	VP			Bio-clinique	Alanine amino-transférase (ALT)		Résultat	Local	0,6
30017		C	VP			Bio-clinique	Albumine		Résultat	Local	0,6
30018	*	C	VP			Bio-toxico.	Alcools (éthanol, méthanol, éthylène glycol, isopropanol, acétone, N-propanol, 1,2-butanediol) (quantitatif)		Résultat	Régional	69,0
30019		C	VP			Bio-clinique	Aldolase		Résultat	Supra	10,4
30020		C	VP			Bio-hormone	Aldostérone (sérique)		Résultat	Supra	14,2

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30021		C	VP			Bio-hormone	Aldostérone (urinaire)		Résultat	Supra	56,0
30022	*	C	VP			Bio-clinique	Alpha foetoprotéine (AFP)		Résultat	Régional	4,1
30024		C	VP			Bio-clinique	Alpha-1 antitrypsine (selles)		Résultat	Supra	166,0
30028		C	VP			Bio-toxico.	Aluminium		Résultat	Supra	49,0
30029		C	VP			Bio-clinique	Ammoniac		Résultat	Local	5,1
30030		C	VP			Bio-clinique	Amylase totale		Résultat	Local	0,6
30032		C	VP			Bio-clinique	Amylase pancréatique		Résultat	Local	2,1
30034		C	H, VP			Bio-hormone	Androstènedione		Résultat	Régional désigné	10,0
30035		C	VP			Bio-immuno.	Anti-21 hydroxylase		Résultat	Supra	55,0
30038		C	VP			Bio-clinique	Antigène carcino-embryonnaire (CEA)		Résultat	Local	4,2
30039		C	VP			Bio-clinique	Antigène prostatique spécifique (PSA)		Résultat	Local	4,3
30040		C	VP			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgA)		Rapport	Régional	12,4
30041		C	VP			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgG)		Résultat	Régional	12,4
30044		C	VP			Bio-immuno.	Anti-récepteur acétylcholine (AChR)		Résultat	Supra	51,0
30045		C	H, VP			Bio-immuno.	Anti-récepteur de la thyrotropine (TSI)		Résultat	Régional désigné	41,0
30047		C	VP			Bio-immuno.	Anti-thyroglobuline		Résultat	Régional	10,7
30048		C	VP			Bio-immuno.	Anti-thyropéroxydase (anti-TPO)		Résultat	Régional	5,5
30049		C	VP			Bio-immuno.	Anti-transglutaminase		Résultat	Régional	9,7
30052		C	VP			Bio-clinique	Apolipoprotéine AI		Résultat	Régional	7,5
30054		C	VP			Bio-clinique	Apolipoprotéine B		Résultat	Régional	4,0
30060		C	VP			Bio-clinique	Aspartate amino-transférase (AST)		Résultat	Local	0,6
30065		C	VP			Bio-clinique	Alpha-1-antitrypsine (sérique)		Résultat	Régional	6,6
30068		C	VP			Bio-immuno.	Anti-acide glutamique décarboxylase (GAD) (sérique)		Résultat	Supra	11,1
30069	*	C	VP			Bio-EBMD	Gestion des EBMD		Résultat	Local	0,4
30070	*	C	VP			Bio-EBMD	Glucose par glucomètre		Résultat	Local	2,8
30072		C	VP			Bio-EBMD	Entretien d'un appareil de gaz sanguin hors laboratoire (évaluation complète incluant nettoyage et contrôle)		Instrument	Local	30,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30073		C	VP			Bio-médicament	Léflunomide (Arava®)		Résultat	Supra	44,0
30075		C	VP			Bio-clinique	Vert d'indocyanine (épreuve au)		Résultat	Supra	161,0
30076	*	C	VP			Bio-clinique	Acide lactique (par électrode spécifique)		Résultat	Local	2,7
30077		C	VP			Bio-hormone	Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-désoxycortisol)		Rapport	Supra	63,0
30078		C	VP			Bio-clinique	Procalcitonine		Résultat	Local	19,0
30079		C	VP			Bio-clinique	Urine (examen microscopique) (automatisé)		Rapport	Local	2,3
30080		C	VP			Bio-clinique	Bêta-2 microglobuline (β2-M)		Résultat	Régional	6,5
30081		C	VP			Bio-clinique	Bêta-2 Transferrine (LCR et sérum)		Rapport	Supra	267,0
30082		C	VP			Bio-clinique	Bêta-Hydroxybutyrate (sérique)		Résultat	Local	8,8
30083		C	VP			Bio-clinique	Bilirubine directe (conjuguée)		Résultat	Local	0,6
30084		C	VP			Bio-clinique	Bilirubine totale		Résultat	Local	0,6
30085		C	VP			Bio-clinique	BNP (Brain Natriuretic Peptide)		Résultat	Local	13,1
30086		C	VP			Bio-clinique	Bandes oligoclonales (par focalisation) (LCR et sérum)		Rapport	Supra	85,0
30087		C	VP			Bio-médicament	Flécaïnide (Flecainide®)		Résultat	Supra	152,0
30088		C	VP			Bio-médicament	Ganciclovir (Cytovene®)		Résultat	Supra	64,0
30089		C	VP			Bio-médicament	Milrinone (Primacor®)		Résultat	Supra	128,0
30090		C	VP			Bio-médicament	Posaconazole (Posanol®)		Résultat	Supra	119,0
30092		C	VP			Bio-médicament	Thiopurine S-méthyltransferase (TPMT)		Résultat	Supra	49,0
30095		C	VP			Bio-clinique	NT-PRO-BNP ( <i>Brain Natriuretic Peptide</i> )		Résultat	Local	18,0
30096		C	VP			Bio-médicament	Itraconazole - hydroxyitraconazole (Sporanox®)		Rapport	Supra	116,0
30099		C	VP			Bio-médicament	Isavuconazole (Cresemba <sup>MC</sup> )		Résultat	Supra	78,0
30100		C	VP			Bio-clinique	CA 125		Résultat	Régional	5,7
30101		C	VP			Bio-clinique	CA 15-3 ou 27-29		Résultat	Régional	6,3
30102		C	VP			Bio-clinique	CA 19-9		Résultat	Régional	5,3
30103		C	VP			Bio-clinique	Caféine		Résultat	Supra	35,0
30104		C	VP			Bio-hormone	Calcitonine		Résultat	Supra	34,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30105		C	VP			Bio-clinique	Calcium total		Résultat	Local	0,6
30106		C	VP			Bio-clinique	Calcium ionisé mesuré		Rapport	Local	4,8
30107		C	VP		I	Bio-clinique	Calculs rénaux (colorimétrie)		Rapport	Supra	64,0
30108		C	VP		I	Bio-clinique	Calculs rénaux (spectrométrie)		Rapport	Supra	32,0
30111	*	C	VP			Bio-clinique	Carotènes totaux (quantitatif)		Rapport	Supra	21,0
30112		C	VP			Bio-hormone	Catécholamines plasmatiques		Rapport	Supra	57,0
30113		C	VP			Bio-hormone	Catécholamines urinaires		Rapport	Supra	53,0
30114		C	VP			Bio-clinique	Céruoplasmine		Résultat	Régional	4,4
30115		C	VP			Bio-clinique	Chlorures		Résultat	Local	0,6
30116		C	VP			Bio-clinique	Cholestérol – HDL		Résultat	Local	1,9
30117		C	VP			Bio-clinique	Cholestérol – LDL (mesuré)		Résultat	Régional	3,7
30119		C	VP			Bio-clinique	Cholestérol total		Résultat	Local	0,6
30120		C				Bio-clinique	Chylomicrons (examen visuel après 24h)		Résultat	Local	2,6
30121		C	VP			Bio-clinique	Citrates (urine)		Résultat	Régional	4,6
30123		C	VP			Bio-clinique	CK-MB masse		Résultat	Régional	3,0
30124		C	VP			Bio-clinique	CO <sub>2</sub> total ou bicarbonate (dosage seulement)		Résultat	Local	2,0
30127		C	VP			Bio-hormone	Cortisol libre urinaire incluant extraction		Résultat	Régional	16,7
30128		C	VP			Bio-hormone	Cortisol sérique ou urinaire sans extraction		Résultat	Local	3,5
30130		C	VP			Bio-clinique	CK total		Résultat	Local	0,6
30131		C	VP			Bio-clinique	CK (électrophorèse)		Rapport	Supra	39,0
30132		C	VP			Bio-clinique	Créatinine		Résultat	Local	0,6
30133		C	VP			Bio-clinique	Cristaux (liquide synovial)		Résultat	Local	49,0
30135		C	VP			Bio-clinique	Cystine (qualitatif)		Résultat	Régional	15,0
30136		C	VP			Bio-clinique	Cystine (HPLC)		Résultat	Supra	87,0
30137		C	VP			Bio-clinique	Chromogranine A		Résultat	Supra	37,0
30138		C	VP			Bio-clinique	D-lactate		Résultat	Supra	89,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30140	*	C	VP			Dépistage prénatal	Estriol libre		Résultat	Supra	4,9
30150		C	VP			Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (DHEA)		Résultat	Supra	17,6
30151		C	VP			Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S)		Résultat	Régional	8,5
30153		C	VP			Bio-clinique	Densité réfractométrie unique (exclut bandelette)		Résultat	Local	1,7
30155	*	C	VP			Bio-clinique	Décantation micro-méthode		Spécimen	Local	7,5
30170		C	VP			Bio-clinique	Élastase fécale		Rapport	Supra	52,0
30171		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des lipoprotéines		Rapport	Supra	34,0
30173		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (sérum)		Rapport	Régional	11,3
30174		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (urine)		Rapport	Régional	26,0
30176		C	H, VP			Bio-clinique	Enzyme de conversion angiotensine (ACE)		Résultat	Régional désigné	6,4
30177		C	VP			Bio-toxico.	Éthanol (alcool éthylique)		Résultat	Local	2,9
30178		C	VP			Bio-médicament	Ethosuximide (Zarontin®)		Résultat	Supra	72,0
30181		C	VP			Bio-clinique	Électrophorèse des protéines par méthode capillaire		Rapport	Régional	8,2
30182		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation avec sérum pentavalent		Rapport	Régional	13,3
30183	*	C	VP			Dépistage prénatal	Protéine A associée à la grossesse (PAPP-A)		Résultat	Supra	8,3
30186	*	C	VP			Bio-clinique	Sueur (test à la) (conductivité)		Résultat	Régional	24,0
30190		C	VP			Bio-clinique	Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC)		Résultat	Local	2,1
30191		C	VP			Bio-clinique	Fer (sérum)		Résultat	Local	0,6
30193		C	VP			Bio-clinique	Ferritine		Résultat	Local	3,1
30194	*	C	VP			Bio-clinique	Test du travail prématuré (fibronectine foetale)		Résultat	Local	124,0
30195		C	VP			Bio-clinique	Acide folique érythrocytaire		Résultat	Régional	6,5
30196		C	VP			Bio-clinique	Fructosamine		Résultat	Régional	2,2
30197		C	D, VP			Bio-clinique	Dosage du FGF23 : dosage immunologique par chimiluminescence (CLIA)		Résultat	Supra	89,0
30198	*	C	VP			Bio-clinique	Test de rupture de membrane		Résultat	Local	53,0
30209		C	VP			Bio-clinique	Transferrine carboxy déficiente (CDT)		Résultat	Supra	46,0
30210		C	VP			Bio-clinique	Gamma glutamyl transférase (GGT)		Résultat	Local	0,6

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30211		C	VP			Bio-hormone	Gastrine		Résultat	Supra	11,0
30212		C	VP			Bio-clinique	Gaz sanguins (pO <sub>2</sub> , pCO <sub>2</sub> , pH, HCO <sub>3</sub> , COHb, méthHb, oxyHb, SulfHb, CO <sub>2</sub> total)		Rapport	Local	5,5
30214		C	VP			Bio-clinique	Glucose		Résultat	Local	0,6
30215		C	VP			Bio-clinique	Glycérol libre		Résultat	Supra	3,9
30230		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine foetale ou adulte (APT test) (selles)		Résultat	Local	22,0
30233		C	VP			Bio-clinique	Hémosidérine (urine)		Résultat	Régional	30,0
30234		C	VP			Bio-clinique	Homocystéine (HPLC)		Résultat	Supra	78,0
30235		C	VP			Bio-clinique	Homocystéine (immuno-enzymatique)		Résultat	Régional	9,8
30237		C	H, VP			Bio-hormone	Hormone adrénocorticotrope (ACTH)		Résultat	Régional désigné	9,8
30239		C	VP			Bio-hormone	Hormone de croissance (HGH)		Résultat	Supra	8,5
30240		C	VP			Bio-hormone	Hormone folliculo-stimulante (FSH)		Résultat	Régional	3,2
30241		C	VP			Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum ou urine) (qualitatif)		Résultat	Local	6,3
30242	*	C	VP			Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif)		Résultat	Local	4,5
30243		C	VP			Bio-hormone	Hormone lutéinisante (LH)		Résultat	Régional	3,2
30244		C	VP			Bio-hormone	Hormone parathyroïdienne (PTH)		Rapport	Régional	5,2
30245		C	VP			Bio-hormone	5-HIAA -HVA-VMA		Rapport	Supra	37,0
30246		C	VP			Bio-clinique	Hydrogène dans l'haleine (intolérance au lactose)		Rapport	Supra	71,0
30248	*	C	VP			Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c)		Rapport	Local	3,6
30249		C	VP			Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c) prétraitement seulement		Spécimen	Local	1,5
30262		C	VP			Bio-hormone	Interleukine-6 (IL-6)		Résultat	Supra	21,0
30268		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation des protéines sériques		Rapport	Régional	71,0
30269		C	VP			Bio-clinique	Immunofixation des protéines urinaires		Rapport	Régional	75,0
30273		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgA		Résultat	Régional	3,4
30274		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgD		Résultat	Supra	61,0
30276		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE totale		Résultat	Régional	5,8
30277		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgG		Résultat	Régional	2,3

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30278		C	H, VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgG (sous-classes)		Résultat	Régional désigné	8,9
30279		C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgM		Résultat	Régional	3,3
30282	*	C	VP			Dépistage prénatal	Inhibine A		Résultat	Supra	10,1
30283		C	VP			Bio-hormone	Insuline		Résultat	Régional	4,3
30285		C	VP			Bio-clinique	Chaînes légères libres (Kappa/Lambda) (sériques)		Rapport	Régional	25,0
30286	* M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes communs)		Résultat	Supra	16,0
30287	* M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes occasionnels)		Résultat	Supra	18,8
30288	M	C	VP			Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes moléculaires)		Résultat	Supra	21,0
30300		C	VP			Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (électrophorèse) (LD)		Résultat	Supra	68,0
30301		C	VP			Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (LD)		Résultat	Local	0,6
30306		C	VP			Bio-clinique	Lipase		Résultat	Local	2,0
30308		C	VP			Bio-clinique	Lipoprotéine a (Lp(a))		Résultat	Régional	3,8
30329		C	VP			Bio-hormone	Catécholamines et métanéphrines libres (urine)		Rapport	Supra	45,0
30330		C	VP			Bio-clinique	Macro-enzyme ou Macro prolactine (recherche) (précipitation)		Rapport	Régional	41,0
30332		C	VP			Bio-clinique	Magnésium total		Résultat	Local	0,6
30335		C	VP			Bio-médicament	Azathioprine (6MMP, 6-TG) / Mercaptopurine (6MP) (incluant prétraitement) (Imuran® / Purinethol®)		Rapport	Supra	85,0
30336		C	VP			Bio-hormone	Métanéphrines (urine)		Rapport	Supra	30,0
30337		C	VP			Bio-clinique	Microalbumine (urine)		Résultat	Local	2,5
30340		C	VP			Bio-clinique	Myoglobine (urine)		Résultat	Local	14,9
30360		C	VP			Bio-hormone	Oestradiol-17B		Résultat	Régional	4,3
30361		C	VP			Bio-hormone	Oestrone plasmatique		Résultat	Supra	6,4
30362		C	VP			Bio-clinique	Osmolalité		Résultat	Local	6,5
30363		C	VP			Bio-hormone	Ostéocalcine		Résultat	Régional	10,4
30364		C	VP			Bio-clinique	Oxalates (urine)		Résultat	Régional	13,6
30370		C	VP		I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	73,0
30371		C	VP		I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (IIFT) (qualitatif)		Résultat	Supra	155,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30382		C	H, VP			Bio-hormone	Peptide C		Résultat	Régional désigné	9,7
30383		C	VP			Bio-clinique	pH (liquide biologique)		Résultat	Local	4,7
30386		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline		Résultat	Local	0,6
30388		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline (électrophorèse)		Rapport	Supra	127,0
30389		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline placentaire (PAPLA)		Résultat	Supra	37,0
30391		C	VP			Bio-clinique	Phosphore		Résultat	Local	0,6
30393		C	VP			Bio-clinique	Porphobilinogène (PBG) (quantitatif)		Résultat	Supra	351,0
30394		C	VP			Bio-clinique	Porphyries (plasma) (quantitatif)		Rapport	Supra	147,0
30397		C	VP			Bio-clinique	Porphyries (uro ou copro) (urine) (quantitatif)		Rapport	Supra	47,0
30398		C	VP			Bio-clinique	Potassium		Résultat	Local	0,6
30399		C	VP			Bio-clinique	Préalbumine		Résultat	Local	3,4
30400		C	VP			Bio-hormone	Progestérone		Résultat	Régional	3,5
30401		C	VP			Bio-hormone	Progestérone (17-hydroxy)		Résultat	Supra	14,7
30402		C	VP			Bio-hormone	Prolactine		Résultat	Régional	3,4
30404		C	VP			Bio-clinique	Protéines totales (autres liquides)		Résultat	Local	2,1
30405		C	VP			Bio-clinique	Protéines totales (sérum)		Résultat	Local	0,6
30406		C	VP			Bio-clinique	Protoporphyrines érythrocytaires		Résultat	Supra	226,0
30407		C	VP			Bio-clinique	Antigène prostatique libre (PSA)		Résultat	Régional	5,6
30409		C	VP			Bio-clinique	Pseudocholinestérase (typage) (FN + DN)		Rapport	Supra	79,0
30412		C	VP			Bio-clinique	Protéine C réactive (CRP) (inclut ultrasensible)		Résultat	Local	3,0
30450		C	VP			Bio-hormone	Rénine		Résultat	Supra	35,0
30452		C	VP			Bio-clinique	Porphyries (selles) (dosage fractionné) (quantitatif)		Rapport	Supra	123,0
30469		C	D, VP			Bio-clinique	Recherche immunochimique de sang dans les selles (RSOSi)		Résultat	Supra	7,8
30470		C	VP			Bio-clinique	Sang dans les liquides biologiques (qualitatif)		Résultat	Local	9,3
30471		C	VP			Bio-clinique	Sang dans les selles (qualitatif)		Résultat	Local	6,0
30472		C	VP			Bio-clinique	Carcinome cellule squameuse (SCC)		Résultat	Supra	8,4

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30473		C	VP			Bio-clinique	Selles (examen microscopique, graisse, amidon, fibres) (qualitatif)		Résultat	Régional	17,3
30474		C	VP			Bio-clinique	Selles (mesure du poids sur 24 heures)		Résultat	Local	7,4
30476		C	VP			Bio-hormone	Sérotonine (HPLC)		Résultat	Supra	224,0
30477		C	VP			Bio-hormone	Sex hormone binding globulin (SHBG)		Résultat	Régional	4,1
30478		C	VP			Bio-clinique	Sodium		Résultat	Local	0,6
30479		C	H, VP			Bio-hormone	Somatomédine C (IGF-1)		Résultat	Régional désigné	6,6
30482	*	C	VP			Bio-clinique	Sueur (test à la) (Iontophorèse) (stimulation, prélèvement)		Résultat	Local	78,0
30485	*	C	VP			Dépistage prénatal	Trisomie 21 - dépistage prénatal (gestion des données)		Rapport	Supra	23,0
30500		C	VP			Bio-hormone	T3 total (triiodothyronine totale) ou libre		Résultat	Local	3,3
30502		C	VP			Bio-hormone	T4L (thyroxine libre)		Résultat	Local	2,5
30504		C	VP			Bio-hormone	Téloptides (C ou N) (sérum)		Résultat	Régional	8,1
30506		C	VP			Bio-hormone	Testostérone totale		Résultat	Régional	5,6
30508		C	VP			Bio-hormone	Thyroglobuline		Résultat	Régional	10,9
30510		C	VP			Bio-clinique	Tumor necrosing factor (TNF-alpha)		Résultat	Supra	26,0
30511		C	VP			Bio-clinique	Transferrine		Résultat	Local	2,5
30512		C	VP			Bio-clinique	Triglycérides		Résultat	Local	0,6
30513		C	VP			Bio-clinique	Troponine T ou I		Résultat	Local	4,1
30515		C	VP			Bio-clinique	Tryptase		Résultat	Supra	29,0
30516		C	VP			Bio-hormone	TSH (hormone thyroïdienne)		Résultat	Local	2,1
30517	*	C	VP			Bio-clinique	Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)		Rapport	Régional	23,0
30518		C	D, VP		I	Bio-hormone	Testostérone sérique par LC-MS/MS		Résultat	Supra	11,3
30530		C	VP			Bio-clinique	Lipoprotéines (ultracentrifugation)		Rapport	Supra	71,0
30531		C	VP			Bio-clinique	Urée		Résultat	Local	0,6
30532		C	VP			Bio-clinique	Urine (examen microscopique)		Rapport	Local	8,2
30533		C	VP			Bio-clinique	Urine (examen sommaire)		Rapport	Local	2,6
30534		C	VP			Bio-clinique	Urine (mesure du volume pour collecte minutée)		Résultat	Local	7,8

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30535		C	VP			Bio-clinique	Acides biliaires totaux (dosage)		Résultat	Régional	24,0
30536	*	C	VP			Bio-clinique	Calprotectine fécale (dosage, éluant extraction)		Résultat	Régional désigné	11,7
30537	*	C	VP			Bio-clinique	Calprotectine fécale (extraction)		Résultat	Local	7,9
30550		C	VP			Hémato-érythrocytaire	Viscosité plasmatique		Résultat	Régional	25,0
30551	*	C	VP			Bio-clinique	Vitamine A + E (HPLC) (incluant $\beta$ -carotène)		Rapport	Supra	42,0
30553		C	VP			Bio-clinique	Vitamine B12		Résultat	Local	3,1
30554		C	VP			Bio-clinique	Vitamine C		Résultat	Supra	60,0
30555		C	VP			Bio-clinique	Vitamine D 1-25 diOH		Résultat	Supra	73,0
30556		C	VP			Bio-clinique	Vitamine D 25 OH		Résultat	Régional	6,8
30557		C	VP		I	Bio-clinique	Vitamines hydrosolubles (B1 et B6) (quantitatif) (HPLC)		Rapport	Supra	21,0
30580		C	VP			Bio-clinique	Xanthochromie LCR (mesurée)		Rapport	Régional	19,0
30581		C	VP			Bio-clinique	Xylose		Résultat	Supra	50,0
30583		C	VP			Bio-clinique	Phosphatase alcaline osseuse		Résultat	Régional	5,0
30584		C	VP			Bio-hormone	Cortisol salivaire		Résultat	Supra	16,6
30585		C	VP			Bio-hormone	Inhibine B		Résultat	Supra	76,0
30586		C	VP			Bio-hormone	Métanéphrines plasmatiques libres		Résultat	Supra	127,0
30587		C	H, VP			Bio-hormone	Hormone anti Müllerian (AMH)		Résultat	Régional désigné	23,0
30588		C	VP			Bio-hormone	3-méthoxytyramine (sérique)		Résultat	Supra	211,0
30589		C	VP			Bio-clinique	Dosage de la protéine apparentée à la parathormone (PTHrP)		Rapport	Supra	115,0
30600		C	VP			Bio-médicament	Acétaminophène		Résultat	Local	3,5
30601		C	VP			Bio-médicament	Acide valproïque		Résultat	Local	5,4
30602		C	VP			Bio-médicament	Amikacine		Résultat	Régional	7,1
30603		C	VP			Bio-médicament	Amiodarone (Cordarone®)		Résultat	Supra	204,0
30604		C	VP			Bio-toxico.	Amphétamines / méthamphétamine (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,2
30607		C	VP			Bio-toxico.	Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique)		Résultat	Local	4,2
30608		C	VP			Bio-médicament	Antidépresseurs tricycliques et non tricycliques (GC 9 résultats)		Rapport	Supra	139,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30610		C	VP			Bio-médicament	Flucytosine (5-FC) (Ancotil®)		Résultat	Supra	233,0
30619		C	VP			Bio-toxico.	Éthylglucoronide et éthylsulfate (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	67,0
30620		C	VP			Bio-toxico.	Barbituriques (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	7,7
30621		C	VP			Bio-toxico.	Benzodiazépines (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,5
30623		C	VP			Bio-médicament	Busulfan (Myleran®)		Résultat	Supra	176,0
30625		C	VP		I	Bio-toxico.	Buprénorphine (méthode immunoenzymatique homogène, semi-quantitatif)		Résultat	Supra	16,8
30630		C	VP			Bio-médicament	Carbamazépine		Résultat	Local	8,7
30631		C	VP			Bio-médicament	Cyclosporine (Neoral®)		Résultat	Supra	18,0
30632		C	VP			Bio-médicament	Clozapine et nor-clozapine (Clozaril®)		Rapport	Supra	41,0
30640		C	VP			Bio-médicament	Digoxine		Résultat	Local	5,9
30642	*	C	VP			Bio-médicament	Antirétroviraux (ARV) / programme provincial de dosage des médicaments antirétroviraux		Rapport	Supra	60,0
30660		C	VP			Bio-médicament	Clobazam (Frisium®)		Résultat	Supra	110,0
30671		C	VP			Bio-médicament	Gentamicine		Résultat	Local	4,2
30680		C	VP			Bio-médicament	Hypoglycémiant oraux		Rapport	Supra	30,0
30690		C	VP			Bio-médicament	Lamotrigine (Lamictal®)		Résultat	Supra	84,0
30691		C	VP			Bio-médicament	Lidocaïne (Xylocaïne®)		Résultat	Supra	56,0
30692		C	VP			Bio-médicament	Lithium (Li)		Résultat	Local	5,3
30693		C	VP			Bio-médicament	Lithium intra-érythrocytaire (Li)		Résultat	Supra	9,3
30695		C	VP		I	Bio-médicament	Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	50,0
30696		C	VP		I	Bio-médicament	Anticorps anti-Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	60,0
30697		N			I	Bio-médicament	Panel anticonvulsivant (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	29,0
30701		C	VP			Bio-toxico.	Méthadone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,5
30702		C	VP			Bio-médicament	Méthotrexate		Résultat	Régional	40,0
30703		C	VP			Bio-médicament	Mitotane (Lysodren®)		Résultat	Supra	18,9
30704		N*	VP			Bio-médicament	Méthotrexate, 7-OH-méthotrexate et acide 2,4-diamino-N-méthylptéroïque (DAMPA) (LC-MS-MS)		Rapport	Supra	139,0
30711		C	VP			Bio-médicament	Nitisinome (NTBC) (Orfadin®)		Résultat	Supra	32,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
30720		C	VP			Bio-médicament	Olanzapine (Zyprexa®)		Résultat	Supra	58,0
30730		C	VP			Bio-médicament	Phénobarbital		Résultat	Local	7,3
30731		C	VP			Bio-médicament	Phénytoïne		Résultat	Local	5,3
30732		C	VP			Bio-médicament	Phénytoïne libre		Résultat	Supra	148,0
30733		C	VP			Bio-médicament	Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®)		Rapport	Supra	59,0
30759		C	VP			Bio-médicament	Évérolimus (Afinitor®)		Résultat	Supra	124,0
30760		C	VP			Bio-médicament	Salicylates		Résultat	Local	3,7
30761		C	VP			Bio-médicament	Sirolimus (Rapamune®)		Résultat	Supra	22,0
30770		C	VP			Bio-médicament	Tacrolimus (FK-506) (Prograf®)		Résultat	Supra	17,6
30771		C	VP*			Bio-médicament	Théophylline		Résultat	Local	5,8
30773		C	VP			Bio-médicament	Tobramycine		Résultat	Local	8,0
30780		C	VP			Bio-médicament	Vancomycine		Résultat	Local	4,1
30781		C	VP			Bio-médicament	Voriconazole (Vfend®)		Résultat	Supra	92,0
30782		C	VP		I	Bio-médicament	Mesure de l'activité de la L-Asparaginase		Résultat	Supra	43,0
30831		C	VP			Bio-toxico.	Cannabinoïdes (THC) (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,0
30834		C	VP			Bio-toxico.	Cocaïne (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,8
30850		C	VP			Bio-toxico.	Drogues (cannabis-THC, benzoylécgonine-cocaïne) (HPLC ou GCMS)		Rapport	Supra	128,0
30851		C	VP			Bio-toxico.	Drogues de rue / bandelette / drogue		Résultat	Local	2,7
30860		C	VP			Bio-toxico.	Fer (analyse dans les biopsies)		Résultat	Supra	117,0
30883		C	VP			Bio-toxico.	Oxycodone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	17,0
30890		C	VP			Bio-toxico.	Opiacés (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	3,3
30891		C	VP			Bio-toxico.	PCP (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	2,5
30893		C	VP			Bio-toxico.	Dépistage toxicologique général (GCMS/NPD) (sérum-plasma-urine-liquide gastrique)		Rapport	Supra	190,0
30920		C	VP			Bio-médicament	Thiocyanate (sérum)		Résultat	Supra	18,9
30980		C	D, VP			Bio-toxico.	Zinc (spectrophotométrie)		Résultat	Supra	9,1
30981		N				Bio-toxico.	Zinc (ICP-MS)		Résultat	Supra	29,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
31042		C	VP			Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunoblot)		Rapport	Supra	45,0
31050		C	VP			Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunofluorescence)		Rapport	Supra	14,6
31098		C	VP		I	Bio-médicament	Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	45,0
31099		C	VP		I	Bio-médicament	Anticorps anti-Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	45,0
40005		C	VP			Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (antigène dans les selles)		Résultat	Local	29,0
40007		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (Ag) glutamate déshydrogénase (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Résultat	Local	18,7
40008		C	VPr		I	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (test respiratoire à l'urée) (spectrométrie de masse à ratio isotopique)		Rapport	Supra	15,9
40018		C	VP			D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse non homologuée)		Rapport	Supra	50,0
40020		C	VP			Micro-bact.	Bactérie Gram négatif multirésistance (bêta-lactamase-ESBL, carbapenemase) (dépistage)		Rapport	Local	8,6
40021		C	VP			Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (culture sur biopsie gastrique)		Rapport	Régional	21,0
40022		C	VP			Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (uréase rapide sur biopsie gastrique)		Résultat	Local	10,4
40025		C	VP			Micro-bact.	Bronchoscopie (culture quantitative)		Rapport	Local	8,6
40026		C	VP			Micro-bact.	Bronchoscopie (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	12,3
40046		C	VP			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon) (par bactérie)		Résultat	Local	22,0
40047		C	VP			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie)		Résultat	Local	17,7
40048		C	VP			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie)		Résultat	Local	24,0
40049		C	VP			Micro-bact.	Cathéter (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	11,8
40051		C	VP			Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en agar) (steer) (par bactérie)		Résultat	Régional	36,0
40053	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemencement sans identification		Spécimen	Local	2,8
40063		C	VP			Micro-bact.	Enterococcus résistant à la vancomycine (ERV) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	6,5
40065		C	VP			Micro-bact.	Expectorations (bactériologie) (inclut spécimen rejeté après Gram)		Rapport	Local	13,8
40080		C	VP			Micro-bact.	Gorge (culture Strepto A, C, G ou bêta-hémolytique)		Rapport	Local	13,4
40101		C	VP			Micro-bact.	Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie)		Rapport	Local	5,1
40102		C	VP			Micro-bact.	Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie)		Rapport	Local	10,7

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
40103	*	C	D, VPr			Micro-bact.	Identification d'une bactérie après incubation courte, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	10,1
40124	*	C	VP			Micro-bact.	Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,7
40125	*	C	VP			Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API)		Résultat	Local	26,0
40126	*	C	VP			Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®)		Résultat	Local	7,6
40127	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie)		Rapport	Local	6,7
40128	*	C	VP			Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF)		Rapport	Local	6,7
40130	*	C	VP			Micro-bact.	Coloration Gram (sur colonie)		Lame	Local	8,7
40140		C	VP			Micro-bact.	Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion)		Rapport	Local	10,9
40160		C	VP			Micro-bact.	<i>Legionella</i> (antigène urinaire)		Résultat	Local	43,0
40161		C	VP			Micro-bact.	<i>Legionella</i> (culture sur spécimen clinique)		Rapport	Local	31,0
40164		C	VP			Micro-bact.	Liquide céphalo-rachidien (LCR) (culture)		Rapport	Local	19,2
40165		C	VP			Micro-bact.	Liquide biologique (autre que LCR) (culture)		Rapport	Local	43,0
40200		C	VP			Micro-bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> (culture) (tous sites)		Rapport	Local	20,0
40201		C	VP			Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (nez) (culture) (sauf SARM)		Rapport	Local	10,2
40202		C	VP			Micro-bact.	<i>Nocardia</i> (culture)		Rapport	Régional	40,0
40220		C	VP			Micro-bact.	Oreille ou conduit auditif externe (culture)		Rapport	Local	11,5
40240		C	VP			Micro-bact.	Pneumocoque (antigène urinaire) (urine ou LCR)		Rapport	Local	32,0
40242	*	C	VP			Micro-bact.	Pus profond (avec recherche d'anaérobies, incluant <i>Actinomyces</i> )		Rapport	Local	16,6
40243	*	C	VP			Micro-bact.	Pus superficiel (sans recherche d'anaérobies)		Rapport	Local	10,4
40260		C	VP			Micro-bact.	Sécrétions conjonctivales (culture)		Rapport	Local	16,2
40261		C	VP			Micro-bact.	Sécrétions trachéobronchiques (culture)		Rapport	Local	20,0
40262		C	VP			Micro-bact.	Sécrétions vaginales (culture, état frais, KOH)		Rapport	Local	8,5
40263		C	VP			Micro-bact.	Selles (culture)		Rapport	Local	25,0
40264		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (test rapide) (ELISA sur membrane) (selles)		Rapport	Local	33,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
40265		C	VP			Micro-bact.	Spécimen respiratoire pour fibrose kystique pancréas (FKP) (culture) (incluant <i>Burkholderia cepacia</i> et <i>Pseudomonas</i> )		Rapport	Régional	43,0
40266		C	VP			Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	6,6
40268		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe A (détection d'antigène) (test rapide sur spécimen clinique)		Rapport	Local	19,2
40269		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale		Résultat	Local	13,0
40270		C	VP			Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale (agglutination sur bouillon)		Résultat	Local	17,9
40271		C	VP			Micro-bact.	Stérilité (produit sanguin)		Rapport	Local	41,0
40280		C	VP			Micro-bact.	Sécrétions vaginales (Gram direct pour vaginose)		Rapport	Local	24,0
40285	*	C	VP			Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (sans encapsulation)		Usager	Local	170,0
40286	*	C	VP			Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (avec encapsulation)		Don	Local	610,0
40310		C	VP			Micro-bact.	Urine (toutes méthodes de prélèvement)		Rapport	Local	5,2
40330		C	VP			Micro-bact.	Selles (vérocytotoxine <i>E. coli</i> ) (culture cellulaire)		Rapport	Régional	65,0
40352		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (GDH) + (toxines A et B) (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Rapport	Local	24,0
40355	*	C	VP			Micro-bact.	Remplir et transférer un formulaire au LSPQ dans le cadre d'une surveillance obligatoire (fait par un employé du laboratoire)		Rapport	Local	7,9
40400		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale (par spécimen clinique) stérilité (par ampoule ou caps) (ATTEST)		Rapport	Local	7,6
40401		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale par site (air)		Rapport	Local	5,4
40403		C	VP			Micro-enviro.	Préparation pour culture environnementale par site (eau) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	13,1
40405		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Aspergillus</i>		Rapport	Local	10,4
40420		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale (autre) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	10,7
40450		C	VP			Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Legionella</i>		Rapport	Local	52,0
40480		C	VP			Micro-enviro.	Stérilité (préparation pharmaceutique)		Rapport	Local	20,0
40599		C	VP			Micro-viro.	Adénovirus (détection rapide sur spécimen clinique) (selles) (ELISA)		Résultat	Régional	24,0
40602		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Aspergillus</i> IgG ou Ac totaux (par Ag) (contre-immunoélectrophorèse)		Rapport	Supra	13,3
40603		C	VP			Micro-imm-séro.	Diptérie IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	25,0
40604		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Hémophilus influenzae</i> (IgG ou Ac totaux)		Rapport	Supra	31,0



**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
40605		C	VP			Micro-imm-séro.	Pneumocoque IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	383,0
40606		C	VP			Micro-imm-séro.	Tétanos IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	25,0
40641		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	13,5
40642		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgM spécifique		Résultat	Régional	15,4
40647		C	VP			Micro-imm-séro.	Cytomégalovirus (CMV) IgG spécifique (mesure de l'avidité)		Résultat	Supra	41,0
40661		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV-EA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	69,0
40662		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,3
40663		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	34,0
40665		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,3
40666		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	35,0
40667		C	VP			Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgM spécifique		Résultat	Régional	14,4
40680		C	VP			Micro-imm-séro.	Fièvre Q : <i>Coxiella burnetii</i> IgG -IgM		Résultat	Supra	112,0
40681		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Bartonella</i> , maladie des griffes de chat (anticorps)		Résultat	Supra	38,0
40690		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Helicobacter pylori</i> IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	9,4
40693		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes simplex IgG ou Ac totaux		Rapport	Régional	14,4
40695		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes simplex (IgG spécifique type 1 ou 2) (par Ag)		Résultat	Régional	7,2
40698		C	VP			Micro-imm-séro.	HTLV 1 et 2 IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	11,6
40730		C	VP			Micro-imm-séro.	Legionella IgG ou Ac totaux (Ag de groupe) (ELISA)		Résultat	Supra	19,4
40740		C	VP			Micro-imm-séro.	Mononucléose anticorps hétérophile (agglutination)		Résultat	Local	17,0
40744		C	VP			Micro-imm-séro.	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> IgM spécifique (ELISA)		Résultat	Régional	25,0
40750		C	VP			Micro-imm-séro.	Oreillons IgG ou Ac totaux (ELISA)		Résultat	Supra	10,3
40751		C	VP			Micro-imm-séro.	Oreillons IgM spécifiques (ELISA)		Résultat	Supra	11,7
40772		C	VP			Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgM spécifique		Résultat	Régional	22,0
40773		C	VP			Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	17,9
40791		C	VP			Micro-imm-séro.	Rougeole IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	11,4
40792		C	VP			Micro-imm-séro.	Rougeole IgM spécifique		Résultat	Supra	12,4

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
40794		C	VP			Micro-imm-séro.	Rubéole IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	11,3
40797		C	VP			Micro-imm-séro.	Rubéole IgM spécifique		Résultat	Supra	11,1
40800		C	D, VP			Bio-immuno.	Facteur rhumatoïde (RA)		Résultat	Local	10,2
40811		C	VP			Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (néphélobimétrie)		Résultat	Local	2,8
40812		C	VP			Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (manuel)		Résultat	Local	17,4
40813		C	VP			Micro-imm-séro.	Streptozyme streptocoque du groupe A IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	22,0
40814		C	VP			Micro-imm-séro.	Syphilis antigène non tréponémique (RPR) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	15,0
40815		C	VP			Micro-imm-séro.	Syphilis antigène tréponémique IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	5,4
40816		C	VP			Micro-imm-séro.	Streptocoque du groupe A (qualitatif) sur lame		Résultat	Local	9,5
40832		C	VP			Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	12,0
40833		C	VP			Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgM spécifique		Résultat	Régional	17,6
40840		C	VP			Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux (test rapide)		Rapport	Local	33,0
40850		C	VP			Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux et Ag p24		Résultat	Régional	7,2
40853		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgG spécifique		Résultat	Régional	15,1
40855		C	VP			Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgM spécifique		Résultat	Supra	12,2
40900		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (hémoculture)		Rapport	Local	19,7
40901		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu liquide seul)		Rapport	Régional	50,0
40902		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu solide et liquide)		Rapport	Régional	53,0
40904		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (auramine)		Rapport	Local	27,0
40907		C	VP			Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (Ziehl)		Résultat	Local	59,0
40920		C	VP			Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (PPD) (induration et lecture) (fait par un technologiste)		Résultat	Local	9,9
40921		C	VPr			Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (test de libération d'interferon Gamma, TLIG)		Résultat	Régional	41,0
40922	*	C	VP			Micro-mycobact.	Identification d'une mycobactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,7
41000		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en bandelette sur gélose (ex. : E-TEST ou Liofilchem)		Résultat	Régional	18,2
41001		C	VP			Micro-mycolo.	Galactomannane (antigène <i>Aspergillus</i> ) (ELISA)		Rapport	Régional	54,0
41020		C	VP			Micro-mycolo.	Cryptocoque (Ag) (sérum ou LCR) (agglutination)		Résultat	Local	15,6

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
41031		C	VP			Micro-mycolo.	Mycoses (hémoculture)		Rapport	Local	10,7
41050		C	VP			Micro-mycolo.	Levures (culture spécifique)		Rapport	Local	12,8
41051		C	D, VP			Micro-mycolo.	<i>Candida auris</i> ; culture spécifique (dépistage par gélose chromogénique) sur spécimen clinique		Rapport	Local	12,6
41055		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microdilution en bouillon - méthode CLSI ou Sensititre YeastOne (par levure)		Résultat	Régional	56,0
41056		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : diffusion en disque sur gélose (Kirby Bauer) - méthode CLSI		Résultat	Régional	26,0
41070		C	VP			Micro-mycolo.	Mycologie (examen direct sur spécimen clinique) (incluant état frais, KOH, calcofluor)		Rapport	Local	27,0
41071	*	C	VP			Micro-mycolo.	Mycose profonde (incluant levures)		Rapport	Régional	51,0
41072	*	C	VP			Micro-mycolo.	Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures)		Rapport	Régional	42,0
41073		C	D, VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) antifongique : microplaque sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan® (par levure)		Rapport	Régional	21,0
41076	*	C	VP			Micro-mycolo.	Champignons filamenteux (identification manuelle)		Rapport	Régional	56,0
41077	*	C	VP			Micro-mycolo.	Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	3,7
41078	*	C	VPr			Micro-mycolo.	Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	4,4
41120		C	VP			Micro-paras.	Malaria (détection rapide d'Ag) (immunochromatographie)		Rapport	Local	23,0
41121		C	VP			Micro-paras.	Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration)		Rapport	Local	20,0
41122		C	VP			Micro-paras.	Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie)		Rapport	Régional	76,0
41140		C	VP			Micro-paras.	Oxyures (recherche par ruban collant)		Rapport	Local	18,8
41150		C	VP			Micro-paras.	Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria, <i>Trichomonas</i> )		Rapport	Régional	109,0
41151		C	VP			Micro-paras.	Parasites fécaux ( <i>Giardia</i> , <i>Cryptosporidium</i> ) (immunofluorescence)		Rapport	Régional	44,0
41152		C	VP			Micro-paras.	Parasites fécaux (par colorations permanentes sauf coloration iodée ou état frais)		Rapport	Local	31,0
41153		C	VP			Micro-paras.	Parasites fécaux (par concentration, état frais ou coloration iodée incluant lecture)		Rapport	Local	31,0
41154		C	VP			Micro-mycolo.	<i>Pneumocystis jirovecii</i> (détection) (immunofluorescence directe)		Résultat	Régional	100,0
41160		C	VP			Micro-paras.	Strongyloïdose (culture spécifique)		Rapport	Supra	53,0
41170		C	VP			Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (culture)		Rapport	Local	35,0
41171		C	VP			Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (détection d'Ag)		Rapport	Local	13,6
41180		C	VP			Micro-paras.	Ectoparasites et vers (identification)		Rapport	Local	12,4

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
41223		C	VP			Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (culture en tube)		Rapport	Supra	203,0
41224		C	VP			Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (Shell vial)		Rapport	Régional	122,0
41281		C	VP			Micro-viro.	Herpes simplex type I et II (culture cellulaire et typage)		Rapport	Régional	102,0
41282		C	VP			Micro-viro.	Herpes simplex type I ou II (détection rapide sur spécimen clinique incluant typage) (par immunofluorescence)		Rapport	Régional	37,0
41301		C	VP			Micro-viro.	Influenza (incluant A et B) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Rapport	Local	31,0
41370		C	VP			Micro-viro.	Rotavirus (détection rapide) (ELISA)		Résultat	Local	30,0
41371		C	VP			Micro-viro.	Virus respiratoire syncytial (VRS) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Résultat	Local	46,0
41382		C	VP			Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (ELISA sur microplaque) (selles)		Rapport	Local	24,0
41397		C	VP			Micro-viro.	Oreillons (culture cellulaire)		Rapport	Supra	194,0
41398		C	VP			Micro-viro.	Rhinovirus (test d'acidité)		Rapport	Supra	228,0
41399		C	VP			Micro-viro.	Rougeole (culture cellulaire)		Rapport	Supra	346,0
41403		C	VP			Micro-viro.	Virus spécimen respiratoire (culture cellulaire)		Rapport	Supra	180,0
41405		C	VP			Micro-viro.	Virus spécimen normalement stérile (biopsie, LCR, liquide biologique) (culture cellulaire)		Rapport	Supra	186,0
41406		C	VP			Micro-viro.	Virus spécimen urinaire (culture cellulaire)		Rapport	Supra	216,0
41410		C	VP			Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en microplaque)		Rapport	Supra	130,0
41411		C	VP			Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en tube)		Rapport	Supra	183,0
41412		C	VP			Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (Shell vial)		Rapport	Supra	125,0
41417	*	C	VP			Micro-viro.	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) pour maladie à virus Ebola/maladies respiratoires sévères infectieuses (MVE/MRSI) au laboratoire		Spécimen	Local	28,0
45002		C	VP		I	Hémato-immunologie	Anti-récepteur glutamate (NMDA) (recherche d'anticorps)		Résultat	Supra	93,0
45004		C	VP			D. mol. infectiologie	Adénovirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Supra	47,0
45008		C	VP			D. mol. infectiologie	BK/JC polyomavirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	131,0
45010		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> , <i>Bordetella parapertussis</i> , <i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	26,0
45011		C	H, VP			D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> ; détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	72,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
45015		N				D. mol. infectiologie	<i>Candida auris</i> ; dépistage (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	13,6
45017		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN) (trousse homologuée ou canal ouvert)		Rapport	Régional désigné	34,0
45018		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen urinaire		Rapport	Local	4,8
45020		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen extra-génital		Rapport	Local	4,8
45021		N				D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Local	14,5
45022		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen génital		Rapport	Local	4,8
45023		C	D, VP			D. mol. infectiologie	<i>Trichomonas vaginalis</i> (TAAN) (trousse homologuée)		Résultat	Local	8,8
45024		C	D, VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma genitalium</i> (TAAN) (trousse homologuée)		Résultat	Local	16,3
45025		C	VPr			D. mol. infectiologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	91,0
45026		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)		Rapport	Local	35,0
45027	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (plateforme m2000/Alinity-m)		Rapport	Régional	32,0
45028	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 6800/8800)		Rapport	Régional	16,6
45029	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene)		Rapport	Régional	13,5
45030		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	Herpesviridea; résistance aux antiviraux (séquençage)		Rapport	Supra	497,0
45031	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	27,0
45032		C	H, VP			D. mol. infectiologie	Cytomégalovirus (CMV) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	35,0
45033	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	59,0
45034	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	13,7
45035		C	H, VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	4,8
45036		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	32,0
45038		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérovirus; détection (TAAN) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)		Résultat	Supra	36,0
45040		C	VPr			D. mol. infectiologie	<i>Escherichia coli</i> producteur de shiga-toxines (STEC); détection (TAAN) sur bouillon d'enrichissement		Résultat	Supra	19,2

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
45041		C	VP			D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	27,0
45043		C	D, VP		I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiples bactéries (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique (trousse non homologuée)		Rapport	Supra	16,4
45045		C	D, VP		I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite virale; détection de multiples virus (TAAN) (multiplex, trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	59,0
45047		C	VP			D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV) et bactérie Gram négatif productrice de carbapénémase (BGNPC) (dépistage); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	33,0
45048		C	VP			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	39,0
45050		C	VP			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	42,0
45051	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	93,0
45052	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	30,0
45053	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	54,0
45054	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	29,0
45055	*	C	D, VP			D. mol. infectiologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex (virus et bactéries, incluant SRAS-CoV-2) (TAAN) trousse homologuée sur spécimen clinique		Rapport	Régional	139,0
45056		C	VP			D. mol. infectiologie	Hépatite B (VHB); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	26,0
45060	*	C	VPr			D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	27,0
45062		C	VP			D. mol. infectiologie	Hépatite E (VHE); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	84,0
45065		C	D, H, VPr			D. mol. Infectiologie	Herpes simplex type 1, Herpes simplex type 2 (HSV1, HSV2) et virus Varicella-Zoster (VVZ); (TAAN) (canal ouvert ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	26,0
45066		C	VP			D. mol. infectiologie	Herpes simplex type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Régional	54,0
45068		C	VPr			D. mol. infectiologie	Herpes virus; détection multiplex 7 virus: HSV1, HSV2, CMV, EBV, VVZ, HHV6, HHV7 (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	13,2
45072		C	VP			D. mol. infectiologie	HLA-B*57:01 détection (TAAN) sur sang		Rapport	Supra	42,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
45074		C	D, VP, H, VP			D. mol. infectiologie	<i>Plasmodium falciparum</i> (Malaria); détection (TAAN) sur spécimen clinique (trousse homologuée)		Rapport	Régional désigné	43,0
45076		C	VPr			D. mol. infectiologie	Méningite bactérienne; détection multiplex 5 bactéries: <i>S. pneumoniae</i> , <i>N.meningitidis</i> , <i>S. agalactiae</i> , <i>L.monocytogenes</i> , <i>H. influenzae</i> type b (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Supra	13,0
45077		C	D, VP		I	D. mol. infectiologie	Méningo-encéphalite; détection de multiples pathogènes (bactéries, virus, levure) (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Régional	138,0
45080		C	VP			D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (hybridation) (accuprobe) sur culture solide ou liquide		Résultat	Supra	79,0
45082		C	VP			D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	74,0
45084		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (BK); identification (TAAN) sur culture solide ou liquide		Rapport	Régional	52,0
45086		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma hominis</i> , <i>Mycoplasma genitalium</i> et <i>Ureaplasma</i> spp.; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	81,0
45088		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydomphila pneumoniae</i> ; (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique autre que respiratoire		Rapport	Supra	23,0
45092		C	D, VPr		I	D. mol. infectiologie	Paréchovirus charge virale (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	12,6
45094		C	VP			D. mol. infectiologie	Parvovirus B 19; (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	131,0
45098		C	VP			D. mol. infectiologie	Protozoaires entériques; (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	43,0
45099		C	H, VP			D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	4,5
45100		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	31,0
45104		C	VP			D. mol. infectiologie	<i>Tropheryma whipplei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	179,0
45111		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de la rougeole; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	34,0
45112	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Régional désigné	25,0
45113		C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VVZ); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Régional désigné	39,0
45114	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage de l'intégrase (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	126,0
45116	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage du tropisme (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	308,0
45118	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage pour résistance aux antirétroviraux (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	188,0
45120		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus Epstein-Barr (EBV); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	55,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
45124		C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	13,7
45130		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	33,0
45131		C	VPr			D. mol. infectiologie	Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	38,0
45132		C	D, VPr			D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex $\geq 12$ virus (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	109,0
45134		C	D, VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex $\geq 12$ virus (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou développée par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	57,0
45140		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus du sarcome de Kaposi (HHV8); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	265,0
45141		C	VP			D. mol. infectiologie	Arthrite septique et infection pleurale bactérienne; détection multiplex 4 bactéries: <i>Kingella kingae</i> , <i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B), <i>Streptococcus pneumoniae</i> et <i>Streptococcus pyogenes</i> (Streptocoque du groupe A) (TAAN) sur liquide pleural ou articulaire		Rapport	Supra	42,0
45142		C	D, H, VPr			D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	17,7
45143		N*	VP			D. mol. infectiologie	<i>Pneumocystis jirovecii</i> ; détection (TAAN semi-quantitatif)		Rapport	Régional désigné	101,0
45144		N				D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional désigné	20,0
50055		C	D, VP			Génétique-cyto.	Analyse chromosomique pour détection des variations du nombre de copies (CNV) (par CGH, SNG ou autres)		Rapport	Supra	524,0
50105		C	D, VP			Génétique-cyto.	Analyse quantitative post détection de CNV pour confirmation ou dépistage familial (par TAAN)		Rapport	Supra	122,0
50390		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif) (LC-MS)		Rapport	Supra	82,0
50400		C	VP			Génétique-bio.	Précurseur du cholestérol ou profil des stérols plasmatiques		Rapport	Supra	54,0
50401		C	VP			Génétique-bio.	AcétylCoA: glucosaminide N-acétyltransférase (MPS III C)		Rapport	Supra	473,0
50404		C	VP			Génétique-bio.	Acide méthylmalonique		Rapport	Supra	101,0
50405		C	VP			Génétique-bio.	Acide orotique		Rapport	Supra	109,0
50407		C	VP			Génétique-bio.	Acide pipécolique		Rapport	Supra	52,0
50409		C	VP			Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		Rapport	Supra	2018,0
50410		C	VP			Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		Rapport	Supra	1385,0
50411		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (qualitatif)		Rapport	Supra	10,4

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
50412		C	VP			Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif)		Rapport	Supra	59,0
50415		C	VP			Génétique-bio.	Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)		Rapport	Supra	214,0
50416		C	VP			Génétique-bio.	Acide sialique		Rapport	Supra	125,0
50417		C	VP			Génétique-bio.	Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)		Rapport	Supra	38,0
50419		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-fucosidase (fucosidose)		Rapport	Supra	281,0
50420		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-galactosidase A (Fabry)		Rapport	Supra	279,0
50421		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-glucosidase (GSD II)		Rapport	Supra	302,0
50422		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-iduronidase (MPS I)		Rapport	Supra	332,0
50423		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	287,0
50424		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-N-acétyl-D-glucosaminidase (MPS III B)		Rapport	Supra	341,0
50425		C	VP			Génétique-bio.	Alpha-N-acétylgalactosaminidase (Schindler)		Rapport	Supra	354,0
50429		C	VP			Génétique-bio.	Arylsulfatase A (leucodystrophie métachromatique)		Rapport	Supra	273,0
50432		C	VP			Génétique-bio.	Acides gras libres (colorimétrie-enzymatique automatisée)		Résultat	Supra	13,6
50433		C	VP		I	Génétique-bio.	Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)		Résultat	Supra	207,0
50440		C	VP			Génétique-bio.	Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	249,0
50450		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-galactocérébrosidase (Krabbe)		Rapport	Supra	540,0
50451		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-galactosidase (MPS IV B / GM1 gangliosidose)		Rapport	Supra	215,0
50452		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-glucosidase (Gaucher)		Rapport	Supra	275,0
50453		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-glucuronidase (MPS VII)		Rapport	Supra	275,0
50454		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase A (gangliosidose GM2) (dosage avec substrat sulfaté)		Rapport	Supra	227,0
50455		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase totale, A et B (gangliosidose GM2)		Rapport	Supra	400,0
50456		C	VP			Génétique-bio.	Bêta-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	275,0
50457		C	VP			Génétique-bio.	Biotinidase		Rapport	Supra	112,0
50472		C	VP			Génétique-bio.	Carnitine libre et estérifiée (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	75,0
50476		C	VP			Génétique-cyto.	Culture de cellules fibroblastiques pour étude génétique (incluant recherche <i>Mycoplasma</i> )		Spécimen	Supra	1493,0
50477		C	VP			Génétique-bio.	Cystinose-lysosome (maladie lysosomiale)		Rapport	Supra	398,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
50483		C	VP			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A ( <i>TREC</i> ; <i>SMN1</i> ); (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	83,0
50484		C	D			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse B ( <i>SMN1</i> ; <i>TREC</i> ) - test de 2e intention, partie 1; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	6,1
50485		C	D, VPr			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C1 ( <i>SMN1</i> ) - test de 2° intention, partie 2.1; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	72,0
50486		C	D, VPr			Dépistage néonatal	Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C2 ( <i>SMN2</i> ) - test de 2° intention, partie 2.2; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	72,0
50487		C	VPr			Dépistage néonatal	Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse B ( <i>TREC</i> ; <i>SMN1</i> ) - test de 2° intention; (TAAN) sur sang séché		Rapport	Supra	9,6
50488		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)		Spécimen	Supra	2,3
50489		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2° intention (électrophorèse capillaire)		Spécimen	Supra	12,5
50490		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)		Spécimen	Supra	12,8
50520		C	VP			Génétique-bio.	Galactosamine-6-sulfatase (MPS IV A)		Rapport	Supra	279,0
50521		C	VP			Génétique-bio.	Galactose-1-phosphate (enzymatique)		Rapport	Supra	473,0
50523		C	VP			Génétique-bio.	Guanidinoacétate-créatine		Rapport	Supra	24,0
50524		C	VP			Génétique-bio.	Globotriaosylceramide urinaire (Gb3) (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	57,0
50530		C	VP			Génétique-bio.	Heparan sulfate sulfatase (MPS III A)		Rapport	Supra	491,0
50540		C	VP			Génétique-bio.	Iduronate sulfatase (MPS II)		Rapport	Supra	447,0
50550		C	VP			Génétique-bio.	Lipase acide (Wolman / CESD)		Rapport	Supra	275,0
50561		C	VP			Génétique-bio.	Méthylènetétrahydrofolate réductase (MTHFR) indice d'incorporation MTHF		Rapport	Supra	1429,0
50562		C	VP		I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (LC MS-MS)		Rapport	Supra	23,0
50565		C	VP		I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (quantitatif)		Rapport	Supra	126,0
50570		C	VP			Génétique-bio.	N-acétylglucosamine 6-sulfate sulfatase (MPS III D)		Rapport	Supra	493,0
50580		C	VP			Génétique-bio.	Oligosaccharides		Rapport	Supra	38,0
50600		C	VP			Dépistage néonatal	Phénylalanine sur sang séché		Spécimen	Supra	1,6
50601		C	VP			Génétique-bio.	Dosage des protéines pour test génétique biochimique		Spécimen	Supra	122,0
50602		C	VP			Génétique-bio.	Isolation de leucocytes pour test en génétique biochimique		Spécimen	Régional	144,0
50603		C	VP			Génétique-bio.	Hexosaminidase totale seulement		Rapport	Supra	216,0
50604		C	VP			Génétique-bio.	Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		Rapport	Supra	1231,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
50605		C	VP			Génétique-bio.	Purines et pyrimidines		Rapport	Supra	35,0
50608		C	VP			Génétique-bio.	Acides gras à longue chaîne (profil complet) (GC/MS)		Rapport	Supra	56,0
50620		C	VP			Génétique-bio.	Sialidase / neuraminidase (sialidose)		Rapport	Supra	279,0
50621		C	VP			Génétique-bio.	Sphingomyélinase (Niemann-pick A et B)		Rapport	Supra	383,0
50624		C	VP			Génétique-bio.	Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)		Rapport	Supra	96,0
50640		C	VP			Génétique-bio.	Tests métaboliques urinaires (DNPH - sulfite)		Rapport	Régional	42,0
50641		C	VP			Dépistage néonatal	Thyroxine (T4) totale sur sang séché		Spécimen	Supra	8,0
50642		C	VP			Génétique-bio.	Transcobalamine II		Rapport	Supra	1302,0
50645		C	VP			Dépistage néonatal	Tyrosine sur sang séché		Spécimen	Supra	1,6
50646		C	VP			Dépistage néonatal	Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché		Rapport	Supra	4,2
50648	*	C	VP			Génétique-cyto.	Dissection de villosités chorales et culture		Rapport	Supra	290,0
50649	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales sur technique directe		Rapport	Supra	481,0
50710	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (liquide amniotique)		Rapport	Supra	785,0
50711	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (sang)		Rapport	Supra	615,0
50712	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype (tissus)		Rapport	Supra	1013,0
50713	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype pour hémopathies (moelle et sang)		Rapport	Supra	1239,0
50714	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype pour tumeur solide		Rapport	Supra	1559,0
50715	*	C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales après culture		Rapport	Supra	812,0
50716		C	VP			Génétique-cyto.	Colorations spéciales en cytogénétique (bande C-Q-DAPI-NOR)		Lame	Supra	312,0
50717		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire avec étude fonctionnelle cytogénétique inactivation de l'X		Rapport	Supra	1302,0
50718		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules en suspension)		Spécimen	Supra	143,0
50719	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation		Sonde	Supra	256,0
50720	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH en interphase		Sonde	Supra	307,0
50722	*	C	VP			Génétique-cyto.	FISH sur métaphase		Sonde	Supra	281,0
50723		C	VP			Génétique-cyto.	Congélation de culture cellulaire pour étude génétique		Spécimen	Supra	38,0
50724		C	VP			Génétique-cyto.	Décongélation et remise en culture de cellules pour étude génétique		Spécimen	Supra	36,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
50728		C	VP			Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules adhérentes)		Spécimen	Supra	378,0
50729	*	C	D, VP			Génétique-cyto.	FISH sur tissu paraffiné (tout type de sonde)		Sonde	Supra	334,0
50740		C	VP			Génétique-cyto.	Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)		Rapport	Supra	1529,0
50742		N				Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour anomalie de structure chromosomique (PGT-SR) (par embryon)		Rapport	Supra	469,0
50744		N				Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse de cas et design de test		Rapport	Supra	1539,0
50746		N				Génétique-cyto.	Diagnostic préimplantatoire (DPI) pour maladie monogénique (PGT-M); analyse préimplantatoire (par embryon)		Rapport	Supra	547,0
50800		C	VP			Dépistage néonatal	TSH sur sang séché		Spécimen	Supra	2,8
50802		C	VP			Dépistage néonatal	Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)		Spécimen	Supra	13,7
55002		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Apolipoprotéine E; <i>APOE</i> (Cys112Arg et Arg158Cys) (TAAN)		Résultat	Supra	83,0
55008		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (gène récept. <i>LDL</i> ) (del 5-15 Kb) (TAAN)		Rapport	Supra	133,0
55010		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)		Rapport	Supra	71,0
55012		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)		Rapport	Supra	107,0
55014		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i> ) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)		Rapport	Supra	47,0
55016		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i> ) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)		Rapport	Supra	35,0
55018		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> (TAAN, mutation unique)		Rapport	Supra	257,0
55039		C	D, VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage ciblé de gènes associés aux cardiomyopathies/arythmies/aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (panel global) (SNG) (technique seulement)		Rapport	Supra	944,0
55041		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage ciblé de gènes associés à l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales) (SNG)		Rapport	Supra	935,0
55042		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux cardiomyopathies (cardiogénétique) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55043		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes à partir de données SNG déjà existantes pour l'hypercholestérolémie familiale, hyperchylomicronémie familiale, hyperalphalipoprotéïnémie familiale et sitostérolémie (dyslipidémies familiales)		Rapport	Supra	508,0
55044		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de délétions et duplications familiales ou confirmation de délétions et duplications (cardiogénétique)		Rapport	Supra	205,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55045		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de délétions et duplications familiales ou confirmation de délétions et duplications (dyslipidémies familiales)		Rapport	Supra	205,0
55067		C	D, VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux arythmies héréditaires (cardiogénétique) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55068		C	D, VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel de gènes associés aux aortopathies héréditaires (cardiogénétique) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55069		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (cardiogénétique)		Rapport	Supra	205,0
55070		C	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Recherche de variant nucléotidiques (SNV) familiale ou confirmation de SNV (dyslipidémies familiales)		Rapport	Supra	205,0
55081		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyloïdose cardiaque héréditaire TTR; <i>TTR</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	226,0
55111		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF); <i>LDLR</i> ; (recherche de larges variations génétiques par MLPA)		Rapport	Supra	107,0
55126		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) ( <i>FGFR3</i> ) (séquençage)		Rapport	Supra	253,0
55132		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; <i>MMACHC</i> , <i>LMBR1D</i> (séquençage)		Rapport	Supra	338,0
55133		C	VPr			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> , <i>SMN2</i> (TAAN)		Rapport	Supra	114,0
55134		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> ; (MLPA)		Rapport	Supra	536,0
55136		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> (exon 7-8 del) (TAAN)		Rapport	Supra	388,0
55138		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> ; (étude familiale par liaison génétique)		Rapport	Supra	1720,0
55142		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Ataxie de Friedreich (FA); <i>FXN</i> (expansion de trinuécléotides); (TAAN)		Rapport	Supra	106,0
55146		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> , <i>PMS2</i> , <i>EPCAM</i> ; (MLPA, analyse de délétion et duplication)		Rapport	Supra	100,0
55148		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> , <i>PMS2</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	174,0
55152		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> ; recherche d'une mutation, (TPT)		Rapport	Supra	292,0
55154		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	688,0
55156		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> ; méthylation du promoteur (TAAN)		Rapport	Supra	135,0
55158		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH2</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	636,0
55160		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH6</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	636,0
55162		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH6</i> ; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	430,0
55164		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>PMS2</i> ; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	483,0
55166		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; mutations juives Ashkénazes (TAAN)		Rapport	Supra	185,0
55167		C	VP		I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>PALB2</i> ; détection de l'allèle Q775X (séquençage)		Rapport	Supra	159,0
55168		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutation individuelle)		Rapport	Supra	144,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55170		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutations canadiennes-françaises)		Rapport	Supra	471,0
55171		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire, héréditaire; <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations (SNG)		Rapport	Supra	534,0
55172		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); <i>RET</i> ; (7 exons) (séquençage)		Rapport	Supra	510,0
55174		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 ( <i>CMTX1</i> ); <i>GJB1</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	373,0
55176		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth type 1A ( <i>CMT1A</i> ); <i>PMP22</i> ; (TAAN quantitatif)		Rapport	Supra	467,0
55178		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); <i>CIRHIN</i> ( <i>CIRH1A</i> ); <i>Arg565Trp</i> ; (TAAN)		Rapport	Supra	257,0
55180		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome d'Apert; <i>FGFR2</i> ( <i>Ser252Trp</i> et <i>Pro253Arg</i> ); (TAAN)		Rapport	Supra	275,0
55182		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome de Muenke; <i>FGFR3</i> ( <i>Pro250Arg</i> ); (TAAN)		Rapport	Supra	267,0
55194		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-1b); <i>MPI</i> ( <i>Arg295His</i> )		Rapport	Supra	22,0
55196		C	VP	R		D. mol. maladie héréditaire	Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); <i>ACADM</i> ( <i>Lys304Glu/Lys329Glu</i> ) (SNG)		Rapport	Supra	94,0
55198		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); <i>SERPINA1</i> ( <i>Arg101His</i> , <i>Ala213Val</i> , <i>Glu264Val</i> , <i>Glu342Lys</i> et <i>Glu376Asp</i> )		Rapport	Supra	258,0
55204	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)		Rapport	Supra	216,0
55208		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; <i>GJB6</i> ( <i>Gly11Arg</i> , <i>Val37Glu</i> , <i>Asp50Asm</i> et <i>Ala88Val</i> )		Rapport	Supra	301,0
55209		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) ( <i>FGFR3</i> ) (séquençage)		Rapport	Supra	372,0
55212		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; <i>DMD</i> ; (délétion/duplication)		Rapport	Supra	317,0
55214		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie myotonique de Steinert; (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	531,0
55218		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	248,0
55219		C	VP			Dépistage néonatal	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché		Rapport	Supra	108,0
55221		C	VP	R	I	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> (SNG)		Rapport	Supra	361,0
55223		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); <i>MEFV</i> ( <i>Glu148Gln</i> , <i>Met680Ile</i> , <i>Met694Val</i> , <i>Met694Ile</i> et <i>Val726Ala</i> ) (TAAN)		Rapport	Supra	297,0
55224		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hémochromatose héréditaire type I; <i>HFE</i> ( <i>C282Y</i> , <i>H63D</i> ) (TAAN)		Rapport	Supra	24,0
55228		C	D, VP			D. mol. maladie héréditaire	Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y (TAAN)		Rapport	Supra	380,0
55236		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Encéphalite Cree; <i>TREX1</i> : <i>Arg164Xaa</i> , (TAAN)		Rapport	Supra	28,0
55238		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Leucoencéphalopathie Cree; <i>eIF2B5</i> : ( <i>Arg195His</i> ) (TAAN)		Rapport	Supra	28,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55244		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Huntington (HD); <i>HTT</i> (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	472,0
55250		C	D, VPr	R		D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (SNG,délétion récurrente Canadienne-Française)		Rapport	Supra	354,0
55252		C	VPr	R		D. mol. maladie héréditaire	Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (SNG)		Rapport	Supra	362,0
55254		C	VP			Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, activité enzymatique		Rapport	Supra	1255,0
55255		C	VP			Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, détection des complexes I à V (BN-PAGE)		Rapport	Supra	852,0
55256		C	D, VPr	R*		D. mol. maladie héréditaire	Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG) (technique et interprétation)		Résultat	Supra	680,0
55266		C	VPr	R		D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); <i>PAH</i> (SNG)		Rapport	Supra	354,0
55268		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); <i>PAH</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	248,0
55274		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; <i>APC</i> ; (MLPA) recherche de duplication / délétion		Rapport	Supra	106,0
55276		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; <i>APC</i> , exon 15 (TPT)		Rapport	Supra	580,0
55280		C	VP			D. mol. oncologie héréditaire	Polypose intestinale multiple; <i>MUTYH</i> (REB), panel de mutations		Rapport	Supra	183,0
55288		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB2</i> , Connexine 26; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	411,0
55290		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB2</i> , <i>GJB6</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	248,0
55292		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; <i>GJB6</i> , Connexine 30, 2 délétions (TAAN)		Rapport	Supra	95,0
55294		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de l'X fragile; <i>FMR1</i> (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	166,0
55298		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation et détection du nombre de copies par MLPA)		Rapport	Supra	228,0
55300		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de RETT, gène <i>MECP2</i> (séquençage et MLPA)		Rapport	Supra	710,0
55302		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperomithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage)		Rapport	Supra	359,0
55305	*	C	VPr			Dépistage prénatal	Test génomique prénatal non invasif (TGPNi)		Rapport	Supra	276,0
55311	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	38,0
55312	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	38,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55313	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	37,0
55314	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	51,0
55315		C	VP		I	D. mol. maladie héréditaire	Mucopolidose de type II (MLII); <i>GNPTAB</i> : c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	313,0
55318	*	C	D, VP			D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	307,0
55319		C		R*		D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (SNG)		Rapport	Supra	2,2
55320		C	VP		I	D. mol. maladie héréditaire	Tyrosinémie héréditaire de type 1; <i>FAH</i> (14 exons) (séquençage Sanger)		Rapport	Supra	449,0
55330		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux dystrophies musculaires analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55332		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myopathies congénitales analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55334		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myasthénies congénitales analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55336		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux hyperthermies malignes analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	389,0
55338		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux rhabdomyolyses analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55340		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux maladies musculaires à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	478,0
55350		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la sclérose latérale amyotrophique analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	434,0
55352		C	VP		I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions <i>ATXN2</i> (TAAN)		Rapport	Supra	188,0
55354		C	VP		I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions <i>C9orf72</i> (TAAN)		Rapport	Supra	257,0
55356		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage des gènes <i>SOD1</i> , <i>FUS</i> et <i>TARDBP</i> (SNG)		Rapport	Supra	414,0
55360		C	VP	R*	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la déficience intellectuelle analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	389,0
55365		C	VP	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG)		Rapport	Supra	667,0
55370		C	VP	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies mitochondriales liées à des mutations de l'ADN nucléaire analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	389,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55372		C	VP	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux syndromes polymalformatifs analysé à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	611,0
55374	*	C	D, VP	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel global de gènes de prédisposition aux tumeurs solides de l'adulte (SNG) (technique et interprétation)		Échantillon	Supra	506,0
55376		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du sein analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55378		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'ovaire analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55380		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du pancréas non associé à la pancréatite chronique héréditaire analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55382		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de la prostate analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55384		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer de l'endomètre analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55386		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition au cancer du côlon analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55388		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux polyposes colorectales analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement) (excluant le syndrome de Lynch)		Rapport	Supra	1,0
55390		C	D	R*	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux cancers gastriques héréditaires analysé à partir des données du panel global (compilation de l'indication seulement)		Rapport	Supra	1,0
55392		C	D, VP	R*		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs solides pédiatriques; analysé à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55393		C	D, VP	R*		D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes de prédisposition aux tumeurs hématologiques pédiatriques, cytopénie, insuffisance médullaire; analysé à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55400		C	VP	R*		D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génotypage SNaPshot) (ADN)		Échantillon	Supra	64,0
55402		C	VP	R*		D. mol. maladie héréditaire	Vérification de l'identité de l'échantillon (génotypage SNaPshot) (ARN)		Échantillon	Supra	94,0
55403		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55404		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées du complément (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55405		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au déficit immunitaire combiné sévère (SCID) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
55406		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la maladie inflammatoire de l'intestin très précoce (VEOIBD) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55407		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome d'hyper-IgE (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55408		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hypogammaglobulinémie et à la dysrégulation immunitaire primitive (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55409		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies auto-inflammatoires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55410		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au syndrome de prédisposition mendélienne aux infections mycobactériennes (MSMD) (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55411		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la neutropénie congénitale (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55412		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à l'hémophagocytose lymphohistiocytaire et à l'infection chronique active au virus Epstein Barr (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55413		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux erreurs innées de l'immunité intrinsèque (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
55414		N*	VP	R*		D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au défaut de production de superoxyde (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
60000		C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie Creutzfeldt-Jakob (incluant tous prélèvements)		Usager	Supra	246,0
60002	*	C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie métabolique ou mort subite du nourrisson (incluant radiologie, éviscération et tous prélèvements) (réservé à pédiatrie)		Usager	Supra	257,0
60003		C	VP			Pathologie-fertilité	Anti-spermatozoïdes (sperme / sérum) (IgG et IgA)		Rapport	Régional	30,0
60005	*	C	VP			Pathologie-fertilité	Conservation des paillettes de sperme (banque de sperme)		Paillette	Régional	3,3
60006		C	VP			Pathologie-fertilité	Cryopréservation (sperme) (transformation)		Usager	Régional	73,0
60030	*	C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie (incluant éviscération et tous prélèvements, excluant prélèvement de moelle épinière)		Usager	Local	300,0
60031		C	VP			Pathologie clinique	Assistance à autopsie foetale (incluant placenta et tous prélèvements)		Usager	Local	179,0
60040	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); PD-L1 (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	97,0
60041	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); ALK (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	16,2
60042	*	C	VP			Pathologie clinique	Cancer colorectal; MSI (MSH, MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (immunohistochimie)		Lame	Régional	30,0
60044	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Analyse de ROS1 par immunohistochimie (IHC)		Lame	Régional désigné	37,0
60046	*	C	VP		I	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (PD-L1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	92,0
60050		C	VP			Pathologie clinique	Coloration spéciale		Lame	Local	26,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
60051		C	VP			Pathologie clinique	Coloration spéciale : lame grand format		Lame	Régional	33,0
60090		C	VP			Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné, lame grand format		Lame	Régional	22,0
60100	*	C	VP			Pathologie clinique	Mise en cassette avec ou sans assistance au pathologiste, résident ou assistant pathologiste		Cassette	Local	1,2
60101	*	C	VP			Prélèvements	Assistance pour prélèvement de biopsie (pour pathologie ou cytologie) (excluant déplacement)		Usager	Local	12,4
60120		C	VP			Pathologie clinique	Description de placenta (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	30,0
60122	*	C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	14,6
60124	*	C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales non complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	3,7
60128	*	C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales très complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	56,0
60130		C	D, VP			Pathologie clinique	Coronavirus (SRAS-CoV-2); Détection par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (RNA Scope)		Lame	Supra	176,0
60140		C	VP			Pathologie clinique	Enrobage dans agar et fixation pour micro-spécimen		Cassette	Local	4,8
60141		C	VP			Pathologie clinique	Examen extemporané (coloration incluse)		Lame	Local	14,2
60142	*	C	VP			Pathologie clinique	Examen extemporané exclusivement pour chirurgie de MOH'S		Lame	Régional désigné	33,0
60148	*	C	D, VP			Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (marquage <b>multiple</b> ) (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	26,0
60150		C	VP			Pathologie clinique	Immunofluorescence sur tissu		Lame	Régional	25,0
60151	*	C	VP			Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	18,3
60162		C	VP			Pathologie-fertilité	Préparation d'une paillette achetée d'une banque pour insémination (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	33,0
60163		C	VP			Pathologie-fertilité	Préparation de paillette pour insémination (sperme du conjoint) (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	13,2
60168	*	C	VP			Pathologie clinique	Préparation de ruban de tissu paraffiné pour extraction des acides nucléiques		Bloc	Local	4,9
60178	*	C	VP			Pathologie clinique	Préparation de lames blanches (pour l'envoi de lames pour technique hors de l'installation ou pour préservation de tissus précieux)		Lame	Local	2,8
60180	*	C	VP			Pathologie clinique	Photographie macroscopique pour chirurgie ou autopsie (déposée au dossier) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Photo	Local	3,1
60189	*	C	VP			Pathologie clinique	Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional	22,0
60190		C	VP			Pathologie clinique	Radiographie de pièces chirurgicales ou blocs (excluant le déplacement)		Photo	Local	8,1
60191	*	N*	VP			Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (Ki-67) (immunohistochimie) (par marqueur) (incluant le décompte)		Lame	Régional	22,0

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VP/IF.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
60200	*	C	VP			Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné		Lame	Local	4,1
60301		C	VP			Pathologie clinique	Histo-enzymologie (musculaire ou nerveuse)		Lame	Supra	94,0
60351		C	VP			Pathologie clinique	Nerf, sans micro dissection		Rapport	Supra	50,0
60352		C	VP			Pathologie clinique	Analyse histomorphométrique d'un spécimen osseux non décalcifié		Rapport	Supra	948,0
60441	*	C	VP			Cytologie	Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	11,0
60442	*	C	VP			Cytologie	Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	12,5
60470	*	C	VP			Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (incluant milieu liquide) (lecture seulement par cytologiste)		Lame	Régional	11,5
60471	*	C	VP			Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (préparation et coloration)		Lame	Local	11,0
60472	*	C	VP			Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (incluant milieu liquide) (lecture seulement par cytologiste)		Lame	Régional	10,5
60473	*	C	VP			Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (préparation et coloration)		Lame	Local	3,8
60490		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Ploïdie sur tissus frais ou congelés		Rapport	Supra	130,0
60500		C	VP			Pathologie clinique	Radiographie d'un corps (autopsie) (excluant déplacement)		Usager	Local	51,0
60543	*	C	VP			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par dégraissage effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	54,0
60544	*	C	VP			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par palpation effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	65,0
60570	*	C	VP			Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	57,0
60572	*	C	VP			Pathologie clinique	Microscopie électronique : de semi-fine jusqu'à rapport		Usager	Supra	289,0
60573	*	C	VP			Pathologie clinique	Microscopie électronique : jusqu'à l'enrobage à l'épon		Usager	Supra	150,0
60589	*	C	VP			Pathologie clinique	Prélèvement du cerveau		Usager	Local	69,0
60590		C	VP			Pathologie clinique	Ploïdie sur tissus paraffinés		Rapport	Supra	184,0
60591		C	VP			Pathologie clinique	Prélèvement de moelle épinière complète		Usager	Local	45,0
60594		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme-gradient)		Usager	Régional	62,0
60595		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme complet assisté par ordinateur (CASA)		Rapport	Local	29,0
60596		C	VP			Pathologie-fertilité	Viabilité des spermatozoïdes (coloration éosine - négrosine)		Rapport	Local	7,0
60611		C	VP			Pathologie clinique	Description macroscopique sans production de lame, bloc ou cassette		Spécimen	Local	5,1
60631		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme - SWIMM-UP)		Usager	Régional	40,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
60632		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme complet (test de fertilité) ou vaso-vasostomie		Rapport	Local	43,0
60633		C	VP			Pathologie-fertilité	Spermogramme partiel (post-vasectomie)		Rapport	Local	21,0
60700	*	C	VPr			Télé-pathologie	Numérisation lame (pathologie numérique), effectuée par un technologiste médical		Lame	Local	4,1
60701	*	C	VPr			Télé-pathologie	Création d'un dossier dans un système de traitement d'images numérisées (pathologie numérique)		Rapport	Local	9,7
60702	*	C	VPr			Télé-pathologie	Prise d'image macroscopique (déposée au dossier) (télépathologie)		Photo	Local	5,0
60705	*	C	VP			Télé-pathologie	Session macroscopique de pièces chirurgicales (télépathologie), effectuée par un technologiste médical (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	17,1
65000		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Prosigna™) (hybridation d'ARN)		Rapport	Supra	2344,0
65001		C	VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer du sein; test pronostique pour les tumeurs (Endopredict®) (TAAN)		Rapport	Supra	2441,0
65002		C	VP			D. mol. oncologie	Cancers; <i>BRAF</i> , détection de la mutation Val600Glu (TAAN)		Rapport	Supra	82,0
65003		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie	Cancer colorectal, <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> (codon 12, 13, 59, 61, 117, 146), <i>BRAF</i> (codon 600) (SNG)		Rapport	Supra	333,0
65004		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs)		Rapport	Supra	251,0
65005		C	D, VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer de l'ovaire, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)		Rapport	Supra	497,0
65006		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du poumon; <i>EGFR</i> (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)		Rapport	Supra	175,0
65007		C	D, VP	R*		D. mol. oncologie	Cancer de la prostate, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solide (SNG)		Rapport	Supra	497,0
65008	*	C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du sein et de l'estomac, détection ( <i>ERBB2</i> ou <i>HER2/neu</i> ) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	169,0
65010		C	VP			D. mol. oncologie	Carcinome rénal (PRCC-TFE3 de la t(X;1)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	309,0
65011		C	VP		I	D. mol. Oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); <i>EGFR</i> ; mutation Thr790Met (exon 20) sur ADN tumoral circulant (biopsie liquide)		Rapport	Supra	73,0
65012		C	VP			D. mol. oncologie	Carcinome rénal (alpha-TFEB de la t(6;11)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	288,0
65013		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du sein ; <i>PIK3CA</i> ; recherche de 11 mutations (exons 7, 9 et 20) (TAAN)		Rapport	Supra	235,0
65014		C	VP			D. mol. oncologie	Chondrosarcome myxoïde ( <i>EWSR1-TEC</i> de la t(9;22) et <i>TAF2N-TEC</i> de la t(9;17)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	309,0
65016		C	VP			D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	195,0
65018		C	VP			D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	104,0
65020		C	VP			D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	264,0
65021		N*	VP			D. mol. oncologie	Détection du virus du papillome humain (VPH) par hybridation in situ chromogénique (RNAScope)		Lame	Supra	176,0
65022	*	C	VP			D. mol. oncologie	Co délétion - chromosome 1p et 19q (FISH)		Sonde	Supra	184,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
65023		N*	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>EGFR</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	248,0
65024		N*	VP			D. mol. Oncologie	Recherche fusions oncogéniques dans les gènes <i>ALK</i> , <i>ROS1</i> , <i>RET</i> et du saut de l'exon 14 du gène <i>MET</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	301,0
65025		N*	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>BRAF</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	196,0
65026		N*	VP			D. mol. Oncologie	Recherche mutations dans le gène <i>KRAS</i> par PCR en temps réel sur cartouche automatique (TAAN)		Rapport	Régional désigné	220,0
65030		C	VP			D. mol. oncologie	Dermato-Fibrosarcome ( <i>COL1A1-PDGFB</i> de la t(17;22) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	275,0
65032		C	VP			D. mol. hématologie	Identification du point de cassure <i>BCR-ABL1</i> par PCR multiplex de la t(9;22) (TAAN)		Résultat	Supra	185,0
65034		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène <i>GNAS1</i> (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	198,0
65036		C	VP		I	D. mol. oncologie	Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)		Rapport	Supra	32,0
65040		C	VP			D. mol. oncologie	Fibrosarcome congénital t(12;15) (TAAN)		Rapport	Supra	195,0
65042		C	VP		I	D. mol. oncologie	Lymphome lymphoplasmocytaire, MYD88, détection de la mutation Leu265Pro (TAAN)		Rapport	Supra	77,0
65050		C	VP			D. mol. oncologie	GIST: <i>CKIT</i> et <i>PDGFRA</i> (12 séquençages)		Rapport	Supra	428,0
65065		C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du cerveau; <i>IDH1</i> (R132), <i>IDH2</i> (R172) (TAAN, mutations individuelles)		Rapport	Supra	181,0
65070		C	VP			D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>KRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN)		Rapport	Supra	132,0
65080		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LLA (2 amplifications) détection de translocations (TAAN)		Rapport	Supra	383,0
65082		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LLC, <i>Igh Vh</i> (séquençage)		Rapport	Supra	339,0
65084		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de translocation t(8;21) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	200,0
65086		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de l'inversion (16) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	198,0
65088		C	D, VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>FLT3/ITD</i> ) (TAAN)		Résultat	Supra	133,0
65090		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>FLT3/TKD</i> ) (TAAN)		Résultat	Supra	182,0
65091		C	D, VPr	R*	I	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, stratification pronostique, panel de gènes (SNG)		Rapport	Supra	672,0
65092		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMC et LLA ( <i>BCR-ABL1</i> de la t(9;22)) (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	103,0
65094		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), <i>PML/RAR</i> de la t(15;17) amplification simple (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	161,0
65096		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), <i>PML/RAR</i> de la t(15;17) (TAAN niché)		Résultat	Supra	53,0
65098		C	VPr			D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation <i>C/EPBa</i> ) (séquençage)		Rapport	Supra	455,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
65120		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène RUNX1 (séquençage)		Résultat	Supra	422,0
65121		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène PAX5 (séquençage)		Rapport	Supra	488,0
65122		C	VP			D. mol. oncologie	Mutations germinales - prédisposition familiale, gène TP53 (séquençage)		Rapport	Supra	301,0
65128		C	VP			D. mol. oncologie	Leucémies et tumeurs solides: validation de translocations (TAAN)		Rapport	Supra	376,0
65130		C	VP			D. mol. oncologie	Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWRS1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) sur tissus		Rapport	Supra	309,0
65132		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN)		Résultat	Supra	99,0
65134		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome à grandes cellules t(2;5) (TAAN)		Rapport	Supra	195,0
65136		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome de Burkitt recherche de translocation cMYC (TAAN)		Rapport	Supra	219,0
65138		C	VP			D. mol. oncologie	Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)		Résultat	Supra	120,0
65145		C	VP		I	D. mol. hématologie	Mutation du gène <i>CALR</i> , exon 9 (TAAN)		Résultat	Supra	27,0
65147		C	VP		I	D. mol. oncologie	Méthylation du gène de l'O-6-méthylguanine-ADN méthyltransférase (MGMT)		Rapport	Supra	148,0
65148		C	VP			D. mol. hématologie	Myélofibrose primaire et thrombocytémie essentielle; <i>MPL</i> ; mutations Trp515Leu, Trp515Lys, Trp515Ala et Ser505Asn (exon 10) (TAAN)		Rapport	Supra	22,0
65149		C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>NRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN)		Rapport	Supra	223,0
65150		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMA, nucléophosmine gène NPM1 (exon 12) (TAAN)		Résultat	Supra	260,0
65155		C	VP			D. mol. hématologie	Polycythémie vraie (mutation JAK2-Val617Phe) (TAAN)		Rapport	Supra	300,0
65156		C	VP		I	D. mol. hématologie	Polycythémie vraie; JAK2; mutations exon 12 (TAAN)		Rapport	Supra	74,0
65160		C	VP			D. mol. oncologie	Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (CISH)		Rapport	Régional	154,0
65162		C	VP			D. mol. oncologie	Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN)		Rapport	Supra	232,0
65164		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), <i>EWRS1-CREB1</i> de la t(12;22), <i>EWRS1-CREB1</i> de la t(2;22)) (TAAN)		Rapport	Supra	334,0
65166		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome alvéolaire des tissus mous (ASPL-TFE3 de la t(X;17) (TAAN)		Rapport	Supra	275,0
65168		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome Ewing <i>EWS/FL1</i> t(11;22) et <i>EWS/ERG</i> t(21;22) (TAAN)		Rapport	Supra	230,0
65170		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome fibromyxoïde de bas grade (FUS- <i>CREB3L2</i> de la t(7;16), FUS- <i>CREB3L1</i> de la t(11;16)) (TAAN)		Rapport	Supra	325,0
65172		C	VP			D. mol. oncologie	Sarcome synovial t(x;18) (TAAN)		Rapport	Supra	232,0
65174		C	VP	R*	I	D. mol. oncologie	Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG)		Rapport	Supra	772,0
65180		C	VP			D. mol. hématologie	Syndrome hyperéosinophilique ( <i>FIP1L1-PDGFR</i> de la délétion 4q12) (TAAN)		Rapport	Supra	320,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
65182		C	VP			D. mol. hémato-oncologie	Néoplasie myelo-proliférative NMP/SMD (ETV6-PDGFRB) de la t(5;12) (TAAN)		Rapport	Supra	389,0
65196		C	VP			D. mol. oncologie	Tumeur desmoplastique à petites cellules EWS/WT1 (TAAN)		Rapport	Supra	171,0
65198		C	VP			D. mol. oncologie	Tumeurs cérébrales; H3F3A (mutations Lys27Met et Gly34Val/Arg) et HIST1H3B (mutation Lys27Met) (séquençage)		Rapport	Supra	196,0
65199	*	C	VP		I	D. mol. oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); Réarrangement ALK (FISH)		Sonde	Supra	188,0
65200	*	C	VP		I	D. mol. oncologie	Analyse de ROS1 par hybridation in situ en fluorescence (FISH)		Lame	Supra	188,0
65210		C	VP			D. mol. Oncologie	Préparation de cellules, de moelle et de tissus en oncologie		Rapport	Local	58,0
65217		C	VP	R*		D. mol. Oncologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir des données de séquençage du transcriptome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
65218		C	VP	R*		D. mol. Oncologie	Panel virtuel ciblé de gènes de leucémies et tumeurs pédiatriques, analysé à partir des données de séquençage de l'exome de la tumeur (interprétation seulement)		Rapport	Supra	199,0
65220		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG)		Rapport	Supra	485,0
65222		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer colorectal (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65224		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer de la thyroïde (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65226		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour carcinome urothélial (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65228		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour mélanomes (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65230		C	D, VP	R*	I	D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour tumeur stromale gastro-intestinale (TSGI) (SNG)		Rapport	Supra	480,0
65232		C	D, VP	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du sein (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65233		N*	VP	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer du système nerveux central (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65234		N*	VP	R*		D. mol. Oncologie	Panel multigènes à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour autre tumeur (SNG)		Rapport	Supra	524,0
65240		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage transcriptome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	1391,0
65241		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage exome de la tumeur (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	1475,0
65242		C	VP	R*		D. mol. Oncologie	Séquençage exome matériel normal (paire) (cancer pédiatrique) (SNG)		Rapport	Supra	331,0
65245		C	VPr	R*		D. mol. Oncologie	Recherche de mutations myéloïdes (SMD, NMP et CCUS) par panel (SNG)		Rapport	Supra	601,0
70002	*	C	VP			Envoi	Envoi intergrappes (entre les laboratoires de deux grappes différentes)		Échantillon	Local	4,4
70003	*	C	VP			Envoi	Envoi intragrappe (entre les laboratoires d'une même grappe)		Échantillon	Local	2,6
70005	*	C	VP			Envoi	Envoi ou retour de lame/bloc/cassette		Échantillon	Local	0,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation



**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
70006	*	C	VP			Envoi	Envoi hors Québec (par établissement)		Usager	Local	112,0
70007	*	C	VP			Envoi	Envoi par avion intra-Québec		Boîte	Local	204,0
70008	*	C	VP			Envoi	Envoi sur glace sèche		Boîte	Local	5,9
70019		C	VP			Prélèvements	Prélèvement du test respiratoire de la détection de <i>l'Helicobacter pylori</i> à l'urée marquée au carbone 13		Usager	Local	32,0
70020	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement biologique (excluant sang et réception)		Usager	Local	12,9
70021	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement capillaire		Usager	Local	26,0
70022		C	VP			Prélèvements	Prélèvement d'une unité de sang total, don autologue ou programme de donneur ambulant		Usager	Local	28,0
70023	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement veineux		Usager	Local	11,0
70024		C	VP			Prélèvements	Prélèvement veineux pédiatrique < 7 ans (incluant l'assistance au prélèvement)		Usager	Local	26,0
70026		C	VP			Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse en SOP		Usager	Local	162,0
70027	*	C	VP			Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse ou autre spécimen (excluant déplacement)		Usager	Local	55,0
70028		C	VP			Prélèvements	Acide pyruvique (prélèvement au chevet et déprotéinisation)		Usager	Local	48,0
70029		C	VP			Prélèvements	Phlébotomie thérapeutique (saignée)		Usager	Local	16,8
70030	*	C	VP			Prélèvements	Habillage avec un équipement de protection individuelle (EPI) dans les unités de soins en isolement		Usager	Local	2,1
75004		C	VP			D. mol. divers	Contamination maternelle (TAAN)		Rapport	Supra	229,0
75006	*	C	VPr			D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un spécimen clinique		Spécimen	Supra	31,0
75008	*	C	VP			D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné		Spécimen	Supra	104,0
75010		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Technique d'analyse des microsatellites (pour disomie uniparentale)		Rapport	Supra	504,0
75020		C	VPr	R*	I	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage de l'exome germlin pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)		Échantillon	Supra	404,0
75025		C	VP	R*		D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (1-2 variations)		Rapport	Supra	211,0
75026		C	VP	R*		D. mol. Divers	Reclassification de variations de signification incertaine pour un panel donné (virtuel ou non) (>2 variations)		Rapport	Supra	423,0
75027		C	VP	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (2-20 gènes)		Rapport	Supra	465,0
75028		C	VP	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (21-100 gènes)		Rapport	Supra	518,0
75029		C	VP	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (101-500 gènes)		Rapport	Supra	571,0
75030		C	VP	R*		D. mol. Divers	Réinterprétation de panels (virtuels ou non) selon le nombre de gènes analysés (>500 gènes)		Rapport	Supra	623,0
80007						CTQ	Alcools (acétone, éthanol, isopropanol méthanol) (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80008						CTQ	Alprazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80009						CTQ	Aluminium (sérum)		Résultat	Supra	50,0
80010						CTQ	Amitriptyline et nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80012						CTQ	Amphétamines (sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 10 substances		Résultat	Supra	98,0
80013						CTQ	Antidépresseurs tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80014						CTQ	Antidépresseurs antipsychotiques et non tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 14 substances		Résultat	Supra	98,0
80015						CTQ	Antidépresseurs ISRS (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80016						CTQ	Antimoine (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80017						CTQ	Argent (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80018						CTQ	Arsenic total (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80020						CTQ	Benzodiazépines (urine) (LC-MS-MS) inclut 25 substances		Résultat	Supra	98,0
80024						CTQ	Congénères de biphenyles polychlorés (BPCs), de polybromés (PBDEs), de toxaphènes et les pesticides organochlorés (plasma) (GC-MS)		Résultat	Supra	192,0
80025						CTQ	Bromazépam qualitatif (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80027						CTQ	Cadmium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80028						CTQ	Cannabis (Delta9-tétrahydrocannabinol, Cannabidiol, Cannabinol, Carboxy-delta9-tétrahydrocannabinol, 11-Hydroxy-delta9-tétrahydrocannabinol) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	82,0
80030						CTQ	Chrome (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80031						CTQ	Citalopram (Celexa®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80033						CTQ	Clomipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80034						CTQ	Clozapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80036						CTQ	Cobalt (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80037						CTQ	Cocaine qualitatif (sang/plasma) (LC-MS-MS) inclut 4 substances		Résultat	Supra	65,0
80038						CTQ	Cotinine (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	102,0
80039						CTQ	Cuivre (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80040						CTQ	Cyanure (sang) (GC-MS)		Résultat	Supra	149,0
80041						CTQ	Désipramine (Norpramin®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80049						CTQ	Diazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80050						CTQ	Doxépine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80052						CTQ	Éthylène glycol (sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	76,0
80054						CTQ	Fer (biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80055						CTQ	Fluorure (urine)		Résultat	Supra	50,0
80057						CTQ	Fluoxétine (Prozac®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80059						CTQ	GHB (gamma hydroxybutyrate) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	81,0
80060						CTQ	Imipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80061						CTQ	Isopropanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80063						CTQ	Lorazépam (Ativan®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80065						CTQ	Manganèse (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80066						CTQ	Maprotiline (Ludomil®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80068						CTQ	Mercure total (sang/urine)		Résultat	Supra	50,0
80069						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans le sang et l'urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	141,0
80074						CTQ	Nickel (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80075						CTQ	Nitrazépam (Mogadon®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80078						CTQ	Nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80080						CTQ	Opiacés (urine) (GC-MS) inclut 8 substances		Résultat	Supra	98,0
80081						CTQ	Or (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	170,0
80082						CTQ	Oxazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80084						CTQ	Paroxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80085						CTQ	Phencyclidine (PCP) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80088						CTQ	Plomb (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	44,0
80092						CTQ	Rispéridone (Risperdal®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80093						CTQ	Sélénium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80094						CTQ	Sertraline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80095						CTQ	Tellure (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80096						CTQ	Thallium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80099						CTQ	Dépistage qualitatif de médicaments et drogues (sérum/urine/liquide gastrique) (GC-MS)		Résultat	Supra	92,0
80100						CTQ	Trazodone (Desyrel®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80102						CTQ	Triazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80104						CTQ	Trimipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80105						CTQ	Venlafaxine (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80106						CTQ	Zinc (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80110						CTQ	Acétone (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80112		C	D			CTQ	Antimoine (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80113		C	D			CTQ	Argent (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80114		C	D			CTQ	Arsenic total (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80115		C	D			CTQ	Baryum (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80116						CTQ	Baryum (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80118		C	D			CTQ	Béryllium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80119						CTQ	Béryllium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80120						CTQ	Béryllium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80121		C	D			CTQ	Bismuth (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80122						CTQ	Bismuth (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80126		C	D			CTQ	Cadmium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80128		C	D			CTQ	Chrome (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80129						CTQ	Clobazam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80130						CTQ	Clonazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80131		C	D			CTQ	Cobalt (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80132						CTQ	Cuivre (Biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80133		C	D			CTQ	Cuivre (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80134						CTQ	Cuivre (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80135						CTQ	Diltiazem (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80137						CTQ	Étain (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80139						CTQ	Flurazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80142						CTQ	Iode (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	77,0
80143		C	D			CTQ	Lithium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80144						CTQ	Lithium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80147		C	D			CTQ	Manganèse (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80148		C	D			CTQ	Mercure total (cheveux/ongles)		Résultat	Supra	80,0
80149						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans les cheveux et les ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80150						CTQ	Méthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80151		C	D			CTQ	Molybdène (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80152						CTQ	Molybdène (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80154		C	D			CTQ	Nickel (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80159						CTQ	Platine (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80160		C	D			CTQ	Plomb (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80161						CTQ	Plomb (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80162						CTQ	Propranolol (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80163		C	D			CTQ	Sélénium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80166		C	D			CTQ	Tellure (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80167						CTQ	Témazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80168		C	D			CTQ	Thallium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80170		C	D			CTQ	Uranium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80171						CTQ	Uranium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80172		C	D			CTQ	Vanadium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80173						CTQ	Vanadium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80175		C	D			CTQ	Zinc (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80176						CTQ	Zinc (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80177						CTQ	Zinc protoporphyrine (ZPP) (sang)		Résultat	Supra	29,0
80180						CTQ	Amiodarone (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80181						CTQ	Arsenic inorganique (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	69,0
80183						CTQ	Chlorpromazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80185						CTQ	Créatinine urinaire		Résultat	Supra	6,0
80186						CTQ	Cyclobenzaprine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80187						CTQ	Densité urinaire (réfractomètre)		Résultat	Supra	6,0
80188						CTQ	Dépistage qualitatif de drogues et médicaments en milieu non biologique (GC-MS)		Résultat	Supra	120,0
80190						CTQ	Diphenhydramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80191						CTQ	Drogues de rue par méthode immunoenzymatique (amphétamines, barbituriques, benzodiazépines, cannabis, cocaïne, EDDP, fentanyl, opiacés, oxycodone, phencyclidine (résultat semi-quantitatif par drogue recherchée) (urine)		Résultat	Supra	25,0
80194						CTQ	Kétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80196						CTQ	Méthotriméprazine (sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80200						CTQ	pH (pH mètre)		Résultat	Supra	6,0
80201						CTQ	Procyclidine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80202						CTQ	Prométhazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80206						CTQ	Antinéoplasiques (5-fluorouracile, cyclophosphamide, gemcitabine, ifosphamide, irinotécan, méthotrexate, paclitaxel, docetaxel et vinorelbine) (surface de travail) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	66,0
80208						CTQ	Amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80210						CTQ	Chlordiazépoxide (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80211						CTQ	Dextrométorphan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80212						CTQ	Dextrophan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80213						CTQ	Éphédrine/pseudoéphédrine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80214						CTQ	Éthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80216						CTQ	Flunitrazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80218						CTQ	MDA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80219						CTQ	MDEA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80220						CTQ	MDMA et MDA (sérum) (ecstasy) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80221						CTQ	Méthamphétamine et amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80224						CTQ	Midazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80226						CTQ	Oxymorphone (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80227						CTQ	PMA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80248						CTQ	Acide muconique, acide S-Phénylmercapturique (S-PMA) (urine) (benzène) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80255						CTQ	Bupropion (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80256						CTQ	Cannabis (métabolite : THC Delta-9-COOH) (urine) (LC/MS/MS)		Résultat	Supra	114,0
80266						CTQ	Iode (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80270						CTQ	Mirtazapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80277						CTQ	Olanzapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80284						CTQ	Quétiapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80286						CTQ	Spéciation d'arsenic (arsénocholone + arsénobétaine, As +3, As +5, acide diméthylarsinique, acide monométhylarsinique, arsenic inorganique) (UPLC-ICP-MS)		Résultat	Supra	171,0
80287						CTQ	Tellure (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80288						CTQ	6-acétylmorphine (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80289						CTQ	Aluminium (sang, urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80291						CTQ	Fentanyl et norfentanyl (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80294						CTQ	Lévamisol qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80299						CTQ	Méthadone et EDDP (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80302						CTQ	Acide S-Benzylmercapturique (toluène) (urine)(LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80304						CTQ	Composés perfluorés (PFBS, PFHxS, PFOS, PFBA, PFHxA, PFOA, PFNA, PFDA, PFUDA (plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	72,0

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80305						CTQ	Métabolites des phtalates (MMP, MEP, 2-OH-MiBP, MiBP, MnBP, MCHP, MCHpP, MBzP, MEHP, MEHHP, MEOHP, MECPP, MCP, MOP, MiNP, MCiNP, MCiOP, MCMHP, MHBp, MHIDP, MHINP, MiDP, MOiDP, MOiNP) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	114,0
80307						CTQ	1-Hydroxypyrrène (urine) (GC-MS-MS)		Résultat	Supra	110,0
80310						CTQ	Benzodiazépines (sérum) (LC-MS-MS) inclut 21 substances		Résultat	Supra	98,0
80312						CTQ	Duloxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80317						CTQ	9-hydroxyrispéridone (Palipéridone ou Invega) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80319						CTQ	Antinéoplasiques (cyclophosphamide, ifosphamide, alpha-fluoro-beta-alanine, méthotrexate) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	75,0
80346						CTQ	Cocaine (inclut les métabolites : benzoylecgonine et ecgonine méthylester) (quantitatif) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80347						CTQ	Métabolites des pyréthriinoïdes (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	88,0
80350						CTQ	Alkylphosphates (DEDTP, DEP, DETP, DMDTP, DMP, DMTP) (urine) (APGC-MS-MS)		Résultat	Supra	68,0
80351						CTQ	Bore (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	76,0
80352						CTQ	Buprénorphine, métabolites et naloxone qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80353						CTQ	Dépistage qualitatif des xénobiotiques et métabolites (sang/sérum/plasma/urine/liquides) (LC-MS-MS) inclut 290+ substances		Résultat	Supra	81,0
80362						CTQ	Cannabinoïdes synthétiques qualitatif (urine) (LC-MS-MS) inclut 24 substances		Résultat	Supra	124,0
80363						CTQ	Escitalopram (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80365						CTQ	Hallucinogènes et psychédéliques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS), inclut LSD, LSZ, 25B,25C,25H,25I-NBOMe, dimethyltryptamine, mescaline, psilocin		Résultat	Supra	65,0
80367						CTQ	Mytragynine qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80368						CTQ	Methylphénidate et acide ritalinique qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80369						CTQ	Méthqualone qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80371						CTQ	Nouveaux opioïdes synthétiques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut AH-7921, desomorphine, MT-45, U-47700, U-49900, W-18		Résultat	Supra	65,0
80372						CTQ	6-acétylmorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80373						CTQ	Acétylfentanyl (qualitatif) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80374						CTQ	Buprénorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0



**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., Vpif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80375						CTQ	Butorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80376						CTQ	Codéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80377						CTQ	Dextrométorphane (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80378						CTQ	Dextroprhane/lévorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80379						CTQ	Dihydrocodéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80380						CTQ	Fentanyl (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80381						CTQ	Hydrocodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80382						CTQ	Hydromorphone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80383						CTQ	Mépéridine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80384						CTQ	Méthadone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80385						CTQ	Morphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80386						CTQ	Naloxone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80387						CTQ	Naltrexone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80388						CTQ	Oxycodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80389						CTQ	Oxymorphone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80390						CTQ	Pentazocine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80391						CTQ	Propoxyphène (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80392						CTQ	Tapentadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80393						CTQ	Tramadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80394						CTQ	Spéciation mercure (méthylmercure) (GC-ICP-MS)		Résultat	Supra	88,0
80395						CTQ	Arsenic total (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80396		C	D			CTQ	Platine (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80397		C	D			CTQ	Thorium (cheveux/ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80398						CTQ	Tungstène (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80399						CTQ	Vanadium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80400						CTQ	Aripiprazole (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* | : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., Vif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80401						CTQ	Carfentanil qualitatif (sang/sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80402						CTQ	Carfentanil et norcarfentanil qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80403						CTQ	Furanylfentanyl qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80404						CTQ	U-47700 qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80405						CTQ	PCP, 3-MeO-PCP et 4-MeO-PCP qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80406						CTQ	MDPV (qualitatif) (sels de bain) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80409						CTQ	Thorium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80410						CTQ	Dépistage haute sensibilité des opioïdes, fentanyl et dérivés (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 39 substances		Résultat	Supra	81,0
80411						CTQ	Triclosan, BPA et ses analogues (BPB, BPC, BP Cl <sub>2</sub> , BPE, BPF, BPS, BPZ, BP4,4', BPAF, BPAP, BPA TM, Tétrabromobisphénol A, Tétrachlorobisphénol A, DHDPE) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	140,0
80412						CTQ	Glyphosate, glufosinate et leurs métabolites (AMPA et 3-MPPA) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	111,0
80413						CTQ	Aluminium (dialysat)		Résultat	Supra	150,0
80414						CTQ	Fluorure (sérum)		Résultat	Supra	103,0
80415						CTQ	Métabolites du benzène et du toluène (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	122,0
80416						CTQ	Cholestérol libre et phospholipides (sérum) (immunoenzymatique; analyseur Indiko Plus)		Résultat	Supra	42,0
80417						CTQ	Opioïdes libres (sang/sérum/plasma) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	98,0
80419						CTQ	Cérium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80420						CTQ	Lanthane (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80421						CTQ	Yttrium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80422						CTQ	Praséodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80423						CTQ	Néodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80424						CTQ	Gadolinium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80425						CTQ	Brome (sang) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80426						CTQ	Cuivre et fer (biopsie) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	138,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
80427						CTQ	Acide 2,4-dichlorophénoxyacétique (2,4-D), acide 2,4,5-trichlorophénoxyacétique (2,4,5-T), Dicamba, métabolite du pirimiphos (DEAMPY), métabolite du diazinon (IMPY), Métabolite du malathion (MDA), métabolite du parathion (4-nitrophénol), métabolite du chlorpyrifos (3,5,6-trichloropyridinol) et métabolites des pyréthrinoïdes (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	175,0
80428	*					CTQ	Confirmation médicaments et drogues		Résultat	Supra	87,0
80429		N				CTQ	Confirmation médicaments et drogues, multianalytes		Résultat	Supra	103,0
80430		N				CTQ	Césium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	53,0
81000		C				LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) sur spécimen clinique à culture négative		Résultat	Supra	85,0
81001						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); identification (phénotypie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81002						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilonométrie)		Résultat	Supra	1,0
81003						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81004						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilonométrie)		Résultat	Supra	1,0
81005		C				LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); analyse des souches discordantes (TAAN)		Résultat	Supra	27,0
81010						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81011						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81015						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i> ); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81016						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i> ); antibiogramme (dilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81017						LSPQ - bact.	Cocci Gram négatif (autre qu'anaérobie et <i>Neisseriaceae</i> ); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81020		C	D			LSPQ - bact.	Anaérobies; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	17,1
81021		C				LSPQ - bact.	Anaérobies; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	37,0
81024		C				LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	58,0
81030						LSPQ - bact.	Campylobacter spp.; confirmation (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81031						LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) O157:H7 et O157H non mobile; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81032						LSPQ - bact.	<i>Listeria monocytogenes</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81033						LSPQ - bact.	<i>Salmonella</i> spp.; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
81034		C	D			LSPQ - bact.	<i>Shigella</i> spp.; programme de surveillance		Résultat	Supra	1,0
81035						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; identification et sérogroupage (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81036						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; antibiogramme (epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81038						LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) autre que O157; isolement, identification (TAAN, sérotypage) sur bouillon		Résultat	Supra	1,0
81040						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81041						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81042						LSPQ - bact.	Entérocooccus spp. ; détection des gènes van A-G (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81043						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> ( <i>Clostridium difficile</i> ); confirmation (TAAN et ribotypage)		Résultat	Supra	1,0
81044						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> ( <i>Clostridium difficile</i> ); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0
81045						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> ( <i>Clostridium difficile</i> ); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81050						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection mecA (SARM) (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81051						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection PVL (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81052						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; confirmation SARM-AC (typage spa)		Résultat	Supra	1,0
81053						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection toxine tsst-1 (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81054						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme - vancomycine seulement (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81055						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme - panel complet (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81056						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0
81057						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; programme de surveillance SARM		Rapport	Supra	1,0
81060						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pyogenes</i> ; programme de surveillance (séquençage emm)		Rapport	Supra	1,0
81063						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81064						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81065						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; sérogroupage (agglutination)		Résultat	Supra	1,0
81066						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81067						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
81069		C				LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	23,0
81070						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81071		C				LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	85,0
81072						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81073						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81074						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81076						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) sur liquide biologique stérile	1	Résultat	Supra	1,0
81080						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
81081						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; identification (TAAN, spectrométrie de masse - MALDI-TOF, sérogroupage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81082						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; investigation d'éclosion		Rapport	Supra	1,0
81086						LSPQ - bact.	<i>Bordetella pertussis</i> ; identification (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81087						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81088						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détermination du type capsulaire (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81089						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81090						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81091						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; sérotypage (Quellung) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81092						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; identification (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81093						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81094						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81099						LSPQ - bact.	Investigation d'éclosion bactérienne (autre que <i>S.aureus</i> , <i>C. difficile</i> , <i>Legionella</i> , entéro-pathogène) (EGCP, FTIR)		Rapport	Supra	1,0
82001						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82002						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82003						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella</i> spp. ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82004						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella</i> spp. ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82005						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82006						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; identification (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
82007						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82008						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; identification (TAAN) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82009						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82010						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82011						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; identification (TAAN, IF) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82012						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia spp.</i> ; détection (anticorps)	3	Résultat	Supra	1,0
82013						LSPQ - bact. spéciale	<i>Clostridium botulinum</i> ; isolement, identification, toxinotypie (neutralisation)	4	Résultat	Supra	1,0
82014						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82015						LSPQ - bact. spéciale	<i>Corynebacterium diphtheriae</i> ; recherche et production de toxine (TAAN, test d'Elek)	1	Résultat	Supra	1,0
82016		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); confirmation (immunoblot IgG)		Résultat	Supra	43,0
82017		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); confirmation (immunoblot IgM)		Résultat	Supra	42,0
82018		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe ou en Asie); confirmation (immunoblot IgG)		Résultat	Supra	63,0
82020		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); détection (ELISA IgM/IgG) sur serum	1	Résultat	Supra	7,2
82021						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection (ELISA IgG) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	1	Résultat	Supra	1,0
82022						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82023		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe); détection (ELISA IgM/IgG) sur sérum	1	Résultat	Supra	7,2
82025						LSPQ - bact. spéciale	Borrelioses récurrentes; détection genre <i>Borrelia</i> dont <i>B. hermsii</i> et <i>B. miyamotoi</i> (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82026						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira spp.</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82027						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira spp.</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82028						LSPQ - bact. spéciale	<i>Coxiella burnetii</i> (fièvre Q); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82029						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bartonella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82030						LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82031						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia spp.</i> (groupe des fièvres pourprées); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82032						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia spp.</i> (groupe des fièvres pourprées); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
82033						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82034						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82035						LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82036		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (TAAN)		Résultat	Supra	20,0
82037						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82038						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82040						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; confirmation (anticorps) sur sérum		Résultat	Supra	1,0
82041						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (VDRL) sur LCR		Résultat	Supra	1,0
82042						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82050		C				LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia trachomatis</i> LGV; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	27,0
82051						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen respiratoire	1	Résultat	Supra	1,0
82052						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia psittaci</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82059						LSPQ - bact. spéciale	<i>Haemophilus ducreyi</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82061						LSPQ - bact. spéciale	<i>Mycoplasma genitalium</i> ; détection de résistance (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
83002						LSPQ - virologie	Adénovirus; génotypage (séquençage) sur isolats viraux	1	Résultat	Supra	1,0
83003		C				LSPQ - virologie	Zika, Dengue, Chikungunya; détection (TAAN)(multiplex) sur sérum, LCR, urine, liquide amniotique		Résultat	Supra	28,0
83004						LSPQ - virologie	Zika; détection (TAAN) sur placenta	1	Résultat	Supra	1,0
83005		C	Réf, VP			LSPQ - virologie	Zika; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83006		C				LSPQ - virologie	Dengue; détection (anticorps)		Résultat	Supra	42,0
83007		C				LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgM) sur sérum		Résultat	Supra	20,0
83008		C				LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	23,0
83009						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83010						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83011						LSPQ - virologie	Sérogroupe Californie (Jamestown canyon, Snowshoe hare); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83012						LSPQ - virologie	Cache Valley; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83013						LSPQ - virologie	Powassan; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
83014						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83015						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83016						LSPQ - virologie	Encéphalite à tiques; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83017						LSPQ - virologie	Encéphalite équine de l'est; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83018						LSPQ - virologie	Encéphalite japonaise; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83019						LSPQ - virologie	Fièvre jaune; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83020						LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83021		N				LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83030						LSPQ - virologie	Hépatite A (VHA); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0
83031						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); test supplémentaire (anti-HBc) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83032						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); confirmation (HBsAg) (antigène)		Résultat	Supra	1,0
83033						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83034						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83035						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); confirmation (anti-VHC) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83036	*					LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83037						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83038						LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83039						LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); charge virale (TAAN quantitatif)	1	Résultat	Supra	1,0
83040						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83041						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0
83042		C	VPr			LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (anticorps)		Rapport	Supra	19,0
83043		C				LSPQ - virologie	RITA : Algorithme d'épreuves de laboratoire pour l'identification des infections récentes par le VIH		Rapport	Supra	41,0
83044						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); confirmation (anticorps et/ou antigène) sur sérum		Résultat	Supra	1,0
83046						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); détection et confirmation (antigène p24)		Résultat	Supra	1,0
83047		C	D			LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); ADN proviral (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
83048						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH-2); charge virale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation



Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
83049						LSPQ - virologie	HTLV 1 et 2; confirmation (anticorps)	5	Résultat	Supra	1,0
83050						LSPQ - virologie	Influenza A et B; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83051		C				LSPQ - virologie	Influenza A; sous-typage (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	24,0
83052						LSPQ - virologie	Influenza A; caractérisation antigénique (inhibition de l'hémagglutination)		Résultat	Supra	1,0
83053						LSPQ - virologie	Influenza A aviaire (H5, H7, H9); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83054						LSPQ - virologie	Coronavirus (MERS-CoV); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83055		C				LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	21,0
83056						LSPQ - virologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex 18 virus et 3 bactéries (TAAN homologué); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
83060						LSPQ - virologie	Gastroentérite d'allure virale; détection de virus entériques (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83061		C				LSPQ - virologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN homologué) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	179,0
83065						LSPQ - virologie	BK/JC polyomavirus; détection (TAAN) sur LCR, biopsie	1	Résultat	Supra	1,0
83069						LSPQ - virologie	Entérovirus; détection et génotypage (sauf poliovirus) (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83070						LSPQ - virologie	Poliovirus; détection et génotypage (séquençage) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83075						LSPQ - virologie	Herpès B; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83076						LSPQ - virologie	Virus de la varicelle et du zona (VZV): génotypage souche vaccinale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83085						LSPQ - virologie	Rougeole; génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83086						LSPQ - virologie	Rubéole; (IgG) (mesure de l'avidité)	1	Résultat	Supra	1,0
83087						LSPQ - virologie	Rubéole; détection et génotypage (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83088						LSPQ - virologie	Oreillons; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83089		C	Réf			LSPQ - virologie	Orthopoxvirus simien; détection (TAAN)		Résultat	Supra	47,0
83090						LSPQ - virologie	Molluscum contagiosum; détection (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83091						LSPQ - virologie	Rage; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83092						LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : confirmation (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83094						LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : séquençage prioritaire		Résultat	Supra	1,0
83095		N				LSPQ - virologie	MPOX; détection (TAAN)		Résultat	Supra	57,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
84001						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84002						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84003						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84004						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84005						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; confirmation (délétion, séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84006						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; antibiogramme (concentration critique) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84007						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection résistance rifampicine (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	76,0
84008						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection des gènes de résistance (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84009						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; typage moléculaire (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84010						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; identification (délétion, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84011						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
86001						LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification (autres que microsporidies) (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86002						LSPQ - parasito.	<i>Cryptosporidium</i> spp.; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86004						LSPQ - parasito.	Microsporidies; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86005						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica /dispar</i> (amibiase); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
86006						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica</i> (amibiase); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86010						LSPQ - parasito.	Vers; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86011						LSPQ - parasito.	Ectoparasites (acariens, tiques, poux, puces, punaises, larves de mouche); identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86023						LSPQ - parasito.	<i>Baylisascaris procyonis</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86027						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticerose); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86028						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticerose); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86029						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86030						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86031						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique	6	Résultat	Supra	1,0
86032						LSPQ - parasito.	<i>Paragonimus</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86033		C	D, Réf, VPr			LSPQ - parasito.	<i>Strongyloides</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	9,0

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
86035						LSPQ - parasito.	<i>Gnathostoma spinigerum</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86036						LSPQ - parasito.	<i>Fasciola hepatica</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86051						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86052						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86054						LSPQ - parasito.	<i>Babesia microti</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86055						LSPQ - parasito.	<i>Babesia</i> spp.; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
86064						LSPQ - parasito.	Filaires (filarioses) : détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86069						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp. (culture)	6	Résultat	Supra	1,0
86070						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86071						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86072						LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> spp; identification (microscopie) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
86073		C	D, Réf, VPr			LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> ; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	7,0
86074						LSPQ - parasito.	<i>Toxocara</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86075						LSPQ - parasito.	<i>Trichinella</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86076						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86077						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86078						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86079						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86080						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; confirmation (IgG-IgM) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
86081						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; avidité (IgG) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
86082						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
87001						LSPQ - mycologie	Levures; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87002						LSPQ - mycologie	Levures; antifongigramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87003		C	D, VPr			LSPQ - mycologie	<i>Candida auris</i> ; confirmation (MALDI) et séquençage; test de sensibilité et séquençage génomique (LNM)	1	Résultat	Supra	19,5
87004						LSPQ - mycologie	Levures; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87018						LSPQ - mycologie	(1-3)-β-D-glucane sérique (dosage)		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées \* : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

**ANALYSES 2024-2025**  
**DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)**

Code	Réf. texte	Modif	Type mod., VPrif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 24-25
87020						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; identification (microscopie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87021						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; antifongogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87022						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87030						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; détection (TAAN) sur spécimen primaire *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87031						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; identification (TAAN, microscopie) sur colonie *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87034		C				LSPQ - mycologie	Coccidioides immitis; détection (anticorps)		Résultat	Supra	63,0
87050		C				LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; détection (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	52,0
87051						LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; investigation d'éclosion (génotypage)		Rapport	Supra	1,0
88002						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dénombrement bactérien (membrane filtrante)		Résultat	Supra	22,0
88003						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; endotoxines bactériennes (LAL Gel-Clot)		Résultat	Supra	18,8
88004						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; anions (chromatographie ionique)		Résultat	Supra	25,0
88005						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; chlore résiduel total (titrimétrie)		Résultat	Supra	13,5
88006		C				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; carbone organique total (oxydation)		Résultat	Supra	31,0
88007		C				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; métaux (en sous-traitance)		Résultat	Supra	134,0
88008		C				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; pH (électrométrie)		Résultat	Supra	17,5
88009		C				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; conductivité (électrométrie)		Résultat	Supra	7,0
88010		C				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; silice réactive (colorimétrie)		Résultat	Supra	17,7
88011						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dureté totale (en sous-traitance)		Résultat	Supra	47,0
90000						PNR	Procédures non répertoriées (PNR)			Supra	1,0
95000						PNR	Coût en \$\$ des PNR			Supra	1,0

Techniques de dosage des anticorps			
Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Agglutination passive	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Agglutination indirecte</li> <li>• Particle agglutination test</li> <li>• Particle latex assay (LA, PLA)</li> <li>• Hémagglutination</li> <li>• Hemagglutination assay (HA)</li> <li>• Flocculation</li> <li>• Agglutination sur lame</li> <li>• Slide agglutination</li> </ul>	Réaction d'agglutination obtenue à partir de particules inertes (ex. : latex) servant de simple support à des antigènes solubles qui y ont été artificiellement fixés. On parle d'agglutination passive inversée lorsque la méthode utilise des particules recouvertes d'anticorps servant à détecter des antigènes.	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Monotest</li> <li>• Détection antigénique du cryptocoque</li> <li>• Détection de l'antigène du streptocoque du groupe A</li> <li>• Venereal Disease Research Laboratory test (VDRL)</li> <li>• Rapid Plasma Reagin (RPR)</li> <li>• Treponema pallidum particle agglutination test (TPPA)</li> </ul>
Agglutination en tube	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Microagglutination</li> </ul>	Des dilutions successives d'un sérum à tester sont mises en contact avec une concentration connue et constante de l'antigène ou du microorganisme correspondant. L'épreuve de microagglutination se fait dans les puits d'une microplaque.	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Sérologie <i>Brucella sp.</i></li> <li>• Sérologie <i>Francisella tularensis</i></li> <li>• Sérologie <i>Leptospira interrogans</i></li> </ul>
Épreuve d'inhibition de l'hémagglutination	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Hemagglutination inhibition assay (HAI)</li> </ul>	Certains virus possèdent des hémagglutinines à leur surface, ce qui les rend capables d'agglutiner certains types de globules rouges. Cette propriété permet d'identifier des virus retrouvés en culture à l'aide d'un antisérum correspondant et permet également de détecter dans un échantillon clinique la présence d'anticorps spécifiques à un virus.	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Caractérisation antigénique des souches du virus de l'influenza</li> <li>• Sérologie pour le virus Powassan</li> </ul>
Immunobuvardage	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Buvardage de western</li> <li>• Western blot (WB)</li> <li>• Recombinant immunoblot assay (RIBA)</li> <li>• Line immunoassay (LIA)</li> </ul>	Les techniques d'immunobuvardage permettent de détecter la présence d'anticorps spécifiques dans un échantillon clinique. Si les anticorps recherchés sont présents dans le spécimen analysé, ils réagissent d'abord avec leurs antigènes cibles (recombinants ou non) qui ont été immobilisés sur une membrane par buvardage. Les anticorps peuvent ensuite être révélés par des autoanticorps couplés à un chromogène.	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Tests de confirmation pour différentes sérologies (ex. : VIH, hépatite C, syphilis, Lyme)</li> </ul>
Immunoélectrophorèse	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Immunoelectrophoresis</li> <li>• Immunoélectrophorèse croisée</li> <li>• Électrosynérèse</li> <li>• Contre-immunoélectrophorèse</li> <li>• Counter immunoelectrophoresis</li> </ul>	Méthode d'électrophorèse consistant à effectuer d'abord la séparation des constituants d'un mélange antigénique en fonction de leur mobilité dans un gel soumis à un champ électrique et, dans un deuxième temps ou simultanément, à identifier ces antigènes par réaction immunologique spécifique.	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Détection d'anticorps anti-Aspergillus</li> </ul>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunofluorescence	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Immunofluorescence directe</li> <li>• Direct immunofluorescence assay (DFA)</li> <li>• Immunofluorescence indirecte</li> <li>• Indirect immunofluorescence assay (IFA)</li> <li>• Immuno-fluorescent Assay (IFA)</li> <li>• Fluorescent assay (FA)</li> <li>• Fluorescence immunoassay (FIA)</li> <li>• Fluorescent-antibody-to-membrane-antigen (FAMA)</li> </ul>	<p>Technique de détection immunologique dans laquelle la présence d'un antigène ou d'un anticorps est révélée dans une cellule, un tissu ou autre type d'échantillon biologique par fixation avec l'anticorps correspondant marqué avec une substance fluorescente. Il existe diverses méthodes d'immunofluorescence parmi lesquelles l'immunofluorescence directe et l'immunofluorescence indirecte, et il existe des techniques microscopiques ou automatisées. Les techniques microscopiques requièrent une bonne expertise.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Sérologie fièvre Q</li> <li>• Détection rapide du virus Varicella-Zoster sur spécimen clinique</li> <li>• Détection directe de <i>Pneumocystis jirovecii</i> sur spécimen clinique</li> <li>• Fluorescent treponemal antibody-absorption test (FTA-Abs)</li> </ul>
Méthode immunoenzymatique	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Essai immunoenzymatique</li> <li>• Dosage immunoenzymatique</li> <li>• Enzyme immunoassay (EIA)</li> <li>• Enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA)</li> <li>• Immunochromatographie</li> <li>• Lateral flow immunoassay</li> </ul>	<p>Épreuve de dosage immunologique qui utilise des réactifs marqués par des enzymes pour détecter les anticorps ou les antigènes. La méthode EIA la plus répandue est l'ELISA, dans laquelle des anticorps de laboratoire conjugués à une enzyme sont utilisés pour révéler les anticorps, antigènes ou haptènes recherchés dans un échantillon biologique. Différents types d'anticorps peuvent être détectés tels que des IgG ou des IgM. Les techniques peuvent être automatisées ou manuelles, et elles peuvent être qualitatives ou quantitatives</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Sérologie hépatites (anticorps comme anti-HBs et antigène comme HBs Ag)</li> <li>• Sérologie rubéole</li> <li>• Sérologie VIH (anticorps et antigène p24)</li> <li>• Sérologie CMV</li> <li>• Sérologie syphilis</li> </ul>
Neutralisation	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Neutralisation de la toxine botulinique chez la souris</li> <li>• Séroneutralisation par réduction des plages, en anglais Plaque reduction neutralization test (PRNT)</li> </ul>	<p>La neutralisation représente la capacité qu'ont certains anticorps de neutraliser l'activité biologique de certains antigènes ou des microorganismes porteurs de ces derniers.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• PRNT utilisée au LNM pour la confirmation de certaines sérologies (ex. : dengue, VNO, encéphalite équine de l'Est)</li> <li>• Sérologie antirabique au LNM</li> <li>• Confirmation d'une toxine botulinique à Ottawa</li> </ul>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'avidité	<ul style="list-style-type: none"> <li>Avidity</li> </ul>	<p>L'avidité des IgG est liée à la maturation des sous-classes d'IgG qui, d'anticorps à faible capacité de liaison, deviennent des anticorps à forte capacité de liaison avec le temps après une première exposition à l'antigène. Par conséquent, les IgG de faible avidité sont une indication d'une infection aiguë, alors que les IgG de forte avidité sont une indication d'une infection passée ou d'une réinfection. Un test d'avidité compare les résultats dans une série de puits en présence d'un dénaturant (ex. : urée) aux résultats dans des puits sans dénaturant. Les IgG de faible avidité sont lavés par le dénaturant et sont détectés par une baisse importante de la quantité d'IgG dans les puits avec dénaturant comparativement aux puits sans dénaturant.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Avidité des IgG anti-rubéole, anti-toxoplasmose ou anti-VNO</li> </ul>

## Techniques de biologie moléculaire

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Sonde moléculaire (hybridation)	<ul style="list-style-type: none"> <li>Probe</li> <li>Nucleic probe</li> <li>Fluorescence in situ hybridization (FISH)</li> <li>Colorimetric in situ hybridization (CISH)</li> <li>Line probe assay (LiPA)</li> </ul>	<p>Détection d'une séquence précise d'acides nucléiques à l'aide d'une sonde moléculaire (séquence d'acides nucléiques) complémentaire. Il existe plusieurs formats de tests (phase solide, phase liquide, ou in situ) et plusieurs méthodes de détection pour révéler l'hybridation (luminescence, colorimétrie ou fluorescence). Par exemple, les sondes peuvent être couplées à une molécule fluorescente ou à une enzyme capable de produire une couleur à partir d'un substrat.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Identification de microorganismes par sondes d'ADN (ex. : mycobactéries, streptocoque du groupe A)</li> <li>Diagnostic de certaines aneuploïdies (ex. : FISH pour la trisomie 21)</li> </ul>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunodétection d'hybrides (capture d'hybrides)	<ul style="list-style-type: none"> <li>Hybrid Capture (test commercial)</li> </ul>	<p>Cette technique débute par l'hybridation de l'ADN ciblé par des sondes d'ARN spécifiques. Les hybrides moléculaires formés sont ensuite détectés par des anticorps spécifiques (des anticorps ciblant des molécules ADN-ARN). Ces anticorps sont couplés à une enzyme qui, en présence d'un substrat particulier, produit de la lumière. Plusieurs anticorps peuvent se lier à un même hybride moléculaire. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Détection du VPH dans un spécimen de col utérin par le test commercial Hybrid Capture</li> </ul>
Technique de l'ADN ramifié	<ul style="list-style-type: none"> <li>Branched DNA (bDNA)</li> </ul>	<p>Une fois la séquence d'acides nucléiques ciblée immobilisée sur un support solide grâce à une sonde spécifique ancrée, une cascade de sondes (dont certaines sont ramifiées) s'hybrident entre elles se terminant par de multiples sondes lumineuses. Le signal lumineux ainsi généré peut être détecté et quantifié. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>Mesure de la charge virale (VIH, hépatite B, hépatite C) et détection de <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> avec les troussees Versant (Siemens)</li> </ul>



Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'amplification d'acides nucléiques (TAAN)	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Amplification en chaîne par polymérase (en anglais polymerase chain reaction, PCR)</li> <li>• Quelques exemples de variantes de la PCR :               <ul style="list-style-type: none"> <li>– PCR en temps réel (real-time PCR, qPCR)</li> <li>– PCR emboîtée ou imbriquée (nested PCR)</li> <li>– PCR précédée d'une transcription inverse (reverse transcription PCR, RT-PCR)</li> <li>– PCR multiplex</li> <li>– PCR in situ</li> <li>– Methylation-specific PCR (MSP)</li> <li>– dPCR (digital PCR)</li> <li>– ddPCR (droplet digital PCR)</li> </ul> </li> <li>• Exemples de méthodes d'amplification d'acides nucléiques dites « isothermes » (méthodes différentes de la PCR) :               <ul style="list-style-type: none"> <li>– Strand displacement amplification (SDA)</li> <li>– Transcription mediated amplification (TMA)</li> <li>– Nucleic acid sequence-based amplification (NASBA)</li> <li>– Loop-mediated amplification (LAMP)</li> <li>– Technologie Invader®</li> <li>– Ligase chain reaction (LCR)</li> </ul> </li> </ul>	<p>Les tests d'amplification d'acides nucléiques sont des procédés d'amplification enzymatiques in vitro permettant de faire de multiples copies d'une courte séquence d'ADN ou d'ARN, et ce, jusqu'à ce que la quantité de copies soit détectable. La PCR utilise une enzyme appelée polymérase et comporte des cycles successifs (généralement de 20 à 40) d'amplification menant à une multiplication exponentielle du fragment d'ADN. Pour procéder à l'amplification d'une séquence d'ARN par PCR, il faut d'abord obtenir une copie d'ADN par transcription inverse. Une PCR multiplex permet d'amplifier dans la même réaction plusieurs séquences d'ADN spécifiques (ex. : PCR pour <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i>). Avec la PCR traditionnelle, les copies d'acides nucléiques obtenues après amplification sont détectées par migration (électrophorèse) sur un gel d'agarose contenant du bromure d'éthidium (composé fluorescent) et sont ensuite révélées par exposition à des rayons ultraviolets. Dans la PCR en temps réel ainsi que la plupart des méthodes d'amplification isothermes, grâce à des fluorophores déjà présents dans le mélange réactionnel, les copies d'acides nucléiques engendrent la production de fluorescence au fur et à mesure qu'elles sont synthétisées jusqu'à l'obtention d'un seuil détectable. Les fluorophores utilisés dans les TAAN en temps réel sont souvent couplés à des sondes nucléiques spécifiques à la séquence cible. Contrairement à la PCR, les méthodes d'amplification isothermes utilisent des enzymes différentes et ne requièrent pas de cycles successifs de changement de température. La réaction en chaîne par polymérase numérique (dPCR) est un raffinement biotechnologique des méthodes conventionnelles de réaction en chaîne par polymérase qui peuvent être utilisées pour quantifier directement les acides nucléiques. La ddPCR est un PCR digital réalisé sur une émulsion eau-huile de gouttelette.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Détection de <i>C. trachomatis</i> et <i>N. gonorrhoeae</i> à partir d'écouvillonnages génitaux, anaux ou pharyngés</li> <li>• Détection d'influenza ou autres virus respiratoires dans les spécimens respiratoires</li> <li>• Détection de <i>Clostridioides difficile</i> toxigène dans les selles</li> <li>• Détection de <i>Mycobacterium tuberculosis</i></li> <li>• Détection de VPH à partir de spécimens génitaux</li> <li>• Détection du virus herpes (HSV-1 et HSV-2) à partir d'écouvillonnages (peau ou muqueuses) ou dans le liquide céphalorachidien (LCR)</li> <li>• Détection d'entérovirus dans le LCR</li> <li>• Détection du <i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM)</li> <li>• Détection de l'entérocoque résistant à la vancomycine (ERV)</li> <li>• Mesure de charges virales (ex. : VIH, hépatite B, hépatite C, CMV, EBV, adénovirus, JC/BK)</li> </ul>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Séquençage d'acides nucléiques	<ul style="list-style-type: none"> <li>• DNA sequencing</li> <li>• Méthode Sanger</li> <li>• Pyroséquençage</li> <li>• Séquençage de nouvelle génération (SNG), NGS ou séquençage de 2e génération (séquençage massif en parallèle, séquençage à haut débit, <b>séquençage à « longues lectures »</b>)</li> <li>• Séquençage de 3e génération (séquençage de molécules uniques)</li> </ul>	<p>Le séquençage de l'ADN est la détermination de l'ordonnement linéaire des nucléotides d'une molécule d'ADN. La méthode traditionnelle de Sanger fonctionne par terminaison des chaînes de nucléotides lors de l'amplification grâce à des nucléotides fluorescents qui bloquent l'amplification subséquente. On procède ensuite à la détection de ces chaînes par électrophorèse (de la plus courte à la plus longue) et de leur nucléotide terminal fluorescent. Le pyroséquençage consiste à copier la molécule à séquencer au fur et à mesure en ajoutant des nucléotides un à la fois. Lorsque le bon nucléotide est ajouté au mélange réactionnel, une réaction enzymatique produit de la lumière. Les séquenceurs de 2e génération amplifient de façon très importante des fragments des acides nucléiques à séquencer, et le séquençage se fait soit par pyroséquençage, par synthèse ou par ligation. <b>Le séquençage à « longues lectures » ou long read est une variante du SNG qui permet de lire de plus long fragment d'ADN que la technique de SNG habituelle.</b> Le séquençage de 3e génération permet le séquençage direct d'une seule molécule d'acides nucléiques sans avoir recours à l'amplification et peut séquencer directement de l'ARN sans conversion préalable en ADN.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Génotypage de virus (ex. : VIH, hépatite C, influenza)</li> <li>• Détection de mutations conférant de la résistance à des antimicrobiens (ex. : VIH, hépatite C, CMV)</li> <li>• Identification de microorganismes (ex. : bactéries)</li> <li>• Détection de mutations génétiques humaines associées à certaines maladies (ex. : fibrose kystique)</li> <li>• Détection de mutations génétiques humaines influençant le métabolisme de certains médicaments</li> <li>• Détermination du complexe majeur d'histocompatibilité</li> </ul>
MLPA	<ul style="list-style-type: none"> <li>• <i>Multiplex ligation-dependent probe amplification</i></li> </ul>	<p>La MLPA (<i>multiplex ligation-dependent probe amplification</i> ou amplification multiplex de sondes dépendant d'une ligation) est une variante de la PCR multiplex dans laquelle les deux parties qui composent la sonde doivent se lier à l'ADN pour que l'amplification ait lieu. Cette méthode semi-quantitative est utilisée pour dénombrer les copies d'une même séquence dans un brin d'ADN.</p>	<p>Identification de délétions et de duplications d'un ou de plusieurs exons</p>

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
MALDI-TOF	<ul style="list-style-type: none"> <li>• <i>Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation – Time of Flight mass spectrometry</i> (MALDI-TOF)</li> </ul>	<p>Un instrument de type MALDI-TOF est un spectromètre de masse couplant une source d'ionisation de type laser assistée par une matrice (MALDI, Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation) et un analyseur à temps de vol (TOF, time-of-flight mass spectrometry). Sous l'influence du laser, les différentes biomolécules (protéines, peptides, sucres) sont ionisées et détachées du substrat (la matrice), et en fonction de leur charge électrique mais surtout de leur masse, chaque molécule nécessite un temps précis pour atteindre le détecteur. Lorsque la résolution est de bonne qualité, on obtient un spectre sur lequel chaque molécule génère un pic unique, et ce spectre peut être comparé à une banque de données afin d'obtenir l'identification de différentes substances ou d'un microorganisme.</p>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• Identification rapide de microorganismes</li> <li>• Plusieurs autres applications sont en développement</li> </ul>



Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
20624	Hémato-greffe	Culture cellulaire des BFU-E ou CFU-GEMM (avec agents thérapeutiques)	L'analyse n'est plus effectuée par les laboratoires producteurs.	
20723	Hémato-immunologie	Anti-muscle cardiaque	Retrait du code. Effectuer un envoi hors Québec au besoin.	
20947	D. mol. hémato-greffe	HLA (séquençage) (résolution d'ambiguïtés)	L'analyse n'est plus réalisée par le laboratoire désigné (HMR). Remplacée par le séquençage de nouvelle génération.	20968
21032	Hémato-érythrocytaire	Phosphatase acide (réduction au tartrate) intracellulaire	Ce code n'est plus pertinent.	
30122	Bio-clinique	CK-MB enzymatique		
30208	Bio-clinique	Décompte des corps lamellaires		
30216	Bio-clinique	Graisses fécales (quantitatif)	Retrait du code. Effectuer un envoi hors Québec au besoin.	
30280	Hémato-cytochimie	Immunophosphatase alcaline (APAAP) (par lame)	L'analyse n'est plus effectuée par les laboratoires producteurs.	
30310	Bio-clinique	Lysozyme (muramidase)	Retrait du code. Effectuer un envoi hors Québec au besoin.	
30395	Bio-clinique	Porphyrines (urine) (qualitatif)	Le laboratoire désigné (CHUS) ne la produit plus.	
30410	Bio-clinique	Pseudocholinestérase totale seulement	Retrait du code, n'est plus pertinent.	
40045	Micro-bact.	Chlamydia (shell vial)		
40182	Micro-bact.	Mycoplasma hominis, Ureaplasma (culture)	L'analyse n'est plus réalisée.	
40511	Micro-viro.	Épreuve de sensibilité aux antiviraux pour le virus HSV, CMV, VVZ (IC50) (par virus)	Le laboratoire désigné ne produit plus.	
40630	Micro-imm-séro.	Coronavirus (SRAS-CoV-2) (IgG ou Ac totaux)	Retrait du code, n'est plus pertinent.	
41380	Micro-bact.	Clostridioides difficile (toxines A et B) (culture cellulaire) (selles)	Retrait du code, n'est plus pertinent.	
41413	Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)	Ce code n'est plus utilisé.	
45037	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : criblage général de variant à surveillance rehaussée	Retrait du code, n'est plus pertinent.	
45039	D. mol. infectiologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : criblage spécifique de variant à surveillance rehaussée	Retrait du code, n'est plus pertinent.	
45046	D. mol. infectiologie	Influenza A; sous typage (ex. H1N1) (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Code retiré. L'analyse est réalisée au LSPQ.	
45058	D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); dépistage (TAAN) (qualitatif) sur spécimen clinique		
45064	D. mol. infectiologie	Herpes simplex type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Retrait du code, remplacée par le code 45065.	45065
45110	D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VVZ); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique	Retrait du code, remplacée par le code 45065.	45065
55222	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); CFTR; (TAAN, mutation individuelle)	Retrait du code. Le laboratoire désigné ne la produit plus.	
80109	CTQ	Acébutolol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code. La méthode n'est plus disponible.	
80136	CTQ	Étain (Tissus) (ICP-MS)		
80138	CTQ	Fer (Tissus) (ICP-MS)		

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
80145	CTQ	Magnésium (tissus) (ICP-MS)		
80293	CTQ	Iode (cheveux/tissus) (ICP-MS)	La méthode n'est plus disponible.	
80408	CTQ	Tungstène (tissus) (ICP-MS)	La méthode n'est plus disponible.	
81006	LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); programme de surveillance	Programme de surveillance effectuée par le SPIN.	
83058	LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2); confirmation (anticorps IgG) sur sérum		
83093	LSPQ - virologie	Coronavirus (SRAS-CoV-2) : criblage de variant à surveillance rehaussée	Analyse retirée.	
86003	LSPQ - parasito.	Cryptosporidium spp.; investigation d'éclosion (typage)	L'analyse pourra être réalisée dans un cadre d'éclosion ponctuelle, mais ne fait pas partie de l'offre de service régulière du LSPQ.	

Tableau 2 – Liste des phénotypes rares (code 10137)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
1150	Cw phénotype	15088	Cob phénotype
1475	K11 Phénotype	20070	Kpa phénotype segment 1
1480	Kpa Phénotype	20075	Kpb phénotype segment 1
1485	Kpb Phénotype	20090	Lua phénotype segment 1
1530	Lua phénotype	20095	Lub phénotype segment 1
1535	Lub phénotype	30070	Kpa phénotype segment 2
1830	Wright phénotype	30075	Kpb phénotype segment 2
4040	Cw phénotype culot	30090	Lua phénotype segment 2
4045	Cw phénotype culot (reprise)	30095	Lub phénotype segment 2
4150	K11 Phénotype culot	40070	Kpa phénotype segment 3
4155	K11 Phénotype culot (reprise)	40075	Kpb phénotype segment 3
4160	Kpa phénotype culot	40090	Lua phénotype segment 3
4165	Kpa phénotype culot (reprise)	40095	Lub phénotype segment 3
4170	Kpb phénotype culot	50070	Kpa phénotype segment 4
4175	Kpb phénotype culot (reprise)	50075	Kpb phénotype segment 4
4200	Lua phénotype culot	50090	Lua phénotype segment 4
4205	Lua phénotype culot (reprise)	50095	Lub phénotype segment 4
4210	Lub phénotype culot	60070	Kpa phénotype segment 5
4215	Lub phénotype culot (reprise)	60075	Kpb phénotype segment 5
4280	Wright phénotype culot	60090	Lua phénotype segment 5
4285	Wright phénotype culot (reprise)	60095	Lub phénotype segment 5
15078	Dia phénotype		

**Tableau 3 – Liste des phénotypes par méthode automatisée (code 10134)**

Code	Libellé	Code	Libellé
829	Rh/Kell Automatisé	1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés
833	Rh Kell Automatisé #2	1685	S s phénotypes automatisés
1051	C phénotype (Grand) Automatisé	4037	CcEe phénotype culot automatisé
1061	c phénotype (Petit) Automatisé	4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1072	CcEe phénotype automatisé	4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot
1171	E phénotype (Grand) Automatisé	4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot
1181	e phénotype (Petit) Automatisé	4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot
1301	Fya Fyb phénotype automatisé	4237	M N phénotypes automatisés culot
1445	Jka Jkb phénotype automatisé	4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1461	K (Kell) phénotype Automatisé	4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot
1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	4267	S s phénotypes automatisés culot
1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés	5085	Rh/Kell Automatisé pour culot
1537	Lua Lub phénotypes automatisés	5087	Rh Kell Automatisé pour culot #2
1555	M N phénotypes automatisés		



Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10000		Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus	1160	Dépistage aggl. froides	Inclut le code 1164, mais il ne doit pas être calculé en plus.
			1161	Dépist. agg. froides cordon	
			1162	Dépist. ISO. agg. froides	
			1163	Dépistage agglutinines froides OI	
			1330	Identification d'agglutinines froides	
10001		Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus	1691	Titrage agg. froides cell.OI à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
			1692	Titrage agg. froides cell.OI à 22 °C	
			1693	Titrage agg. froides cell.OI à 4 °C	
			1694	Titrage agg. froides cell.OI à 30 °C	
			1711	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
			1712	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 22 °C	
			1713	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 4 °C	
			1714	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 30 °C	
10002		Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) autocontrôles inclus	1690	Titrage agg. froides cell.OI	Inclut le code 1730, mais il ne doit pas être calculé en plus.
			1710	Titrage agg. froides cell.OI (petit)	
			1731	Titrage agg. Froide ISO	
			1732	Titrage agg. Froide ISO #2	
			1090	Allo-Absorption Anti-HLA sur HPC	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10007	*	Anticorps irréguliers (identification manuelle)	1082	Identification d'anticorps sur sérum absorbé	<p>Exemple de compilation pour code :</p> <p>Pour un même usager, vous utilisez votre panel initial de 11 cellules, puis votre panel enzymé de 11 cellules, et pour finir, vous sélectionnez 9 cellules discriminantes* supplémentaires. Vous devez alors compter 3 panels.</p> <p>Panel initial = 1 panel            Panel enzymé = trousse commerciale = 1 panel            9 cellules discriminantes = 1 panel            Donc 3 panels</p> <p>Décompte par tranche de 5 cellules discriminantes :</p> <p>0-4 = 0 panel            5-9 = 1 panel            10 = 2 panels</p> <p>Pour plus de détails, consulter la partie texte du Répertoire.</p>
			1340	Identification d'anticorps	
			12000	Panel supplémentaire #1	
			12001	Panel supplémentaire #2	
			12002	Panel supplémentaire #3	
			12003	Panel supplémentaire #4	
			12004	Panel supplémentaire #5	
10008	*	Allo ou auto adsorption à chaud	1086	Adsorption à chaud #1	
			1087	Adsorption à chaud #2	
			1088	Adsorption à chaud #3	
			1089	Adsorption à chaud #4	
10009	*	Allo ou auto adsorption à froid	1091	Adsorption à froid #1	
			1092	Adsorption à froid #2	
			1093	Adsorption à froid #3	
			1094	Adsorption à froid #4	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10020	*	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)	1310	HB foetale (dépistage)	
10021		Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)	1320	HB foetale (Kleihauer)	Ce code est classé en hématocytochimie dans le Répertoire. Vous pouvez compiler cette activité si elle est réalisée en banque de sang dans votre installation.
10024	*	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	1110	Compatibilité post-distribution #1	Attention à la distinction entre les codes d'analyses et les ajouts techniques.  Attention : les codes 5010, 5020, 5030, 5040, 5060 et 5070 ne peuvent être ajoutés qu'une seule fois par rapport, donc si plus d'un culot est comptabilisé, les calculs devront être faits manuellement.
			1111	Compatibilité post-distribution #2	
			1112	Compatibilité post-distribution #3	
			1113	Compatibilité post-distribution #4	
			1114	Compatibilité post-distribution #5	
			1115	Compatibilité post-distribution #6	
			1116	Compatibilité post-distribution #7	
			1117	Compatibilité post-distribution #8	
			1118	Compatibilité post-distribution #9	
			1119	Compatibilité post-distribution #10	
			1120	Compatibilité post-distribution #11	
			1121	Compatibilité post-distribution #12	
			1122	Compatibilité post-distribution #13	
			1123	Compatibilité post-distribution #14	
			1124	Compatibilité post-distribution #15	
		5010	Compatibilité centrifugation immédiate		
		5020	Compatibilité albumine		

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10024 (suite)	*	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	5030	Compatibilité Liss	
			5040	Compatibilité en PEG	
			5050	Compatibilité en GEL	
			5060	Compatibilité donneur vs bébé	
			5070	Compatibilité donneur vs mère	
			5080	Compatibilité automatisée	
			5081	Compatibilité post-distribution automatisée	
			6201	Compatibilité pré-transfusionnel #1	
			6202	Compatibilité pré-transfusionnel #2	
			6203	Compatibilité pré-transfusionnel #3	
			6204	Compatibilité pré-transfusionnel #4	
			6205	Compatibilité pré-transfusionnel #5	
			6501	Compatibilité post-transfusionnel #1	
			6502	Compatibilité post-transfusionnel #2	
			6503	Compatibilité post-transfusionnel #3	
			6504	Compatibilité post-transfusionnel #4	
			6505	Compatibilité post-transfusionnel #5	
			20150	Compatibilité sur segment 1	
			30150	Compatibilité sur segment 2	
			40150	Compatibilité sur segment 3	
50150	Compatibilité sur segment 4				
60150	Compatibilité sur segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	880	Coombs direct polyvalent	L'élément de compte est par résultat. Par exemple, pour un même usager, Coombs polyspécifique positif, fraction IgG positive et fraction C3 négative = 3 résultats
			881	Coombs direct polyvalent 22 °C	
			882	Coombs direct à 22 °C en Salin	
			883	Coombs direct à 22 °C en Sérum AB	
			884	Coombs direct à 22 °C en Salin Plasma	
			885	Coombs direct polyvalent 37	
			886	Coombs direct à 37 °C en Salin	
			887	Coombs direct à 37 °C en Sérum AB	
			899	Coombs direct gel BB	
			900	Coombs direct polyvalent BB	
			901	Coombs direct en IgG gel BB	
			902	Coombs direct polyvalent BB plasma	
			903	Coombs direct polyvalent plasma	
			904	Coombs direct polyvalent en gel plasma	
			905	Coombs direct IgG en gel sur plasma	
920	Coombs direct C3				
921	Coombs direct C3 Plasma				
922	Coombs direct C3 Gel				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	925	Coombs direct à 37 °C en C3	
			940	Coombs direct IgG	
			941	Coombs direct IgG BB	
			942	Coombs direct IgG plasma	
			943	Coombs direct IgG BB plasma	
			944	Coombs direct à 22 °C en Salin BB plasma	
			945	Coombs direct à 37 °C en IgG	
			950	Coombs direct IgG gel	
			951	Coombs direct à 22 °C en Salin BB	
			952	Coombs direct polyvalent 37 BB	
			953	Coombs direct C3 BB	
			954	Coombs direct C3 BB plasma	
			960	Coombs direct Gel	
			964	Coombs direct polyspécifique en gel	
			1625	Coombs direct sur le culot	
1860	Coombs direct sur le culot #2				
1861	Coombs direct sur le culot #3				
1862	Coombs direct sur le culot #4				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	1863	Coombs direct sur le culot #5	
			1864	Coombs direct sur le culot #6	
			1865	Coombs direct sur le culot #7	
			1866	Coombs direct sur le culot #8	
			1867	Coombs direct sur le culot #9	
			1868	Coombs direct sur le culot #10	
			6080	Coombs direct pré-transfusionnel	
			6082	Coombs direct IgG pré-transfusionnel	
			6084	Coombs direct C3 pré-transfusionnel	
			6380	Coombs direct post-transfusionnel	
			6382	Coombs direct IgG post-transfusionnel	
			6384	Coombs direct C3 post-transfusionnel	
			20160	Coombs direct sur segment 1	
			30160	Coombs direct sur segment 2	
			40160	Coombs direct sur segment 3	
50160	Coombs direct sur segment 4				
60160	Coombs direct sur segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10028		Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisé)	923	Coombs direct C3 automatisé	
			961	Coombs direct polyspécifique automatisé	
			963	Coombs direct IgG automatisé	
			965	Coombs direct IgG automatisé #2	
10040	*	Différentiation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)	1095	Différenciation IgG-IgM (DTT)	
10044		Donath Landsteiner	1165	Donath Landsteiner	
10060	*	Élution (identification sur éluat incluse)	1195	Elution	
			1200	Élution 56 °C	
			1270	Elution GEL	
10070		Fragilité osmotique	1325	Fragilité osmotique	
10085	*	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)	806	ABO automatisé	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus.
			827	ABOBB automatisé	
10086	*	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	800	ABO groupe	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus.  Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
			801	ABO groupe plasma	
			802	ABO BB groupe plasma	
			803	ABO gel	
			824	ABO BB groupe	
			1020	ABO BB groupe confirmation	



Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10086 (suite)	*	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	1030	ABO confirmation receveur #2	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus.  Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
			1031	ABO confirmation receveur #3	
			1032	ABO confirmation receveur #4	
			1033	ABO confirmation receveur #5	
			1034	ABO confirmation receveur #6	
			1036	ABO confirmation receveur #7	
			1037	ABO confirmation receveur #8	
			1038	ABO confirmation receveur #9	
			1039	ABO confirmation receveur #10	
			1660	ABO maternel	
			1805	Tube surplus	
			1806	Tube surplus (2)	
			6020	ABO groupe pré-transfusionnel	
6320	ABO groupe post-transfusionnel				
10111	*	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	1004	Identification d'anticorps automatisée	
			12005	Panel automatisé supplémentaire #1	
			12006	Panel automatisé supplémentaire #2	
			12007	Panel automatisé supplémentaire #3	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10111 (suite)	*	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	12008	Panel automatisé supplémentaire #4	
			12009	Panel automatisé supplémentaire #5	
10115	*	Investigation RhD faible	1187	D phénotype	L'extraction peut être réalisée à l'aide des codes eTrace Line 1187 D phénotype, 840 D faible ou 845 D faible BB, par exemple. Il importe <b>de ne pas extraire de doublons</b> en fonction du paramétrage local, d'exclure les résultats « <b>non testés</b> » et tous les résultats de génotypage se terminant par « <b>(Géno connu)</b> ».
			840	D faible	
			845	D faible BB	
			...	Autre, selon paramétrage local	
10134		Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	829	Rh/Kell automatisé	
			833	Rh Kell automatisé #2	
			1051	C phénotype (grand) automatisé	
			1061	c phénotype (petit) automatisé	
			1072	CcEe phénotype automatisé	
			1171	E phénotype (grand) automatisé	
			1181	e phénotype (petit) automatisé	
			1301	Fya Fyb phénotype automatisé	
			1445	Jka Jkb phénotype automatisé	
			1461	K (Kell) phénotype automatisé	
			1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	
1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10134 (suite)		Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	1537	Lua Lub phénotypes automatisés	
			1555	M N phénotypes automatisés	
			1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés	
			1685	S s phénotypes automatisés	
			4037	CcEe phénotype culot automatisé	
			4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
			4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot	
			4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot	
			4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot	
			4237	M N phénotypes automatisés culot	
			4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
			4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot	
			4267	S s phénotypes automatisés culot	
5085	Rh/Kell automatisé pour culot				
5087	Rh/Kell automatisé pour culot #2				
10136	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1050	C phénotype (grand)	
			1060	c phénotype (petit)	
			1070	CDE Phénotype	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1170	E phénotype (grand)	
			1180	e phénotype (petit)	
			1290	Fya phénotype	
			1300	Fyb phénotype	
			1430	Jka phénotype	
			1440	Jkb phénotype	
			1460	K (Kell) phénotype	
			1470	k (Cellano) phénotype	
			1490	Lea phénotype	
			1500	Leb phénotype	
			1510	Lectine A1	
			1520	Lectine H	
			1540	M phénotype	
			1550	N phénotype	
			1560	P1 phénotype	
1670	S phénotype				
1680	s phénotype				
4000	A1 Phénotype culot				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4005	A1 Phénotype culot (confirmation)	
			4010	C phénotype (grand) culot	
			4015	C phénotype (grand) culot (confirmation)	
			4020	c phénotype (petit) culot	
			4025	c phénotype (petit) culot (confirmation)	
			4030	CDE phénotype culot	
			4035	CDE Phénotype culot (confirmation)	
			4050	E phénotype (grand) culot	
			4055	E phénotype (grand) culot (confirmation)	
			4060	e phénotype (petit) culot	
			4065	e phénotype (petit) culot (confirmation)	
			4070	Fya phénotype culot	
			4075	Fya phénotype culot (confirmation)	
			4080	Fyb phénotype culot	
			4085	Fyb phénotype culot (confirmation)	
4090	Jka phénotype culot				
4095	Jka phénotype culot (confirmation)				
4100	Jkb phénotype culot				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4105	Jkb phénotype culot (confirmation)	
			4130	K (Kell) phénotype culot	
			4135	K (Kell) phénotype culot (confirmation)	
			4140	k (Cellano) phénotype culot	
			4145	k (Cellano) phénotype culot (confirmation)	
			4180	Lea phénotype culot	
			4185	Lea phénotype culot (confirmation)	
			4190	Leb phénotype culot	
			4195	Leb phénotype culot (confirmation)	
			4220	M phénotype culot	
			4225	M phénotype culot (confirmation)	
			4230	N phénotype culot	
			4235	N phénotype culot (confirmation)	
			4240	P1 phénotype culot	
			4245	P1 phénotype culot (confirmation)	
			4250	S phénotype (grand) culot	
4255	S phénotype (grand) culot (confirmation)				
4260	s phénotype (petit) culot				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4265	s phénotype (petit) culot (confirmation)	
			15092	l phénotype	
			20005	A1 phénotype segment 1	
			20010	C phénotype (grand) segment1	
			20015	c phénotype (petit) segment 1	
			20020	E phénotype (grand) segment 1	
			20025	e phénotype (petit) segment 1	
			20030	Fya phénotype segment 1	
			20035	Fyb phénotype segment 1	
			20040	Jka phénotype segment 1	
			20045	Jkb phénotype segment 1	
			20060	K (Kell) phénotype segment 1	
			20065	k (Cellano) phénotype segment 1	
			20080	Lea phénotype segment 1	
			20085	Leb phénotype segment 1	
20100	M phénotype segment 1				
20105	N phénotype segment 1				
20110	P1 phénotype segment 1				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	20115	S phénotype segment 1	
			20120	s phénotype segment 1	
			30005	A1 phénotype segment 2	
			30010	C phénotype (grand) segment 2	
			30015	c phénotype (petit) segment 2	
			30020	E phénotype (grand) segment 2	
			30025	e phénotype (petit) segment 2	
			30030	Fya phénotype segment 2	
			30035	Fyb phénotype segment 2	
			30040	Jka phénotype segment 2	
			30045	Jkb phénotype segment 2	
			30060	K (Kell) phénotype segment 2	
			30065	k (Cellano) phénotype segment 2	
			30080	Lea phénotype segment 2	
			30085	Leb phénotype segment 2	
			30100	M phénotype segment 2	
30105	N phénotype segment 2				
30110	P1 phénotype segment 2				



Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	30115	S phénotype segment 2	
			30120	s phénotype segment 2	
			40005	A1 phénotype segment 3	
			40010	C phénotype (grand) segment 3	
			40015	c phénotype (petit) segment 3	
			40020	E phénotype (grand) segment 3	
			40025	e phénotype (petit) segment 3	
			40030	Fya phénotype segment 3	
			40035	Fyb phénotype segment 3	
			40040	Jka phénotype segment 3	
			40045	Jkb phénotype segment 3	
			40060	K (Kell) phénotype segment 3	
			40065	k (Cellano) phénotype segment 3	
			40080	Lea phénotype segment 3	
			40085	Leb phénotype segment 3	
			40100	M phénotype segment 3	
40105	N phénotype segment 3				
40110	P1 phénotype segment 3				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	40115	S phénotype segment 3	
			40120	s phénotype segment 3	
			50005	A1 phénotype segment 4	
			50010	C phénotype (grand) segment 4	
			50015	c phénotype (petit) segment 4	
			50020	E phénotype (grand) segment 4	
			50025	e phénotype (petit) segment 4	
			50030	Fya phénotype segment 4	
			50035	Fyb phénotype segment 4	
			50040	Jka phénotype segment 4	
			50045	Jkb phénotype segment 4	
			50060	K (Kell) phénotype segment 4	
			50065	k (Cellano) phénotype segment 4	
			50080	Lea phénotype segment 4	
			50085	Leb phénotype segment 4	
			50100	M phénotype segment 4	
50105	N phénotype segment 4				
50110	P1 phénotype segment 4				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	50115	S phénotype segment 4	
			50120	s phénotype segment 4	
			60005	A1 phénotype segment 5	
			60010	C phénotype (grand) segment 5	
			60015	c phénotype (petit) segment 5	
			60020	E phénotype (grand) segment 5	
			60025	e phénotype (petit) segment 5	
			60030	Fya phénotype segment 5	
			60035	Fyb phénotype segment 5	
			60040	Jka phénotype segment 5	
			60045	Jkb phénotype segment 5	
			60060	K (Kell) phénotype segment 5	
			60065	k (Cellano) phénotype segment 5	
			60080	Lea phénotype segment 5	
			60085	Leb phénotype segment 5	
			60100	M phénotype segment 5	
60105	N phénotype segment 5				
60110	P1 phénotype segment 5				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	60115	S phénotype segment 5	
			60120	s phénotype segment 5	
10137	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	1150	Cw phénotype	
			1475	K11 Phénotype	
			1480	Kpa Phénotype	
			1485	Kpb Phénotype	
			1530	Lua phénotype	
			1535	Lub phénotype	
			1830	Wright phénotype	
			4040	Cw phénotype culot	
			4045	Cw phénotype culot (confirmation)	
			4150	K11 Phénotype culot	
			4155	K11 Phénotype culot (confirmation)	
			4160	Kpa phénotype culot	
			4165	Kpa phénotype culot (confirmation)	
			4170	Kpb phénotype culot	
4175	Kpb phénotype culot (confirmation)				
4200	Lua phénotype culot				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	4205	Lua phénotype culot (confirmation)	
			4210	Lub phénotype culot	
			4215	Lub phénotype culot (confirmation)	
			4280	Wright phénotype culot	
			4285	Wright phénotype culot (confirmation)	
			15078	Dia phénotype	
			15088	Cob phénotype	
			20070	Kpa phénotype segment 1	
			20075	Kpb phénotype segment 1	
			20090	Lua phénotype segment 1	
			20095	Lub phénotype segment 1	
			30070	Kpa phénotype segment 2	
			30075	Kpb phénotype segment 2	
			30090	Lua phénotype segment 2	
			30095	Lub phénotype segment 2	
			40070	Kpa phénotype segment 3	
40075	Kpb phénotype segment 3				
40090	Lua phénotype segment 3				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	*	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	40095	Lub phénotype segment 3	
			50070	Kpa phénotype segment 4	
			50075	Kpb phénotype segment 4	
			50090	Lua phénotype segment 4	
			50095	Lub phénotype segment 4	
			60070	Kpa phénotype segment 5	
			60075	Kpb phénotype segment 5	
			60090	Lua phénotype segment 5	
			60095	Lub phénotype segment 5	
10150		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	805	Cellules A1 37 °C	
			847	Recherche d'anticorps Salin plasma	
			848	Recherche d'anticorps Salin BB	
			850	Recherche d'anticorps Contrôle	
			851	Recherche d'anticorps en PEG plasma	
			852	Recherche d'anticorps en LISS plasma	
			853	Recherche d'anticorps en LISS BB	
			854	Recherche d'anticorps en GEL plasma	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	855	Recherche d'anticorps en GEL BB	
			856	Recherche d'anticorps en GEL BB plasma	
			858	Recherche d'anticorps Salin Coombs	
			859	Recherche d'anticorps immediate spin 2	
			861	Recherche d'anticorps en SALIN	
			862	Recherche d'anticorps en ALBUMINEUX	
			863	Recherche d'anticorps en ALBUMINE ANTIGLOBULINE	
			864	Recherche d'anticorps en LISS	
			865	Recherche d'anticorps en PEG	
			866	Recherche d'anticorps en GEL	
			867	RECHERCHE D'ANTICORPS IMMEDIATE SPIN	
			868	Recherche d'anticorps en phase solide	
			869	Recherche d'anticorps avec ANTI- GLOBULINE	
			870	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN GEL	
			871	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN TUBE	
			872	RAI préchauffage Salin Coombs	
873	Recherche d'anticorps ANTIGLOBULINE LISS				
875	Recherche d'anticorps avec ENZYME ANTIGLOBULINE				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)		Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	876	Recherche d'anticorps Préchauffage ANTIGLOBULINE	
			877	Recherche d'anticorps Préchauffage LISS	
			878	Recherche d'Anticorps dilution 1:3	
			879	Recherche d'Anticorps dilution 1:5	
			1570	Rech. d'anti-A IgG	
			1580	Rech. d'anti-B IgG	
			1581	Rech. d'anti-A IgG Gel	
			1582	Rech. d'anti-B IgG Gel	
			1664	RAI maternel	
			5090	Recherche d'anticorps en gel sur produit	
			6060	Recherche d'anticorps pré-transfusionnel	
6360	Recherche d'anticorps post-transfusionnel				
10151		Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)	Aucun code		
10153		Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (carte de gel)	846	Recherche d'anticorps automatisée	
			857	Recherche d'anticorps automatisée #2	
10154		Anticorps irréguliers (recherche automatisée) (phase solide)	874	Recherche d'anticorps en phase solide automatisée	
10170		Titrage anticorps (par anticorps)	1770	Titrage nouveau spécimen	
			1771	Titrage nouveau (anticorps 2)	
			1772	Titrage nouveau (anticorps 3)	



Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10170 (suite)		Titration anticorps (par anticorps)	1773	Titration nouveau (anticorps 4)	
			1774	Titration nouveau (anticorps 5)	
			1780	Titration TEFA #1	
			1781	Titration TEFA #2	
			1790	Titration	
			1791	Titration (anticorps 2)	
			1792	Titration (anticorps 3)	
			1793	Titration (anticorps 4)	
			1794	Titration (anticorps 5)	
			1795	Titration isohémaggl.Cell A1	
			1796	Titration isohémaggl.Cell A1 Coombs	
			1797	Titration isohémaggl.Cell A2	
			1798	Titration isohémaggl.Cell A2 Coombs	
			1799	Titration isohémaggl.Cell B	
			1800	Titration isohémaggl.Cell B Coombs	
		1951	Titre isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-A		
		1952	Titre isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-B		

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10173	*	Traitement cellules (méthode EGA KIT)	4500	Traitement cellules (Phénotype) #1	
			4502	Traitement cellules (Phénotype) #2	
10174	*	Traitement enzymatique (Ex : ficine) pour identification d'anticorps	4510	Traitement enzymatique identification d'anticorps	
10510	*	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)	200	Spécimen congelé	
			1810	Tube reçu	
10512		Étude de don antérieur (par cas) (fait par technologiste)	750	Étude de don antérieur	
10513		Étude de réaction transfusionnelle (fait par technologiste)	700	Réaction transfusionnelle post	
10730		Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1620	Retypage ABO globulaire	
			1630	Retypage ABO plasmatique	
			1850	Retypage ABO globulaire #2	
			1851	Retypage ABO globulaire #3	
			1852	Retypage ABO globulaire #4	
			1853	Retypage ABO globulaire #5	
			1854	Retypage ABO globulaire #6	
			1855	Retypage ABO globulaire #7	
			1856	Retypage ABO globulaire #8	
			1857	Retypage ABO globulaire #9	
1858	Retypage ABO globulaire #10				

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Réf texte	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10730 (suite)		Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1870	Retypage ABO plasmatique #2	
			1871	Retypage ABO plasmatique #3	
			1872	Retypage ABO plasmatique #4	
			1873	Retypage ABO plasmatique #5	
			1874	Retypage ABO plasmatique #6	
			1875	Retypage ABO plasmatique #7	
			1876	Retypage ABO plasmatique #8	
			1877	Retypage ABO plasmatique #9	
			1878	Retypage ABO plasmatique #10	
			20001	ABO groupe sur segment 1	
			30001	ABO groupe sur segment 2	
			40001	ABO groupe sur segment 3	
			50001	ABO groupe sur segment 4	
60001	ABO groupe sur segment 5				
70002	*	Envoi intergroupes (vers un laboratoire d'un autre établissement)	1280	Envoi inter-établissement	Décompte manuel des échantillons requis
70003	*	Envoi intragroupe (entre les laboratoires d'un même établissement)	1283	Envoi interinstallations	Décompte manuel des échantillons requis
70006	*	Envoi hors Québec (par établissement) (excluant frais postaux)	1282	Envoi hors Québec	



**CALENDRIER DE TRANSMISSION DES DONNÉES D'ACTIVITÉ DE LABORATOIRE  
POUR L'ANNÉE FINANCIÈRE DÉBUTANT LE 1<sup>ER</sup> AVRIL 2024**

Périodes	Date de fin de la période financière	Date limite de transmission des données par les installations	Date limite de transmission et de validation des données dans Centralab	Commentaires
13 (2024)	2024-03-31	2024-04-30	<b>2024-05-15</b>	<p><b>Validation</b> signifie : s'assurer de l'<u>exactitude</u> des <u>codes utilisés</u> et des <u>données d'activité inscrites</u>.</p> <p>La fermeture de l'année financière 2024-2025 est fixée au <b>15 mai 2025</b>.</p> <p>À cette date, toutes les données contenues dans <b>Centralab</b> devront avoir été préalablement validées par tous les intervenants dans ce dossier.</p> <p>Une lettre signée par les codirecteurs de la grappe doit attester les données de la banque de données et doit être transmise dans l'application.</p>
1	2024-04-30	2024-05-31	2024-06-21	
2	2024-05-31	2024-06-30	2024-07-21	
3	2024-06-30	2024-07-31	2024-08-21	
4	2024-07-31	2024-08-31	2024-09-21	
5	2024-08-31	2024-09-30	2024-10-21	
6	2024-09-30	2024-10-31	2024-11-21	
7	2024-10-31	2024-11-30	2024-12-21	
8	2024-11-30	2024-12-31	2025-01-21	
9	2024-12-31	2025-01-31	2025-02-21	
10	2025-01-31	2025-02-28	2025-03-21	
11	2025-02-28	2025-03-30	2025-04-20	
12	2025-03-30	2025-04-24	2025-05-15	
13 (2025)	2025-03-31	2025-04-24	<b>2025-05-15</b>	

**NOTE :** À partir du 1<sup>er</sup> avril 2024, le calendrier de transmission des données de Centralab est modifié pour s'ajuster au calendrier des périodes financières des établissements publics du réseau de la santé et des services sociaux. À cet effet, les périodes financières se terminent le dernier jour calendrier de chacun des 12 mois de l'année. Pour fin de transition dans les systèmes de compilation de données, la P13 est constituée d'une seule journée pour l'exercice 2024-2025.

Les personnes mandatées de la grappe ont l'**obligation, à chaque période de l'année financière, de valider et de transmettre** les données d'activité de laboratoire au ministère de la Santé et des Services sociaux (Centralab).

Les données compilées de l'installation qui effectue des activités de laboratoire sont transmises aux personnes mandatées de la grappe, selon l'entente convenue préalablement avec les intervenants dans ce dossier.



TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (1/2)	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Erreurs innées du métabolisme (phénylcétonurie, tyrosinémie type 1, MCADD, VLCADD, LCHADD-TFPD, ASA, GA1) <i>Voir le tableau de tests de confirmation diagnostique pour l'appellation complète des maladies</i>	
50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)	50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)
Hypothyroïdie congénitale	
50800 – TSH sur sang séché	50641 – Thyroxine (T4) totale sur sang séché
	50800 – TSH sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
Phénylcétonurie				
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
55268 – Phénylcétonurie (PKU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)		✓		
55266 – Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, régions codantes complètes)		✓		
Tyrosinémie type 1				
50624 – Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)			✓	
55314 – Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM/ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique				✓
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Acidurie argininosuccinique (ASA)				
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Déficit en acyl Co-A déshydrogénase des acides gras à chaîne moyenne (MCADD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50440 – Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
55196 – Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); ACADM (Lys304Glu/Lys329Glu)		✓		
Déficit en déshydrogénase des hydroxyacyl-CoA à longue chaîne (LCHADD) / Protéine trifonctionnelle mitochondriale (TFPD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Déficit en déshydrogénase des acyl-CoA à chaîne très longue (VLCADD)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Acidurie glutarique de type 1 (GA1)				
50417 – Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
50433 – Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)			✓	
Hypothyroïdie congénitale				
TSH sérique (régional)	✓	✓	✓	✓
T4 libre (régional)	✓	✓	✓	✓

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (2/2)	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Syndromes drépanocytaires majeurs	
50488 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)	50489 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2 <sup>e</sup> intention (électrophorèse capillaire)
Fibrose kystique du pancréas	
50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché	50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché 55219 – Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché
Amyotrophie spinale	
50483 – Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A ( <i>TREC; SMN1</i> ); (TAAN) sur sang séché	50484 – Amyotrophie spinale (SMA); Trousse B ( <i>SMN1; TREC</i> ) - test de 2 <sup>e</sup> intention, <b>partie 1</b> ; (TAAN) sur sang séché
	50485 – Amyotrophie spinale (SMA); Trousse C1 ( <i>SMN1</i> ) - test de 2 <sup>e</sup> intention, <b>partie 2.1</b> ; (TAAN) sur sang séché
	50486 – Amyotrophie spinale (SMA) Trousse C2 ( <i>SMN2</i> ) - test de 2 <sup>e</sup> intention <b>partie 2.2</b> ; (TAAN) sur sang séché
Déficit immunitaire combiné sévère (SCID)	
50483 – Amyotrophie spinale (SMA), Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse A ( <i>TREC; SMN1</i> ); (TAAN) sur sang séché	50487 – Déficit immunitaire combiné sévère (SCID); Trousse B ( <i>TREC; SMN1</i> ) – test de 2 <sup>e</sup> intention; (TAAN) sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
Syndromes drépanocytaires majeurs				
20765 – Hémoglobine chromatographie	✓	✓	✓	✓
Fibrose kystique du pancréas				
30517 – Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)	✓	✓	✓	✓
	Également désignés : CISSS du Bas-Saint-Laurent, CISSS de l'Abitibi-Témiscamingue, CIUSSS du Saguenay – Lac Saint-Jean			
Amyotrophie spinale				
55133 – Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> , <i>SMN2</i> (TAAN)	✓			
Déficit immunitaire combiné sévère (SCID)				
Première intention				
21004 – Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45RA/45RO, CD31)	✓			✓
Deuxième intention				
55405 – Panel virtuel ciblé de gènes associés au déficit immunitaire combiné sévère (SCID) (interprétation seulement)	✓			



TEST DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL URINAIRE	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CENTRE HOSPITALIER UNIVERSITAIRE DE SHERBROOKE	
Première intention	Seconde intention/validation
50490 – Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)	50411 – Acides aminés (qualitatif)
	50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)

TEST DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
<b>Acidurie méthylmalonique</b>				
50409 – Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		✓		
50410 – Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		✓		
50604 – Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		✓		
55132 – Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; MMACHC, LMBR1D; (TAAN, mutation individuelle)		✓		
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
<b>Acidurie propionique</b>				
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
<b>3-méthylcrotonyl glycinurie de type 1</b>				
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
<b>Citrullinémie classique et citrullinémie de type 2</b>				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
<b>Syndrome triple H (hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie)</b>				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
<b>Hyperargininémie</b>				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	



Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Pénicilline G	C1	√	√		√	√
Pénicilline V	C2	√	√		√	√
Acarien ( <i>Dermatophagoides pteronyssinus</i> ) (mites)	D1	√	√	√	√	√
Acarien ( <i>Dermatophagoides farinae</i> ) (mites)	D2	√	√	√	√	√
Chat (squames)	E1	√	√	√	√	√
Cheval (squames)	E3	√	√		√	√
Chien (squames)	E5	√	√	√	√	√
Blanc d'œuf	F1	√	√	√	√	√
Graine de sésame	F10	√	√	√	√	√
Farine sarrasin	F11	√	√	√		
Pois	F12	√	√	√	√	√
Arachides	F13	√	√	√	√	√
Soya / Soja	F14	√	√	√	√	√
Noisette	F17	√	√	√	√	√
Noix du Brésil	F18	√	√	√	√	√
Lait de vache	F2	√	√	√	√	√
Amande	F20	√	√	√	√	√
Noix de pacane / Noix d'hickory	F201	√	√	√	√	√
Noix de cajou	F202	√	√	√	√	√
Pistache	F203	√	√	√	√	√
Truite	F204	√	√	√	√	√
Crabe	F23	√	√	√	√	√
Ovalbumine (nGal d2 ovalbumine)	F232	√	√	√	√	√
Ovomucoïde (nGal d1 ovomucoïde)	F233	√	√	√	√	√
Lentille	F235	√	√	√	√	
Crevette	F24	√	√	√	√	√
Pignon de pin	F253	√	√	√	√	

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Noix de Grenoble	F256	√	√	√	√	√
Bœuf (viande)	F27	√	√	√		√
Huître	F290	√	√	√		
Morue	F3	√	√	√	√	√
Pois chiche	F309	√	√		√	
Sole	F337	√	√	√		
Pétoncle	F338	√	√		√	
Noix de macadam	F345	√	√	√	√	
Noix de coco	F36	√	√	√		√
Moule bleue	F37	√	√	√	√	√
Blé	F4	√	√	√	√	√
Thon	F40	√	√	√	√	√
Saumon	F41	√	√	√	√	√
Tilapia	F414		√		√	
Ail	F47	√	√		√	√
Pomme	F49	√	√		√	√
Seigle	F5	√	√	√	√	√
Orge (farine)	F6	√	√	√	√	√
Avoine	F7	√	√	√	√	√
Jaune d'œuf	F75	√	√	√	√	√
Alpha-lactalbumine (nBos d4 alpha-lactalbumine)	F76	√	√	√	√	
Bêta-lactoglobuline (nBos d5 bêta-lactoglobuline)	F77	√	√	√	√	
Caséine (nBos d8 caséine)	F78	√	√	√	√	
Maïs	F8	√	√	√	√	√
Homard	F80	√	√	√	√	√
Kiwi	F84	√	√	√	√	√
Riz	F9	√	√	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 - Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Phléole des prés (graminée)	G6	√	√	√		
Poussière de maison (Lab. Greer)	H1	√	√			√
Abeille domestique (venin)	i1	√	√		√	√
Frelon à face blanche / Frelon tête blanche (venin)	i2	√	√		√	√
Guêpe de l'est jaune	i3	√	√		√	√
Guêpe (poliste) (venin)	i4	√	√		√	√
Frelon jaune (venin)	i5	√	√		√	√
Latex (allergène professionnel)	K82	√	√		√	√
Graine de tournesol	K84	√	√	√		√
<i>Penicillium notatum</i> ( <i>P. chrysogenum</i> )	M1	√	√		√	√
<i>Cladosporium hebarum</i> (moisissures)	M2	√	√		√	√
<i>Aspergillus niger</i> (IgE spécifique) (moisissures)	M207	√	√	√		
<i>Aspergillus fumigatus</i> (igE spécifique) (moisissures)	M3	√	√	√	√	√
<i>Alternaria tenuis</i> / <i>Alternaria alternata</i> (moisissures)	M6	√	√	√	√	√
Érable	T1	√	√	√		
Peuplier	T14		√	√	√	
Bouleau	T3	√	√	√	√	√
Chêne	T7		√	√		
Herbe à poux (herbacée)	W1	√	√	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Abricot	F237		√	
Acacia ssp. (gomme arabique)	F297	√		
<i>Acremonium kiliense</i> ( <i>Cephalosporium</i> )	M202		√	
Agrostide stolonifère / <i>Agrostis stolonifera</i>	G9	√	√	
Aiglefin	F42		√	
Amarante	W14	√		
Ambroisie à épi grêle / Herbe à poux Western USA	W2		√	
Ananas	F210	√	√	√
Anchois	F313		√	√
Aneth	F277	√		
Anis	F271		√	
Asperge	F261		√	
Aubergine	F262		√	
Aulne	T2	√	√	
Avocat	F96	√	√	√
Banane	F92	√	√	√
Basilic	F269	√		
Betterave	F319		√	
Bleuet	F288		√	
Lait de brebis	F325	√	√	
Brocoli	F260		√	
Cacao (chocolat)	F93		√	
Café	F221		√	
Calmar	F258	√	√	√
Canard (plumes)	E86	√		
Canari (plumes)	E201	√		
<i>Candida albicans</i>	M5		√	
Canneberge	F341		√	
Cannelle	F220	√	√	
Carotte	F31	√	√	
Caroube	F296	√		
Cèdre	T17		√	
Cefaclor	C7	√		

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Céleri	F85	√	√	
Cerise	F242		√	
Champignon	F212		√	
Chataigne	F299	√		
Chèvre (épithélium)	E80	√		
Chili (piment)	F279	√		
Chlorhexidine	C8		√	
Chou	F216		√	
Chou-fleur	F291	√		
Choux de Bruxelles	F217	√		
Citron	F208		√	
Graine de citrouille	F226		√	√
Clémentine / Mandarine / Tangerine	F302		√	
Clou girofle	F268	√		
Cobaye (épithélium)	E6	√		
Concombre	F244		√	
Coquerelle	i6		√	
Coriandre	F317	√		
Cumin	F265	√		
Dactyle pelotonné (graminée)	G3	√	√	√
Datte	F289		√	
<i>Dermatophagoides microceras</i> (acarien)	D3	√		
Dinde (plumes)	E89	√		
Dinde (viande)	F284		√	
Épeautre	F124	√		
Épinard / <i>Spinacia oleracea</i>	F214		√	
Érable faux platane / <i>Platanus anglicus</i>	T11		√	
Escargot	F314	√	√	
Estragon	F272	√		
<i>Euroglyphus maynei</i> (acarien)	D74	√		
Fenouil	F276	√		
Fétuque des prés (graminée)	G4		√	
Feuille de laurier	F278	√		

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Fève de Lima	F182	√		
Figue	F328		√	
Flétan	F303	√	√	√
Fourmi rouge	i70	√		
Fraise	F44	√	√	
Framboise	F343	√	√	
Frêne blanc	T15		√	
Fromage cheddar	F81		√	
Fruit de la passion	F294		√	
Furet	E217	√		
Gélatine	C74	√		
Genévrier	T6		√	
Gingembre	F270	√	√	
Gluten	F79	√	√	
Gomme de guar (agar)	F246	√		
Graine de lin	F333	√	√	√
Graine de lupin	F335	√		
Graine de pavot	F224	√		
Gulf flounder	F147	√		
Hamster (épithélium)	E84	√		
Hareng	F205		√	√
Haricot blanc	F15	√	√	√
Haricot rouge	F287	√	√	√
Haricot vert	F315	√	√	√
<i>Helminthosporium halodes</i> (moisissure)	M8		√	
Hêtre	t5		√	
Isocyanate TDI (allergène professionnel)	K75	√		
Ivraie (graminée)	G5		√	
Lait de chèvre	F300	√	√	
Laitue	F215		√	
Langouste	F304	√	√	√
Lapin (épithélium)	E82	√		
Lapin (urine)	E211	√		



Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Lapin (viande)	F213	√		
<i>Lepidoglyphus destructor</i> (acarien)	D71	√		
Levure (bière)	F45	√		
Malt	F90	√		
Mangue	F91	√	√	
Maquereau	F206	√		
Marjolaine	F274	√		
Melon (miel, cantaloup)	F87		√	
Melon d'eau (pastèque)	F329		√	
Menthe	F332	√		
Millet	F55		√	
Moustique	i71		√	
Moutarde	F89	√	√	√
Mouton (épithélium)	E81	√		
Mouton (viande)	F88		√	
<i>Mucor racemosus</i> (moisissure)	M4		√	
Mûre	F211		√	
Noisetier	T4		√	
Noix de muscade	F282		√	
Noyer	T10		√	
Oie (plumes)	E70		√	
Oignon	F48	√		
Olive noire	F342		√	
Olivier européen	T9		√	
Orange	F33	√	√	
Origan	F283	√		
Orme	T8		√	
Oxyde éthylène	K78	√		
Palourde	F207	√	√	√
Pamplemousse	F209		√	
Papaye	F293		√	
Paprika (piment doux)	F218	√		
Paturin des prés (graminée)	G8	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Pêche	F95	√	√	√
<i>Penicillium frequentans</i>	M209		√	√
Perroquet (plumes)	E213	√		
Perruche (plumes)	E78	√		
Persil	F86	√		
Petite bardane (lampourde)	W13		√	
Pin blanc	T16		√	
Pissenlit (herbacée)	W8		√	
Poire	F94		√	
Poivre noir	F280	√		
Poivre vert	F263		√	
Pomme de terre	F35		√	
Porc (épithélium)	E83	√		
Porc (viande)	F26	√	√	
Poulet (plumes)	E85	√		
Poulet (viande)	F83	√	√	√
Poulpe	F59		√	
Poussière de maison (Lab. Hollister-Stier)	H2		√	
Prune	F255		√	
Quinoa	F347		√	
Raisin	F259		√	
Rat (épithélium + protéines sériques + protéines urinaires)	E87	√		
Rat (épithélium)	E73	√		
Rat (urine)	E74	√		
<i>Rhizopus nigricans</i>	M11		√	
Roselin (plumes)	E214	√		
Sardine	F61		√	
Saule	T12		√	
Sorgho d'Alep	G10		√	
Souris (épithélium, protéines sériques et protéines urinaires)	E88	√		
Souris (épithélium)	E71	√		
Souris (protéines urinaires)	E72	√		

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 - Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine
Sperme (IgE spécifique)	o70		√	
Taon	i204	√		
Thé	F222		√	
Thym	F273	√		
Tilleul	T208		√	
Tomate	F25	√	√	
Vache (squames)	E4		√	
Vanille	F234	√		
Verge d'or (herbacée)	W12		√	

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 3 - Liste des allergènes moléculaires (code 30288)

Allergènes	Identifiant de l'allergène	CHUM
alpha-Gal; nGal- alpha-1,3 Thyroglobuline (Bœuf)	o215	√
Ana o 3 (Cajou)	F443	√
Ara h 1 (Arachides)	F422	√
Ara h 2 (Arachides)	F423	√
Ara h 3 (Arachides)	F424	√
Ara h 8; PR-10 (Arachides)	F352	√
Ara h 9; LTP (Arachides)	F427	√
Art v 3 (Armoise commune)	W233	√
Bet v 1 (Bouleau)	T215	√
Bet v 2; Profiline (Bouleau)	T216	√
Cor a 1 (Noisette)	F428	√
Cor a 14 (Noisette)	F439	√
Cor a 8; LTP (Noisette)	F425	√
Cor a 9 (Noisette)	F440	√
Der p 1 (Dermatophagoides pteronyssinus)	D202	√
Der p 10; Tropomyosine ( <i>Dermatophagoïdes Pteronyssinus</i> )	D205	√
Der p 2 (Dermatophagoides pteronyssinus)	D203	√
Der p 23 (Dermatophagoides pteronyssinus)	D209	√
Gal d3; Conalbumine (Œuf)	F323	√
Gly m 4; PR-10 (Soya)	F353	√
Gly m 5; Bêta-conglycinine (Soya)	F431	√
Gly m 6; Glycinine (Soya)	F432	√
Jug r 1 (Noix de Grenoble)	F441	√
Jurg r 3; LTP (Noix de Grenoble)	F442	√
Mal d 1; PR-10 (Pomme)	F434	√
Mal d 3; LTP (Pomme)	F435	√
Pen a 1; Tropomysine (Crevette)	F351	√
Phl p 1 (Phléole des prés)	G205	√
Phl p 12 (Phléole des prés)	G212	√

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002445	Phénotype f	002543	Phénotype CE
002449	Phénotype G	002547	Phénotype CEAG
001564	Phénotype Js(a)	002550	Phénotype CELO
001565	Phénotype Js(b)	002554	Phénotype CENR
001537	Phénotype Do(a)	002558	Phénotype CEST
001538	Phénotype Do(b)	002562	Phénotype C(G)
002465	Phénotype ABTI	002566	Phénotype Ch1
002469	Phénotype ALe(b)	002570	Phénotype Ch2
002473	Phénotype An(a)	002574	Phénotype Ch3
001575	Phénotype AnWj	002578	Phénotype Ch4
002480	Phénotype At(a)	002582	Phénotype Ch5
002484	Phénotype Au(a)	002586	Phénotype Ch6
002488	Phénotype Au(b)	002590	Phénotype Cl(a)
002492	Phénotype BARC	002594	Phénotype c-like
002496	Phénotype Be(a)	002598	Phénotype Co3
002503	Phénotype Bi	002602	Phénotype Co4
002507	Phénotype BLe(b)	001533	Phénotype Co(a)
002511	Phénotype BOW	001534	Phénotype Co(b)
002515	Phénotype Bp(a)	002612	Phénotype Chr(a)
002519	Phénotype Bx(a)	002616	Phénotype Cr(a)
002523	Phénotype By	002620	Phénotype CRAM
002527	Phénotype Can	002624	Phénotype Crawford
002531	Phénotype CD99	002628	Phénotype CROV
002535	Phénotype Ce	002632	Phénotype CROZ
002539	Phénotype cE	001569	Phénotype Cs(a)

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002639	Phénotype Cs(b)	002736	Phénotype ENKT
002643	Phénotype C(x)	002740	Phénotype Er3
002647	Phénotype DAK	001540	Phénotype Er(a)
002651	Phénotype DANE	001541	Phénotype Er(b)
002655	Phénotype Dantu	002750	Phénotype ERIK
002659	Phénotype Dav	002754	Phénotype Es(a)
002663	Phénotype Dh(a)	002758	Phénotype Evans
001535	Phénotype Di(a)	002762	Phénotype E(W)
001536	Phénotype Di(b)	002766	Phénotype Far
002673	Phénotype DISK	002770	Phénotype FORS
002677	Phénotype DOLG	002774	Phénotype FPTT
002681	Phénotype DOMR	002778	Phénotype Fr(a)
002685	Phénotype DOYA	002782	Phénotype Fy3
002689	Phénotype Dr(a)	002786	Phénotype Fy5
002693	Phénotype DSLK	002790	Phénotype Fy6
002697	Phénotype Duclos	002794	Phénotype Ge2
002701	Phénotype D(W)	002798	Phénotype Ge3
002705	Phénotype ELO	002802	Phénotype Ge4
002709	Phénotype Emm	002806	Phénotype GEAT
001539	Phénotype En(a)	002810	Phénotype GEIS
002716	Phénotype ENAV	002814	Phénotype GEPL
002720	Phénotype ENDA	002818	Phénotype GETI
002724	Phénotype ENEH	002822	Phénotype GIL
002728	Phénotype ENEP	002826	Phénotype Go(a)
002732	Phénotype ENEV	002830	Phénotype GUTI

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001543	Phénotype Gy(a)	002936	Phénotype JAHK
002837	Phénotype H	002940	Phénotype JAL
002845	Phénotype HAG	002944	Phénotype Je(a)
002849	Phénotype He	002948	Phénotype JFV
002853	Phénotype Hg(a)	002952	Phénotype Jk3
002857	Phénotype Hil	002956	Phénotype JMH
002861	Phénotype HJK	002960	Phénotype JMHG
002865	Phénotype HOFM	002964	Phénotype JMHK
002869	Phénotype Hop	002968	Phénotype JMHL
002873	Phénotype Hr	002972	Phénotype JMHM
002877	Phénotype Hr0	002976	Phénotype JMHQ
002881	Phénotype Hr(B)	002980	Phénotype Jn(a)
002885	Phénotype hr(B)	002984	Phénotype Jo(a)
002889	Phénotype hr(H)	002988	Phénotype JONES
002893	Phénotype hr(s)	001547	Phénotype Jr(a)
002897	Phénotype Hu	001550	Phénotype K11
002901	Phénotype Hut	002998	Phénotype K12
001544	Phénotype Hy	003002	Phénotype K13
002908	Phénotype I	003004	Phénotype K14
002912	Phénotype i	003008	Phénotype K16
002916	Phénotype IFC	003012	Phénotype K17
002920	Phénotype In(a)	003016	Phénotype K18
002924	Phénotype In(b)	003019	Phénotype K19
002928	Phénotype INF1	003023	Phénotype K22
002932	Phénotype INJA	003027	Phénotype K23

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003031	Phénotype K24	003129	Phénotype LKE
003035	Phénotype KALT	003133	Phénotype LOCR
003039	Phénotype KANT	003137	Phénotype Ls(a)
003043	Phénotype KASH	003141	Phénotype Lu11
003047	Phénotype KCAM	001553	Phénotype Lu12
003051	Phénotype KELP	003148	Phénotype Lu13
003055	Phénotype KETI	003152	Phénotype Lu14
003059	Phénotype Kg	003156	Phénotype Lu16
003063	Phénotype KHUL	001554	Phénotype Lu17
003067	Phénotype Km	003163	Phénotype Lu20
001571	Phénotype Kn(a)	003167	Phénotype Lu21
003074	Phénotype Kn(b)	003171	Phénotype Lu3
003078	Phénotype Kp(c)	003175	Phénotype Lu4
003082	Phénotype KREP	003179	Phénotype Lu5
003086	Phénotype KTIM	001551	Phénotype Lu6
003090	Phénotype Ku	003186	Phénotype Lu7
003094	Phénotype KUCI	001552	Phénotype Lu8
003098	Phénotype Kx	003193	Phénotype Lu9
003102	Phénotype KYO	003197	Phénotype LURC
001556	Phénotype Lan	001531	Phénotype Lw(a)
003109	Phénotype Le(ab)	003204	Phénotype Lw(ab)
003113	Phénotype Le(bH)	001532	Phénotype Lw(b)
003117	Phénotype Le(c)	003211	Phénotype M1
003121	Phénotype Le(d)	003215	Phénotype MAM
003125	Phénotype Li(a)	003219	Phénotype MAR



Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003223	Phénotype MARS	003321	Phénotype OKVM
003227	Phénotype M(c)	003325	Phénotype OI(a)
001572	Phénotype McC(a)	003329	Phénotype Or
003234	Phénotype McC(b)	003333	Phénotype Os(a)
003238	Phénotype M(e)	003337	Phénotype P
003242	Phénotype MER2	001558	Phénotype PEL
003246	Phénotype M(g)	003344	Phénotype P(k)
003250	Phénotype Mi(a)	003348	Phénotype PP1P(k)
003254	Phénotype Milne	003352	Phénotype Pt(a)
003258	Phénotype MINY	003356	Phénotype PX2
003262	Phénotype Mit	003360	Phénotype RASM
003266	Phénotype MNTD	003364	Phénotype RAZ
003270	Phénotype Mo(a)	003368	Phénotype Rb(a)
003274	Phénotype Mt(a)	003372	Phénotype Rd
003278	Phénotype Mur	003376	Phénotype Re(a)
003282	Phénotype MUT	003380	Phénotype REIT
003285	Phénotype M(v)	003384	Phénotype Rg1
003289	Phénotype "N"	003388	Phénotype Rg2
003293	Phénotype NFLD	003392	Phénotype Rh29
003297	Phénotype Nob	003396	Phénotype Rh32
003301	Phénotype NOR	003400	Phénotype Rh33
003305	Phénotype Nou	003404	Phénotype Rh35
003309	Phénotype Ny(a)	003408	Phénotype Rh39
003313	Phénotype Ok(a)	003412	Phénotype Rh41
003317	Phénotype OKGV	003416	Phénotype Rh42

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003420	Phénotype RHAG4	003517	Phénotype Tc(a)
003424	Phénotype Ri(a)	003521	Phénotype Tc(b)
003428	Phénotype Riv	003525	Phénotype Tc(c)
003432	Phénotype SARA	003529	Phénotype Tm
003436	Phénotype SAT	003533	Phénotype To(a)
001560	Phénotype Sc1	003537	Phénotype TOU
001561	Phénotype Sc2	003541	Phénotype Tr(a)
003446	Phénotype Sc3	003545	Phénotype TSEN
003450	Phénotype SCAN	001511	Phénotype U
003454	Phénotype SCER	003553	Phénotype Ul(a)
003458	Phénotype s(D)	003557	Phénotype UMC
001573	Phénotype Sd(a)	003561	Phénotype V
003465	Phénotype Sec	001529	Phénotype Vel
003469	Phénotype SERF	003568	Phénotype Vg(a)
003473	Phénotype Sext	003572	Phénotype VLAN
003477	Phénotype Sj	003576	Phénotype VONG
003481	Phénotype Sl(a)	003580	Phénotype Vr
003485	Phénotype Vil	003584	Phénotype VS
003489	Phénotype Sl3	003588	Phénotype Vw
003493	Phénotype St(a)	003592	Phénotype WARR
003497	Phénotype STAR	003596	Phénotype Wb
003501	Phénotype STEM	003600	Phénotype Wd(a)
003505	Phénotype SW1	003604	Phénotype WES(a)
003509	Phénotype Sw(a)	003608	Phénotype WES(b)
003513	Phénotype Tar	003612	Phénotype WH

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001528	Phénotype Wr(b)		
003622	Phénotype Wu		
001566	Phénotype Xg(a)		
001570	Phénotype Yk(a)		
001562	Phénotype Yt(a)		
001563	Phénotype Yt(b)		
003638	Phénotype ZENA		



23-922-04W