

RÉPERTOIRE QUÉBÉCOIS ET SYSTÈME DE MESURE DES PROCÉDURES DE BIOLOGIE MÉDICALE

2022-2023

LES ANNEXES

ÉDITION

La Direction des communications du ministère de la Santé et des Services sociaux

Le présent document s'adresse spécifiquement aux intervenants du réseau québécois de la santé et des services sociaux et n'est accessible qu'en version électronique à l'adresse :

msss.gouv.qc.ca section, **Publications**

Le genre masculin utilisé dans ce document désigne aussi bien les femmes que les hommes.

Dépôt légal

Bibliothèque et Archives nationales du Québec, 2022

ISBN : ISBN : 978-2-550-91626-0 (version PDF)

Tous droits réservés pour tous pays. La reproduction, par quelque procédé que ce soit, la traduction ou la diffusion de ce document, même partielles, sont interdites sans l'autorisation préalable des Publications du Québec. Cependant, la reproduction de ce document ou son utilisation à des fins personnelles, d'étude privée ou de recherche scientifique, mais non commerciales, sont permises à condition d'en mentionner la source.

© Gouvernement du Québec, 2022

ANNEXES 2022-2023

Annexe A	Informations.....	1
Annexe B	Analyses de biologie médicale (ordre numérique)	3
Annexe C	Liste des techniques de dosage des anticorps	75
Annexe D	Retirée	
Annexe E	Liste des codes retirés	85
Annexe F	Informations pour la banque de sang.....	89
Annexe G	Calendrier de transmission des données d'activité de laboratoire pour l'année financière débutant le 1 ^{er} avril 2022.....	121
Annexe H	Retirée	
Annexe I	Liste des établissements désignés pour les analyses suprarégionales (consulter à cet effet le Répertoire Web des procédures de biologie médicale)	
Annexe J	Retirée	
Annexe K	Analyses associées au dépistage néonatal sanguin et urinaire	123
Annexe L	Retirée	
Annexe M	Distribution des allergènes	127
Annexe N	Phénotypes érythrocytaires particuliers pour Héma-Québec (code 19366).....	137

INFORMATIONS

Veuillez prendre note que toute information inscrite en rouge au *Répertoire 2022-2023* constitue une mise à jour par rapport à l'année précédente.

Toute **information supplémentaire** relative au *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2022-2023 doit être acheminée au ministère de la Santé et des Services sociaux (MSSS) par courrier électronique à l'adresse suivante : biomed@msss.gouv.qc.ca.

Chaque demande d'ajout d'analyse au *Répertoire* doit inclure :

Évaluation de la pertinence :

- le formulaire de demande d'évaluation de la pertinence d'une nouvelle analyse (fichier original et copie PDF signée) ;
- le calcul de la valeur pondérée théorique (fichier Excel détaillé du calcul et copie PDF signée). Le formulaire est disponible sur demande à l'adresse suivante : biomed@msss.gouv.qc.ca ;
- les études d'intérêt ou les articles publiés concernant l'analyse proposée (minimum suggéré de deux études ou articles) ;
- toute référence économique pertinente à l'évaluation de cet aspect (si disponible) ;
- les lignes directrices d'organisation (si disponibles) ;
- la monographie de la trousse (s'il y a lieu) ;
- la procédure opératoire normalisée (PON) ou le protocole.



Il importe que les demandes soient préalablement documentées et signées et que les coordonnées du requérant (nom, téléphone et titre d'emploi) y soient fournies.

Pour toute information supplémentaire relative au processus d'introduction d'analyses au *Répertoire*, consultez la page de la biologie médicale sur le site Internet du MSSS, section « Professionnels », thématique « Soins et services ».

Pilotage d'orientation :



Direction de la biovigilance et de la biologie médicale
Direction générale des affaires universitaires, médicales, infirmières et pharmaceutiques

Ministère de la Santé et des Services sociaux

✓ Adresse courriel : biomed@msss.gouv.qc.ca



La version électronique du *Répertoire québécois et système de mesure des procédures de biologie médicale*, édition 2022-2023, se trouve sur le site Web du MSSS à l'adresse suivante : <https://publications.msss.gouv.qc.ca/msss/>.

ANNEXE A

Centre de services de la DGTI-MSSS

Toute demande d'information relative à l'application des bases de données GestLab et Centralab doit être adressée au Centre de services de la DGTI-MSSS. Vous pouvez consulter leur site Internet à l'adresse suivante :

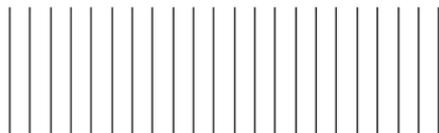
ti.msss.gouv.qc.ca/Nous-joindre.aspx

Win Info

Toute demande d'information relative à l'application de la base de données MedSip doit être adressée au service de soutien de Win Info. Le site Web Win Info donne également de l'information sur cette application :

www.wininfo.qc.ca

Santé
et Services sociaux
Québec 



*Manuel de
gestion financière*

Les circulaires sur les normes et pratiques de gestion sont disponibles sur le site Web du MSSS.

Adresse Web : www.msss.gouv.qc.ca, section **Publications**, rubrique **Normes et pratiques de gestion (circulaire)**.

Pour toute question relative à ces normes et pratiques de gestion, vous pouvez vous adresser au MSSS :

Direction des normes et des pratiques de gestion réseau
Direction générale adjointe de la gestion financière et des politiques de financement réseau
Direction générale du financement, de l'allocation des ressources et du budget
Ministère de la Santé et des Services sociaux
1075, chemin Sainte-Foy, 5^e étage
Québec (Québec) G1S 2M1
rapfin@msss.gouv.qc.ca

LÉGENDE DES MODIFICATIONS											
C	Procédures modifiées										
N	Procédures ajoutées										
N*	Procédures ajoutées lors de la mise à jour de mi-année 2021-2022										
LÉGENDE DES TYPES DE MODIFICATION											
D	Modification dans la description										
VP	Révision de la valeur pondérée										
VPr	Révision de la valeur pondérée (recalcul)										
S	Modification de la sous-section										
H	Modification de la hiérarchie										
EC	Modification de l'élément de compte										
Réf	Modification à la référence au code numérique										
* Réfère à des indications spécifiques de la partie texte du <i>Répertoire</i>											
Banque de sang : Section 12.1											
Pathologie : Section 12.2											
Prélèvement : Section 12.3											
EBMD : Section 12.4.1											
Biochimie : Section 12.4.2											
Hématologie : Section 12.4.3											
Microbiologie : Section 12.4.4											
Envoi : Section 12.5											
Génétique : Section 12.7											
LÉGENDE DES CODES NUMÉRIQUES											
1	Analyse référée au Laboratoire national de microbiologie										
3	Analyse référée au Laboratoire provincial de l'Ontario										
4	Analyse référée au Bureau des dangers microbiens, Santé Canada										
5	Analyse référée au Laboratoire national des services de référence du VIH										
6	Analyse référée au Centre national de référence en parasitologie										
LÉGENDE INESSS et RQDM											
I	Ajout après évaluation										
R	Ajout dans le cadre du Réseau québécois de diagnostic moléculaire (RQDM)										
LÉGENDE DES SOUS-SECTIONS											
B. S.	Banque de sang										
H-Q imm.	Héma-Québec immunologie										
Bio	Biochimie										
EBMD	Examen de biologie médicale délocalisée										
Micro	Microbiologie										
D. mol.	Diagnostic moléculaire										
CTQ	Centre de toxicologie du Québec										
LSPQ	Laboratoire de santé publique du Québec										
Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
10000						B. S. générale	Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) autocontrôles inclus		Résultat	Local	2,9
10001						B. S. générale	Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus		Rapport	Local	43,0
10002						B. S. générale	Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) (autocontrôles inclus)		Rapport	Local	22,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
10007	*					B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification manuelle)		Panel	Local	30,0
10008	*					B. S. générale	Allo ou auto adsorption à chaud		Adsorption	Régional	68,0
10009	*					B. S. générale	Allo ou auto adsorption à froid		Adsorption	Régional	97,0
10020						B. S. générale	Cellules fœtales (agglutination) (dépistage) (qualitatif)		Rapport	Régional	19,5
10021						Hémato-cyto-chimie	Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)		Résultat	Régional	23,0
10024	*					B. S. générale	Compatibilité (manuelle ou automatisée)		Résultat	Local	5,0
10028						B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisée)		Résultat	Local	2,7
10032						B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube) (manuelle)		Résultat	Local	7,9
10034						B. S. générale	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en gel) (manuelle)		Résultat	Local	5,2
10040	*					Hémato-immunologie	Différenciation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)		Spécimen	Régional	7,3
10041						B. S. générale	Division de produit sanguin labile		Produit final	Local	10,4
10042						B. S. générale	Division de produit sanguin stable ou de lait maternel		Produit final	Local	10,7
10044						B. S. générale	Donath Landsteiner		Résultat	Local	10,6
10045	*					B. S. générale	Décongélation de produit sanguin ou de lait maternel		Produit	Local	1,7
10060	*					B. S. générale	Élution (identification sur éluat incluse)		Rapport	Local	76,0
10085	*					B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)		Rapport	Local	5,5
10086	*					B. S. générale	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)		Rapport	Local	6,9
10110						B. S. générale	Irradiation de produit sanguin dans l'établissement		Résultat	Supra	10,3
10111	*					B. S. générale	Anticorps irréguliers (identification automatisée)		Panel	Local	29,0
10115	*	C	D			B. S. générale	Investigation RhD faible		Résultat	Local	24,0
10133	*					B. S. générale	Poolage produits sanguins labiles		Produit final	Local	26,0
10134	*					B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou du produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)		Résultat	Local	4,5
10135						B. S. générale	Poolage de produits sanguins stables		Produit final	Local	17,3
10136	*					B. S. générale	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	11,5
10137	*					B. S. générale	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)		Résultat	Local	12,7

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
10150						B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)		Résultat	Local	8,0
10151						Hémato-immunocytométrie	Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)		Rapport	Régional	61,0
10152						B. S. générale	Reconstitution de produit sanguin stable (ex. : facteur de coagulation, immunoglobulines, etc.)		Produit	Local	11,8
10153						B. S. générale	Anticorps irréguliers (recherche automatisée)		Résultat	Local	4,6
10170						B. S. générale	Titrage anticorps (par anticorps) (incluant le titrage sur le sérum antérieur)		Résultat	Local	36,0
10173	*					B. S. générale	Traitement cellules (méthode EGA KIT)		Usager	Régional	55,0
10174	*					B. S. générale	Traitement enzymatique (ex.: ficine) pour identification d'anticorps		Usager	Régional	125,0
10176						B. S. générale	Compatibilité électronique		Résultat	Local	1,4
10177						B. S. générale	Retrait de surnageant		Produit final	Local	26,0
10178	*					B. S. générale	Reconstitution d'un produit sanguin labile		Produit final	Local	10,0
10179						B. S. générale	Mise en seringue de produit sanguin labile		Produit final	Local	13,3
10510	*	C	D			B. S. gestion	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé à la réception (à l'usage exclusif de la banque de sang)		Usager	Local	3,0
10511	*	C	D			B. S. gestion	Émission produit sanguin labile/stable, tissu ou lait maternel (inclus confirmation, administration ou remise en inventaire)		Produit	Local	4,7
10512						B. S. gestion	Étude de don antérieur (par cas) (fait par un technologiste)		Usager	Local	7,2
10513	*					B. S. gestion	Étude de réaction transfusionnelle (fait par un technologiste)		Rapport	Local	14,3
10531	*	C	D			B. S. gestion	Rejet produit sanguin, tissu ou lait maternel (fait par un technologiste)		Produit final	Local	1,9
10532	*					B. S. gestion	Emballage de produit (labile ou stable) pour usage de produit sans transfert d'inventaire		Produit	Local	9,5
10533	*					B. S. gestion	Emballage pour expédition de produit sanguin (labile ou stable) OU retour au fournisseur		Produit	Local	6,2
10534						B. S. gestion	Emballage de produits pour administration à domicile et cueillette par l'utilisateur au CH		Usager	Local	10,9
10700	*					B. S. gestion	Réception de produit sanguin labile		Produit	Local	2,0
10701	*					B. S. gestion	Réception de produit sanguin stable, tissu ou lait maternel		Produit	Local	2,4
10702	*					B. S. gestion	Retrait de produit sanguin (fait par un technologiste)		Produit	Local	7,1
10704						B. S. gestion	Réception don autologue, désigné ou dirigé (H-Q)		Produit	Local	7,4
10730	*					B. S. générale	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)		Produit	Local	1,7
19007						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19008						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex)		Rapport	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19010						H-Q imm. plaquettaire	Anti-HPA et HLA (dépistage et identification d'anticorps par Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19030						Héma-Québec	Congélation de cellules souches autologues		Sac	Supra	1,0
19044		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Analyses REF envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19045		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage érythrocytaire complet (SSO)		Rapport	Supra	1,0
19050						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-2 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19051						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-3 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19052						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-4 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19053						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-5 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19054						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-15 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19060						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Jk(a), Jk(b) par SSP		Rapport	Supra	1,0
19061						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Fy(a), Fy(b) par SSP		Rapport	Supra	1,0
19062						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage GATA 1 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19065						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage du RhD faible type 1,2,3 et 42		Rapport	Supra	1,0
19073						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus A basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19075						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus B basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19077						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus C basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19080						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DRB1 basse résolution (SSO Luminex) incluant DRB3/4/5		Rapport	Supra	1,0
19082						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage HPA-1 par SSP		Rapport	Supra	1,0
19083						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage K, k par SSP		Rapport	Supra	1,0
19084						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh (C,c) par SSP		Rapport	Supra	1,0
19085						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh(D), Rh(D) pseudogène par SSP		Rapport	Supra	1,0
19086						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Rh(E,e) par SSP		Rapport	Supra	1,0
19092						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA: Locus DQA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19093						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage S, s par SSP		Rapport	Supra	1,0
19094						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage M, N par SSP		Rapport	Supra	1,0
19095						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1/B1 basse résolution (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19097						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage (REF), Génotype Do(a)/Do(b)		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19098						H-Q imm. plaquettaire	Génotypage plaquettaire complet IDHPA (SSO Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19099						H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage R&D		Rapport	Supra	1,0
19110		C	D			H-Q imm. leucocytaire	Séquençage HLA A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1, DQA1, DPB1, DPA1 (NGS trousse A)		Rapport	Supra	1,0
19111						H-Q imm. leucocytaire	Analyses HLA envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19302						Héma-Québec	Transport du greffon CSP au CH sur demande (par greffon retourné)		Greffon	Supra	1,0
19303	*	C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Dosage semi-quantitatif des IgA		Rapport	Supra	225,0
19304						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe ABO		Rapport	Supra	1,0
19305						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe Rh(D)		Rapport	Supra	1,0
19306						H-Q imm. érythrocytaire	ABO globulaire		Rapport	Supra	1,0
19307						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD 37		Rapport	Supra	1,0
19308						H-Q imm. érythrocytaire	Groupe RhD AGH		Rapport	Supra	1,0
19309						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 22		Rapport	Supra	1,0
19310						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO 4		Rapport	Supra	1,0
19311						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé		Rapport	Supra	1,0
19312						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19313						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO glob hématies enzymées		Rapport	Supra	1,0
19314						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique sédimentation		Rapport	Supra	1,0
19315						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérique préchauffé sédim		Rapport	Supra	1,0
19316						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire EGA		Rapport	Supra	1,0
19317						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 22		Rapport	Supra	1,0
19318						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO globulaire 4		Rapport	Supra	1,0
19319						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance ABO sérum AB		Rapport	Supra	1,0
19320						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine A1		Rapport	Supra	1,0
19321						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype ABO lectine H		Rapport	Supra	1,0
19322						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD Hématies lavées à chaud		Rapport	Supra	1,0
19323						H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD EGA		Rapport	Supra	1,0
19324		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 2 ^e source		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19325		C	D			H-Q imm. érythrocytaire	Discordance RhD 3 ^e source		Rapport	Supra	1,0
19326						H-Q imm. érythrocytaire	TDA (test direct à l'antiglobuline)		Rapport	Supra	1,0
19327						H-Q imm. érythrocytaire	TDA tube détaillé		Rapport	Supra	1,0
19328						H-Q imm. érythrocytaire	TDA lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19329						H-Q imm. érythrocytaire	TDA détaillé lavé à chaud		Rapport	Supra	1,0
19330						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19331						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire Éluat		Rapport	Supra	1,0
19332						H-Q imm. érythrocytaire	Test de compatibilité érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19333						H-Q imm. érythrocytaire	Inactivation/Inhibition		Rapport	Supra	1,0
19334						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 1 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19335						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 2 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19336						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 3 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19337						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 4 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19338						H-Q imm. érythrocytaire	Titration 5 anticorps érythrocytaire		Rapport	Supra	1,0
19339						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 1 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19340						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 2 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19341						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 3 Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19342						H-Q imm. érythrocytaire	Titration anticorps érythrocytaire parallèle 4 et plus Ac (grossesse)		Rapport	Supra	1,0
19343						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : C		Rapport	Supra	1,0
19344						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : E		Rapport	Supra	1,0
19345						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : c		Rapport	Supra	1,0
19346						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : e		Rapport	Supra	1,0
19347						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : K		Rapport	Supra	1,0
19348						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : S		Rapport	Supra	1,0
19349						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : s		Rapport	Supra	1,0
19350						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fya		Rapport	Supra	1,0
19351						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Fyb		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19352						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jka		Rapport	Supra	1,0
19353						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier : Jkb		Rapport	Supra	1,0
19354						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Cw		Rapport	Supra	1,0
19355						H-Q imm. érythrocytaire	phénotype régulier autres : M		Rapport	Supra	1,0
19356						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : N		Rapport	Supra	1,0
19357						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : P1		Rapport	Supra	1,0
19358						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lea		Rapport	Supra	1,0
19359						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Leb		Rapport	Supra	1,0
19360						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : k		Rapport	Supra	1,0
19361						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpa		Rapport	Supra	1,0
19362						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Kpb		Rapport	Supra	1,0
19363						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lua		Rapport	Supra	1,0
19364						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Lub		Rapport	Supra	1,0
19365						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype régulier autres : Wra		Rapport	Supra	1,0
19366						H-Q imm. érythrocytaire	Phénotype érythrocytaire particulier		Rapport	Supra	1,0
19367						H-Q imm. érythrocytaire	Traitement des hématies EGA		Rapport	Supra	1,0
19368						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire de haute fréquence		Rapport	Supra	1,0
19369						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire différents enzyme		Rapport	Supra	1,0
19370						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire phase solide		Rapport	Supra	1,0
19371						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire technique tube		Rapport	Supra	1,0
19372						H-Q imm. érythrocytaire	Identification d'anticorps érythrocytaire cellules de collections		Rapport	Supra	1,0
19373						H-Q imm. érythrocytaire	Auto adsorption (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19374						H-Q imm. érythrocytaire	Allo adsorption différentielles (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19375						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption Rest/HPC		Rapport	Supra	1,0
19376						H-Q imm. érythrocytaire	Adsorption/élution (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0
19377						H-Q imm. érythrocytaire	Test de Donath-Landsteiner		Rapport	Supra	1,0
19378						H-Q imm. érythrocytaire	Test d'amplitude thermique (érythrocytaire)		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19379						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19380						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19381						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIb/IX par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19382						H-Q imm. plaquettaire	Anti-Gov par MAIPA (méthode régulière)		Rapport	Supra	1,0
19383						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIIb/IIIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19384						H-Q imm. plaquettaire	Anti-GPIa/IIa par MAIPA (méthode optimisée)		Rapport	Supra	1,0
19385		C	D			H-Q imm. plaquettaire	MAIPA avec traitement du sérum		Rapport	Supra	1,0
19386						H-Q imm. plaquettaire	Analyses PLT envoyées à l'externe		Rapport	Supra	1,0
19387						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	1,0
19388						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	1,0
19389						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	1,0
19390						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19391						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	1,0
19392						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	1,0
19393						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (dépistage des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	1,0
19394						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	1,0
19395						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	1,0
19396						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe I par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	1,0
19397						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex)		Rapport	Supra	1,0
19398						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement DTT)		Rapport	Supra	1,0
19399						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement EDTA)		Rapport	Supra	1,0
19400						H-Q imm. leucocytaire	Anti-HLA (identification des anti-HLA classe II par Luminex, pré-traitement dilution)		Rapport	Supra	1,0
19401		C	D			H-Q imm. leucocytaire	Séquençage HLA A, B, C, DRB1, DRB3/4/5, DQB1, DQA1, DPB1, DPA1 (NGS trousse B)		Rapport	Supra	1,0
19402						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus A haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19403						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus B haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19404						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus C haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19405						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB1 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
19406						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB3 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19407						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB4 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19408						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB5 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19409						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQA1 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19410						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQB1 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19411						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19412						H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution NGS, trousse A		Rapport	Supra	1,0
19424		N				H-Q imm. érythrocytaire	Dépistage des anti-IgA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
19425		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage CEAG par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19426		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Knops par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19427		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage Yka Par SSP		Rapport	Supra	1,0
19428		N				H-Q imm. érythrocytaire	Génotypage RhD Position 48 par RFLP		Rapport	Supra	1,0
19429		N				H-Q imm. érythrocytaire	MMA (Test R&D)		Rapport	Supra	1,0
20000						Hémato-hémostase	Agrégation plaquettaire (par agent)		Résultat	Régional	43,0
20001						Hémato-immunologie	Alpha-2 macroglobuline (antigène)		Résultat	Supra	15,0
20003						Hémato-immunologie	Anticardiolipine (IgG ou IgM)		Résultat	Régional	7,8
20005						Hémato-immunologie	Anticardiolipine anticorps (total)		Résultat	Régional	31,0
20006						Hémato-hémostase	Anticoagulants circulants (3 mélanges + incubation)		Rapport	Régional	16,4
20007						Hémato-hémostase	Anti-héparine (méthode agrégation plaquettaire)		Résultat	Supra	79,0
20008						Hémato-immunologie	Anti Bêta-2 glycoprotéine 1 IgG ou IgM		Résultat	Régional	11,9
20009						Hémato-hémostase	Anti Facteur Von Willebrand (anti-FVW)		Résultat	Supra	14,1
20011						Hémato-immunologie	Anti-héparine-FP4 (ELISA)		Résultat	Régional	60,0
20013						Hémato-hémostase	Antiplasmine (activité)		Résultat	Supra	22,0
20014						Hémato-hémostase	Antithrombine (activité)		Résultat	Régional	4,0
20015						Hémato-hémostase	Antithrombine (antigène)		Résultat	Supra	8,6
20019						Hémato-immunologie	Anti-saccharomyces IgA ou IgG (ASCA)		Rapport	Supra	20,0
20020						Hémato-immunologie	Anti-centromere Protein B (CENP-B)		Rapport	Supra	9,2

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20022					I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-C1 inhibiteur (ELISA) (quantitatif)		Rapport	Supra	116,0
20040						Hémato-hémostase	Cofacteur de la ristocétine		Résultat	Régional	24,0
20041						Hémato-hémostase	Cofacteur II de l'héparine (activité)		Résultat	Supra	22,0
20044						Hémato-hémostase	Cryofibrinogène		Résultat	Régional	5,2
20060						Hémato-hémostase	D-Dimère (semi-quantitatif ou qualitatif ou sur lame)		Résultat	Local	11,0
20061						Hémato-hémostase	D-Dimère (ELISA)		Résultat	Local	19,1
20062						Hémato-hémostase	D-Dimère (automatisé)		Résultat	Local	15,5
20064						D. mol. hémato-greffe	HLA-B27 (TaqMan)		Rapport	Supra	22,0
20077						Hémato-greffe	Sélection avec micro-billes de sous-populations de lymphocytes pour analyse moléculaire CD3 et CD33 (incluant Ficoll)		Rapport	Supra	353,0
20080						Hémato-hémostase	Facteur de coagulation (II, V, VII, VIII, IX, X, XI et XII) (activité)		Résultat	Régional	6,6
20086						Hémato-hémostase	Facteur VII (antigène)		Résultat	Supra	23,0
20088						Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (activité) (ELISA)		Résultat	Supra	13,0
20089						Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (antigène)		Résultat	Régional	6,4
20090		C	D			Hémato-hémostase	Facteur Von Willebrand (multimères)		Rapport	Supra	87,0
20092						Hémato-hémostase	Facteur X (antigène)		Résultat	Supra	26,0
20098						Hémato-hémostase	Facteur XIII (activité) (quantitatif)		Résultat	Supra	18,9
20101						Hémato-hémostase	Fibrinogène (antigène)		Résultat	Supra	19,6
20102						Hémato-hémostase	Fibrinogène (activité)		Résultat	Local	2,4
20103						Hémato-hémostase	Fonction plaquettaire à la luminescence (par agent)		Résultat	Régional	32,0
20106						Hémato-hémostase	Facteur XIII (test de solubilité)		Résultat	Régional	4,3
20107						Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - activité (dosage quantitatif)		Résultat	Supra	192,0
20108						Hémato-hémostase	Anti-IIa-activité (dosage quantitatif) (Dabigatran)		Résultat	Régional	24,0
20109						Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Rivaroxaban)		Résultat	Régional	56,0
20110						Hémato-hémostase	Anti-Facteur XIII (dosage quantitatif) (ELISA)		Résultat	Supra	35,0
20111						Hémato-hémostase	Facteur XIII (sous-unité A) (dosage quantitatif) (ELISA)		Résultat	Supra	36,0
20113		C	H		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Édoxaban)		Résultat	Régional	248,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20114					I	Hémato-hémostase	Facteur I antigénique (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	235,0
20115		C	H		I	Hémato-hémostase	Anti-Xa-activité (dosage quantitatif) (Apixaban)		Résultat	Régional	313,0
20116		C	D		I	Hémato-hémostase	Anti-facteur H (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	176,0
20118					I	Hémato-hémostase	Facteur IX (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	57,0
20122					I	Hémato-hémostase	Facteur VIII (détermination de la concentration) (méthode chromogène)		Rapport	Supra	24,0
20130						Hémato-hémostase	Héparine anti-Xa		Résultat	Local	5,4
20140						Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation (qualitatif)		Résultat	Supra	36,0
20141						Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur de la coagulation (quantitatif) (3 dilutions)		Résultat	Supra	72,0
20142						Hémato-hémostase	Inhibiteur de facteur VIII porcin		Résultat	Supra	110,0
20143						Hémato-hémostase	Anti-facteur VIII (détection) (ELISA)		Rapport	Supra	8,4
20144						Hémato-hémostase	Anti-facteur IX (détection) (ELISA)		Rapport	Supra	6,4
20145						Hémato-hémostase	Anti-glucocerebrosidase (détection)		Rapport	Supra	7,3
20146						Hémato-hémostase	ADAMTS-13 - antigène (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	25,0
20147					I	Hémato-hémostase	Anticorps anti-ADAMTS-13 (ELISA) (quantitatif)		Rapport	Supra	116,0
20160						Hémato-hémostase	Kaolin clotting time (KCT)		Rapport	Régional	18,3
20170						Hémato-hémostase	Lyse des euglobulines		Rapport	Supra	13,5
20190						Hémato-hémostase	Inhibiteur de l'activateur du plasminogène (PAI-1) (activité)		Résultat	Supra	35,0
20191						Hémato-hémostase	Plasminogène (activité)		Résultat	Supra	9,6
20194						Hémato-hémostase	Prékallcréine (activité)		Résultat	Supra	11,9
20196						Hémato-hémostase	Protéine C (activité)		Résultat	Régional	8,7
20197						Hémato-hémostase	Protéine C (antigène)		Résultat	Régional	12,8
20198						Hémato-hémostase	Protéine S (activité)		Résultat	Régional	6,0
20199						Hémato-hémostase	Protéine S libre (antigène)		Résultat	Régional	14,7
20200						Hémato-hémostase	Protéine S totale (antigène)		Résultat	Supra	63,0
20220						Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée		Résultat	Régional	5,8
20221						Hémato-hémostase	Résistance à la protéine C activée (avec calcul de 3 ratios)		Résultat	Régional	23,0
20222						Hémato-hémostase	Rétraction du caillot sur plasma riche en plaquettes		Résultat	Supra	14,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20240						Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé (TCA) ou temps de thrombine (TT) ou temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) sur mélange 50/50		Rapport	Local	3,1
20241						Hémato-hémostase	Temps de céphaline activé ou temps de céphaline + activateur (TCA)		Résultat	Local	1,3
20242						Hémato-hémostase	Temps de céphaline après neutralisation de l'héparine (TCA)		Résultat	Local	11,8
20243						Hémato-hémostase	Temps de prothrombine (temps de Quick) (INR) incluant fibrinogène dérivé		Résultat	Local	1,2
20244						Hémato-hémostase	Temps de reptilase		Résultat	Supra	6,8
20245						Hémato-hémostase	Temps de saignement in vitro (par agent) (PFA-100)		Résultat	Local	28,0
20246						Hémato-hémostase	Temps de saignement in vivo		Résultat	Local	22,0
20247						Hémato-hémostase	Temps de Stypven dilué (DRVVT ou temps de Russell) (incluant confirmation)		Rapport	Régional	8,8
20248						Hémato-hémostase	Temps de thrombine (TT)		Résultat	Local	2,2
20249						Hémato-hémostase	Test de liaison du FVW au collagène		Résultat	Supra	13,7
20250						Hémato-hémostase	Test de liaison du FVIII au FVW		Résultat	Supra	11,4
20251						Hémato-hémostase	Test de neutralisation par les phospholipides (PNP)		Rapport	Régional	5,1
20252						Hémato-hémostase	Test d'inhibition de la thromboplastine tissulaire diluée		Rapport	Régional	7,2
20254						Hémato-hémostase	Thromboélastographie		Rapport	Régional	59,0
20255						Hémato-hémostase	Activateur tissulaire du plasminogène (activité) (tPA)		Résultat	Supra	223,0
20259						Hémato-hémostase	Neutralisation des phospholipides en phase hexagonale (coagulométrie)		Résultat	Supra	23,0
20300						Prélèvements	Assistance à l'infusion de CPH/DLI (excluant déplacement)		Sac	Supra	9,5
20303					I	Hémato-hémostase	Ecarin clotting test (ECT)		Rapport	Supra	223,0
20304					I	Hémato-hémostase	Eculizumab plasmatique (dosage quantitatif) (ELISA)		Rapport	Supra	203,0
20320						Hémato-cytologie	Cytologie des liquides (manuelle)		Rapport	Local	20,0
20321						Hémato-cytologie	Cytologie des liquides avec cytospin		Rapport	Local	17,3
20342						Hémato-cytologie	Éosinophiles (sécrétions nasales ou urine)		Résultat	Local	8,6
20360						Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) Thiosulfite		Résultat	Régional	21,0
20361						Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-Plaq. automatisée		Rapport	Local	1,2
20362	*					Hémato-cytologie	Formule différentielle (manuelle) (incluant coloration)		Rapport	Local	5,2
20363	*					Hémato-cytologie	Évaluation globules rouges et plaquettes (frottis d'orientation) (incluant coloration)		Rapport	Local	2,9

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20364						Hémato-cytologie	Formule sanguine complète (FSC) ou Hb-Ht-plaq. micro-méthode (automatisé)		Rapport	Local	1,7
20380	*					Hémato-cytologie	Leucocytes (sang) (manuel)		Résultat	Local	4,2
20381						Hémato-cytologie	Sédimentation automatisée		Résultat	Local	1,7
20390						Hémato-immunologie	Haptoglobine		Résultat	Régional	4,9
20391						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine plasmatique (excluant bandelette)		Résultat	Régional	8,0
20430						Hémato-cytologie	Moelle osseuse (différentielle manuelle faite par un technologiste médical incluant la lecture de 2 lames)		Rapport	Régional	32,0
20450						Hémato-cytologie	Plaquettes (sang) (manuel)		Résultat	Local	12,0
20470						Hémato-cytologie	Réticulocytes (automatisé)		Résultat	Local	1,4
20471						Hémato-cytologie	Réticulocytes (manuel)		Résultat	Local	2,5
20472						Hémato-cytologie	Réticulocytes (semi-automatisé incluant prétraitement)		Résultat	Local	3,4
20490						Hémato-cytologie	Sédimentation manuelle		Résultat	Local	1,9
20494						Hémato-érythrocytaire	Falciformation (test de) métabisulfite		Résultat	Régional	5,7
20601						Hémato-greffe	Allogreffe avec incompatibilité mineure ABO : évaluation		Rapport	Supra	109,0
20602						Hémato-greffe	Allo compatible / allo incompatibilité majeure / autogreffe / DLI : évaluation du greffon pour le 1 ^{er} sac		Rapport	Supra	79,0
20603						Hémato-greffe	Allogreffe CPH-M avec incompatibilité majeure : traitement au pentaspan ou appareil d'aphérèse (TMO) (évaluation)		Rapport	Supra	772,0
20606	*					Hémato-greffe	Cryopréservation CPH/DLI pour 1 ^{er} sac		Rapport	Supra	168,0
20607						Hémato-greffe	Infusion de CPH/DLI cryopréservé (préparation à la distribution)		Rapport	Supra	70,0
20610						Hémato-greffe	Évaluation d'un sac CPH supplémentaire		Sac	Supra	20,0
20620						Hémato-greffe	Cryopréservation de CD3 ou CD34 ou MNC (aliquot)		Spécimen	Supra	53,0
20622						Hémato-greffe	Culture cellulaire complète de progéniteurs hématopoïétiques : aspiration de moelle osseuse ou sang		Spécimen	Supra	351,0
20624						Hémato-greffe	Culture cellulaire des BFU-E ou CFU-GEMM (avec agents thérapeutiques)		Spécimen	Supra	601,0
20628		C		D, VP		Hémato-greffe	Culture cellulaire de progéniteurs hématopoïétiques : unités de CPH (aphérèse, moelle osseuse, sang de cordon)		Spécimen	Supra	107,0
20629						Hémato-greffe	Culture cellulaire de BFU-E avec et sans érythropoïétine		Spécimen	Supra	210,0
20632						Hémato-greffe	Culture de progéniteurs mégacaryocytes		Spécimen	Supra	222,0
20635		C		VP		Hémato-greffe	Cryopréservation CPH/DLI pour sac supplémentaire		Sac	Supra	53,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20639						Hémato-greffe	Dilution de CPH-C cryopréservé et évaluation		Rapport	Supra	265,0
20640						Hémato-greffe	Extraction du DMSO de CPH et évaluation		Rapport	Supra	370,0
20641						Hémato-greffe	Inactivation du complément à 56°C		Spécimen	Supra	2,9
20647	*					Hémato-greffe	Isolement de cellules mononucléées par centrifugation sur gradient de densité		Spécimen	Supra	31,0
20649						Hémato-immunocytométrie	Énumération de cellules progénitrices hématopoïétiques (CD34)		Rapport	Supra	60,0
20651						Hémato-greffe	Préparation de gouttes ophtalmiques autologues pour sécheresse oculaire		Usager	Supra	128,0
20664		C	EC, VP			Hémato-immunologie	Anti-cytoplasme des neutrophiles ANCA		Rapport	Supra	31,0
20665	*					Hémato-greffe	Sélection + ou - de cellules du sang ou de la moelle osseuse avec microbilles		Spécimen	Supra	157,0
20667						Hémato-greffe	Sélection positive des CD34 sur CPH avec CliniMacs 161-01		Rapport	Supra	8 338,0
20668						Hémato-greffe	Sélection positive des CD34 sur CPH avec CliniMacs 162-01		Rapport	Supra	14 775,0
20669					I	Micro-imm-séro.	Hépatite B (HBsAg); dosage immunologique microparticulaire par chimiluminescence (CMIA) (quantitatif)		Résultat	Supra	15,4
20670						Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgM spécifique		Résultat	Régional	16,0
20671						Micro-imm-séro.	Hépatite A (VHA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	9,0
20672						Micro-imm-séro.	Hépatite B (anticorps antigène de surface) (anti-HBs) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	4,9
20673						Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	4,9
20674						Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBc) IgM spécifique		Résultat	Régional	10,0
20675						Micro-imm-séro.	Hépatite B (anti-HBe) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	7,0
20676						Micro-imm-séro.	Hépatite B (antigène de surface) (HbsAg)		Résultat	Local	5,5
20677						Micro-imm-séro.	Hépatite B (HbeAg) (antigène)		Résultat	Régional	5,9
20678						Micro-imm-séro.	Hépatite C (anti-VHC) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,4
20680						Hémato-immunocytométrie	Activation des neutrophiles		Rapport	Supra	90,0
20682						Hémato-immunologie	Anti-ADN (ELISA)		Résultat	Régional	5,4
20683						Hémato-immunologie	Anti-ADN (immunofluorescence) (<i>Crithidia luciliae</i>)		Résultat	Régional	6,7
20684						Hémato-immunologie	Anti-cellules pariétales		Résultat	Régional	13,5
20685						Hémato-immunologie	Anti-centromères		Résultat	Régional	5,1
20686						Hémato-immunologie	Anti-cochlée		Rapport	Supra	70,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20691						Hémato-immunologie	Anti-facteur intrinsèque		Rapport	Régional	7,7
20694						Hémato-immunologie	Anti-histone (ELISA)		Résultat	Supra	5,3
20695						Hémato-greffe	Anti-HLA-PRA (microlymphocytotoxicité)		Résultat	Supra	23,0
20696						Hémato-immunologie	Anti-ilots de Langherans		Rapport	Supra	22,0
20698						Hémato-immunologie	Anti-Jo-1		Résultat	Régional	9,9
20699						Hémato-immunologie	Anti-LKM (anti-liver kidney microsomes)		Rapport	Supra	13,6
20701						Hémato-immunologie	Anti-membrane basale glomérulaire		Résultat	Régional	11,1
20702						Hémato-immunologie	Anti-mitochondries		Rapport	Régional	13,5
20703						Hémato-immunologie	Anti-muscle lisse		Rapport	Régional	13,5
20704						Hémato-immunologie	Anti-muscle strié		Rapport	Supra	29,0
20705						Hémato-immunologie	Anti-myélopéroxydase (anti-MPO)		Résultat	Régional	5,6
20709						Hémato-immunologie	Anti-protéinase 3 (anti-PR3)		Résultat	Régional	5,8
20710						Hémato-immunologie	Anti-ribonucléoprotéines (RNP)		Résultat	Régional	5,8
20711						Hémato-immunologie	Anti-Scl 70 (topoisomérase)		Résultat	Régional	6,6
20712						Hémato-immunologie	Anti-Sm		Résultat	Régional	5,4
20713						Hémato-immunologie	Anti-SSA (Ro)		Résultat	Régional	6,7
20714						Hémato-immunologie	Anti-SSB (La)		Résultat	Régional	5,4
20716						Hémato-immunologie	Anti-surrénaux		Rapport	Supra	30,0
20717		C	H			Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ANA) (dépistage par immunofluorescence) (par dilution)		Rapport	Régional	9,1
20718						Hémato-immunologie	Anti-peptides cycliques citrulinés (Anti-CCP)		Résultat	Régional	9,3
20719						Hémato-immunologie	Anti-nucléaires (ENA) (dépistage par ELISA)		Résultat	Régional	7,1
20720						Hémato-immunologie	Anti-réticuline		Rapport	Régional	15,5
20721						Hémato-immunologie	Anti-bordure en brosse		Rapport	Régional	15,5
20722						Hémato-immunologie	Anti-canalicule biliaire		Rapport	Régional	15,5
20723		C	H			Hémato-immunologie	Anti-muscle-cardiaque		Rapport	Supra	105,0
20724		C	H			Hémato-immunologie	Anti-endomysium		Rapport	Supra	19,2
20725						Hémato-immunologie	Anti-membrane basale cutanée et anti-substance intercellulaire		Rapport	Supra	42,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20739						Hémato-cyto-chimie	Bleu de toluidine		Rapport	Régional	2,8
20765						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine chromatographie		Rapport	Régional	12,3
20768						Hémato-immunocytométrie	Compatibilité cellulaire par cytométrie en flux (Flow x-match)		Résultat	Supra	277,0
20769						Hémato-immunologie	Composantes du complément (activité)		Résultat	Supra	78,0
20771						Bio-immuno.	Complément sérique total (CH50) (activité)		Résultat	Supra	21,0
20772						Hémato-immunologie	Complexes immuns circulants		Rapport	Supra	12,5
20773						Hémato-érythrocytaire	Corps de Heinz		Résultat	Régional	6,0
20774						Hémato-immunologie	Cryoglobulines (qualitatif)		Rapport	Local	8,3
20775						Hémato-immunologie	Cryoglobulines (quantitatif)		Rapport	Régional	74,0
20776						Hémato-immunologie	Complément C3 (antigène)		Résultat	Local	5,1
20777						Hémato-immunologie	Complément C4 (antigène)		Résultat	Local	5,1
20778						Hémato-immunologie	Activation des TLR(2, 4) par clivage du CD62L		Rapport	Supra	262,0
20781						Hémato-immunologie	Fas Ligand (dosage) (sérique)		Rapport	Supra	6,1
20784						Hémato-immunologie	Interferon Gamma induite par IL-12 (sécrétion) (dosage) (ELISA)		Rapport	Supra	558,0
20800						Hémato-greffe	Déplétion plasmatique ou érythrocytaire par centrifugation de CPH et évaluation		Centrifugation	Supra	36,0
20804						Hémato-cyto-chimie	Coloration de mégacaryocytes		Rapport	Supra	196,0
20820	*					Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine électrophorèse (agarose ou capillaire)		Rapport	Régional	19,1
20825						Hémato-érythrocytaire	Enzymes érythrocytaires (par enzyme) (G6PD, 6PGD, PK, HX, GPI)		Résultat	Régional	22,0
20826						Hémato-greffe	Déplétion érythrocytaire par appareil Cobe 2991 et évaluation		Rapport	Supra	166,0
20827						Hémato-érythrocytaire	Érythropoïétine (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	14,4
20828						Hémato-cyto-chimie	Estérases non spécifiques		Résultat	Régional	11,8
20829						Hémato-cyto-chimie	Estérases spécifiques		Résultat	Régional	16,1
20850						Hémato-immunologie	Complément Facteur B (antigène)		Résultat	Supra	116,0
20852						Hémato-cyto-chimie	Fer médullaire (Bleu de Prusse)		Rapport	Régional	5,8
20900						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine (électrophorèse des chaînes de globine)		Rapport	Régional	9,0
20902						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine A2		Résultat	Régional	14,1
20918						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	206,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20921						Hémato-greffe	HLA-ABC (microlymphocytotoxicité)		Rapport	Supra	142,0
20928						D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	54,0
20929						D. mol. hémato-greffe	HLA-DQB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	100,0
20932						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSP-basse résolution)		Rapport	Supra	54,0
20933						D. mol. hémato-greffe	HLA-DQA1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Rapport	Supra	111,0
20935						Hémato-immunocytométrie	HLA-B27, marqueur de surface		Résultat	Régional	21,0
20937						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 spécifique (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	86,0
20938						D. mol. hémato-greffe	HLA-A spécifique (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	109,0
20940						D. mol. hémato-greffe	HLA-B spécifique (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	108,0
20941						D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	209,0
20942						D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSP-basse résolution)		Résultat	Supra	78,0
20943						Hémato-greffe	Ac anti-HLA Classe I - II (dépistage) (ELISA)		Résultat	Supra	172,0
20947						D. mol. hémato-greffe	HLA (séquençage) (résolution d'ambiguïtés)		Résultat	Supra	109,0
20948						D. mol. hémato-greffe	HLA-DPA1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	90,0
20949						D. mol. hémato-greffe	HLA-DPB1 (génotypage) (SSP-haute résolution)		Résultat	Supra	117,0
20950						D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	144,0
20951						D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C (génotypage) (SSO basse résolution)		Résultat	Supra	79,0
20952						D. mol. hémato-greffe	HLA-DPA1/DPB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	72,0
20953						D. mol. hémato-greffe	HLA-DQA1/DQB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Rapport	Supra	77,0
20954						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSO haute résolution)		Résultat	Supra	134,0
20955						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB1 (génotypage) (SSO basse résolution)		Résultat	Supra	83,0
20956						D. mol. hémato-greffe	HLA-DRB3/4/5 (génotypage) (SSO basse résolution)		Résultat	Supra	101,0
20958						Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T (CD3/4/8/45)		Rapport	Régional	39,0
20959						Hémato-immunocytométrie	Marqueurs de surface lymphocytaire T-B-NK (CD3/4/8/19/16+56/45)		Rapport	Régional	111,0
20961						Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (antigène)		Résultat	Supra	8,3
20962						Hémato-immunologie	Facteur C3 néphritique (activité) (C3NEF)		Résultat	Supra	230,0
20966						Hémato-immunologie	Complément-Inhibiteur du C1 (activité)		Résultat	Supra	41,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
20968						D. mol. hémato-greffe	HLA-A ou -B ou -C ou -DRB1 ou -DQB1 (génotypage) (séquençage de nouvelle génération) (haute résolution)		Rapport	Supra	633,0
20969	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs NK (panel NK-CLPD)		Rapport	Supra	162,0
20971						Hémato-greffe	Anti-HLA spécificité classe I		Rapport	Supra	141,0
20972						Hémato-greffe	Anti-HLA spécificité classe II		Rapport	Supra	121,0
20973	*					Hémato-immunocytométrie	Panel maladie résiduelle minimale de la LLA-B (panel MRD LLA-B)		Rapport	Supra	256,0
20974	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs B (panel B-CLPD)		Rapport	Supra	174,0
20975	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës B (panel LLA-B)		Rapport	Supra	268,0
20976	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies lymphoïdes aiguës T (panel LLA-T)		Rapport	Supra	234,0
20977	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des leucémies myéloïdes aiguës/SMD (panel LMA/SMD)		Rapport	Supra	358,0
20978	*					Hémato-immunocytométrie	Marquage de surface ou intracellulaire (par marqueur)		Résultat	Régional	10,3
20979	*					Hémato-immunocytométrie	Panel des dyscrasies plasmocytaires (myélome multiple) (panel PCD)		Rapport	Supra	132,0
20983						Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (coloration)		Usager	Local	1,9
20993						Hémato-cyto-chimie	Moelle osseuse (fixation sans coloration)		Usager	Local	1,4
20994						Hémato-immunocytométrie	Prolifération des lymphocytes T (PHA)		Rapport	Supra	108,0
20995						Hémato-immunologie	Activation du complément (ELISA)		Résultat	Régional	16,9
20996						Hémato-immunologie	Complément C1q (antigène)		Résultat	Supra	28,0
20997						Hémato-immunologie	Complément-Facteur H (antigène)		Résultat	Supra	70,0
20998						Hémato-greffe	Isolement lymphocytes T ou B du sang total par sélection négative		Rapport	Supra	53,0
20999						Hémato-immunologie	Maladie de Devic (neuromyélite optique) (anti-NMO) (immunofluorescence)		Résultat	Supra	61,0
21000						Hémato-immunologie	Myosite détection anti antigène (Mi-2a, Mi-2b, Ku, Pm-Sc1-100, SRP, Pm-Sc1-75, Jo-1 (Myos), PI-7, PI-12, EJ, OJ, Ro-52, MDA-5, TIFgamma, NXP2, SAE1)		Rapport	Supra	59,0
21001		N*				Hémato-immunocytométrie	Panel maladie résiduelle minimale de la LLA-B (panel MRD LLA-B) - Pédiatrique		Rapport	Supra	256,0
21005		C	VP		I	Hémato-immunologie	Sclérodémie systémique (ScS); Détection d'IgG dirigés contre 7 antigènes (Sc1-70, CENP-A, CENP-B, RP11, RP155, fibrillarine, Th/To) (Immunobuvardage)		Rapport	Supra	64,0
21020						Hémato-cyto-chimie	Periodic Acid Schiff (P.A.S.)		Rapport	Régional	8,5
21023						Hémato-cyto-chimie	Myéloperoxydase		Rapport	Régional	7,5
21026						Hémato-cyto-chimie	Phosphatase alcaline intra-leucocytaire		Rapport	Régional	11,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
21028						D. mol. hémato-greffe	Analyse du chimérisme (STR) pré ou post greffe (TAAN)		Rapport	Supra	123,0
21030						Hémato-immunocytométrie	Anti-HLA Dépistage (FLOW-PRA) (par classe)		Rapport	Supra	39,0
21032						Hémato-érythrocytaire	Phosphatase acide (réduction au tartrate) intracellulaire		Rapport	Régional	30,0
21033	*					Hémato-immunocytométrie	Panel de caractérisation des syndromes lymphoprolifératifs T (panel T-CLPD)		Rapport	Supra	240,0
21034	*					Hémato-immunocytométrie	Tube d'orientation des leucémies aiguës (tube ALOT)		Rapport	Supra	86,0
21035	*					Hémato-immunocytométrie	Tube de dépistage des cellules lymphoïdes (syndromes lymphoprolifératifs) (tube LST)		Rapport	Supra	95,0
21036	*					Hémato-immunocytométrie	Tube pour spécimen pauvre en cellules (liquide céphalorachidien et liquide vitreux) (tube SST)		Rapport	Supra	169,0
21072						Hémato-cyto-chimie	Soudan noir B		Rapport	Régional	6,2
21094						Hémato-greffe	Transformation lymphoblastique		Rapport	Supra	227,0
25002						D. mol. hématologie	Alpha-thalassémie; <i>HBA1</i> , <i>HBA2</i> (- $\alpha3.7/\alpha\alpha$, - $\alpha4.2/\alpha\alpha$, - $\alpha20.5/\alpha\alpha$, --SEA/ $\alpha\alpha$, --MED/ $\alpha\alpha$, --FIL/ $\alpha\alpha$, --THAI/ $\alpha\alpha$)		Rapport	Supra	105,0
25004						D. mol. hématologie oncologie	Analyse mutationnelle du domaine kinase de la protéine de fusion BCR-ABL (séquençage)		Rapport	Supra	140,0
25007						Hémato-immunocytométrie	Sphérocytose héréditaire; éosine-5'-maléimide (EMA) (cytométrie en flux)		Rapport	Supra	69,0
25009						D. mol. hématologie	Facteur VII (séquençage)		Rapport	Supra	256,0
25011						D. mol. hématologie	Anémie falciforme; <i>HBB</i> (HbS-HbC); (séquençage)		Rapport	Supra	198,0
25015						D. mol. hématologie	Bêta-thalassémie; <i>HBB</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	331,0
25017		C	D			D. mol. hématologie	Désordre plaquettaire québécois; gène <i>PLAU</i> (duplication) (TAAN)		Rapport	Supra	26,0
25019						D. mol. hématologie	Élément de réponse au fer (IRE) du gène L-Ferritine (<i>FTL</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	132,0
25021						D. mol. hématologie	Facteur V Leiden (TAAN)		Résultat	Supra	17,9
25022						D. mol. hématologie	Facteur VIII haplotype (hémophilie A) (TAAN)		Rapport	Supra	249,0
25024						D. mol. hématologie	Hémoglobine S diag. porteuse et diag. prénatal (séquençage)		Rapport	Supra	188,0
25026						D. mol. hématologie	Hémophilie A Facteur VIII; inversion intron 22 (IVS22 inv) (TAAN)		Rapport	Supra	273,0
25028						D. mol. hématologie	Hémophilie A ou B (diagnostic de porteuses et prénatal, mutation connue) (séquençage)		Rapport	Supra	186,0
25038						D. mol. hématologie oncologie	Leucémie LMA et Syndromes myélo dysplasiques, (<i>GATA2</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	208,0
25040						D. mol. hématologie	Mutation c.20210G>A de la prothrombine (TAAN)		Rapport	Supra	17,8
25044		C	D			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; 3363insC (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	36,0
25046		C	D			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; mutations individuelles Arg178Gln ou Thr298Met (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	36,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
25048		C	D			D. mol. hématologie	Mutation de la protéine C; Splice 3222 (commun aux Canadiens français) (TAAN)		Résultat	Supra	42,0
25054						D. mol. hématologie	Angioedème (détection de 5 variations génétiques : APP g.2953-3127del et c.-2399C > A, ACE I/D, PAI-1 c.-817dupG, FXII c.1032C > A et c.1032C > G) (TAAN)		Rapport	Supra	265,0
25056						D. mol. hématologie	Protéine C (séquençage)		Rapport	Supra	377,0
25060						D. mol. oncologie	Thiopurine méthyltransferase (TPMT) enzyme (TPMT*2 (Gly238Cys), TPMT*3A (Gly460Ala et A719G), TPMT*3B (Gly460Ala), et TPMT*3C (Ala719Gly) (TAAN)		Résultat	Supra	122,0
25070						D. mol. hématologie	Von Willebrand type 2 (2A, 2B, 2M, 2N) ; VWF (exons 18 à 21 et 28 à 31) mutations associées (séquençage)		Rapport	Supra	251,0
25080					I	D. mol. hématologie	Hémophilie A et maladie de von Willebrand (gènes F8 et VWF) (SNG)		Rapport	Supra	610,0
30005						Bio-clinique	Bêta-hydroxybutyrate (sang total)		Résultat	Local	1,8
30008						Bio-clinique	Acide delta aminolévulinique (delta-ALA) (HPLC)		Résultat	Supra	176,0
30009						Bio-clinique	Acide folique (folates)		Résultat	Régional	3,4
30010	*					Bio-clinique	Acide lactique (colorimétrique)		Résultat	Local	3,9
30011						Bio-médicament	Acide mycophénolique incluant glucuronides		Rapport	Supra	18,1
30012						Bio-clinique	Acide pyruvique (dosage seulement)		Rapport	Supra	13,0
30013						Bio-clinique	Acide urique		Résultat	Local	0,7
30016						Bio-clinique	Alanine amino-transférase (ALT)		Résultat	Local	0,7
30017						Bio-clinique	Albumine		Résultat	Local	0,7
30018	*					Bio-toxico.	Alcools (éthanol, méthanol, éthylène glycol, isopropanol, acétone, N-propanol, 1,2-butanédiol) (quantitatif)		Résultat	Régional	39,0
30019						Bio-clinique	Aldolase		Résultat	Supra	10,0
30020						Bio-hormone	Aldostérone (sérique)		Résultat	Supra	12,5
30021						Bio-hormone	Aldostérone (urinaire)		Résultat	Supra	30,0
30022	*					Bio-clinique	Alpha foetoprotéine (AFP)		Résultat	Régional	3,8
30024						Bio-clinique	Alpha-1 antitrypsine (selles)		Résultat	Supra	82,0
30028						Bio-toxico.	Aluminium		Résultat	Supra	24,0
30029						Bio-clinique	Ammoniac		Résultat	Local	4,0
30030						Bio-clinique	Amylase totale		Résultat	Local	0,7

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30032						Bio-clinique	Amylase pancréatique		Résultat	Local	1,3
30034						Bio-hormone	Androstènedione		Résultat	Supra	8,4
30035						Bio-immuno.	Anti-21 hydroxylase		Résultat	Supra	47,0
30038						Bio-clinique	Antigène carcino-embryonnaire (CEA)		Résultat	Local	4,0
30039						Bio-clinique	Antigène prostatique spécifique (PSA)		Résultat	Local	4,1
30040		C	D			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgA)		Rapport	Régional	11,6
30041		C	D			Bio-immuno.	Anti-gliadines (IgG)		Résultat	Régional	11,6
30044						Bio-immuno.	Anti-récepteur acétylcholine (AChR)		Résultat	Supra	39,0
30045						Bio-immuno.	Anti-récepteur de la thyrotropine (TSI)		Résultat	Supra	36,0
30047						Bio-immuno.	Anti-thyroglobuline		Résultat	Régional	9,4
30048						Bio-immuno.	Anti-thyropéroxydase (anti-TPO)		Résultat	Régional	5,7
30049						Bio-immuno.	Anti-transglutaminase		Résultat	Régional	8,0
30052						Bio-clinique	Apolipoprotéine AI		Résultat	Régional	4,9
30054						Bio-clinique	Apolipoprotéine B		Résultat	Régional	3,8
30060						Bio-clinique	Aspartate amino-transférase (AST)		Résultat	Local	0,7
30065						Bio-clinique	Alpha-1-antitrypsine (sérique)		Résultat	Régional	7,2
30068						Bio-immuno.	Anti-acide glutamique décarboxylase (GAD) (sérique)		Résultat	Supra	9,4
30069	*					Bio-EBMD	Gestion des EBMD		Résultat	Local	0,20
30070	*					Bio-EBMD	Glucose par glucomètre		Résultat	Local	1,4
30072						Bio-EBMD	Entretien d'un appareil de gaz sanguin hors laboratoire (évaluation complète incluant nettoyage et contrôle)		Instrument	Local	29,0
30073						Bio-médicament	Léflunomide (Arava®)		Résultat	Supra	21,0
30075						Bio-clinique	Vert d'indocyanine (épreuve au)		Résultat	Supra	65,0
30076	*					Bio-clinique	Acide lactique (par électrode spécifique)		Résultat	Local	2,1
30077						Bio-hormone	Bloc surrénalien (prégnénolone, 17-OH prégnénolone, 17-OH progestérone et 11-désoxycortisol)		Rapport	Supra	30,0
30078						Bio-clinique	Procalcitonine		Résultat	Local	23,0
30079						Bio-clinique	Urine (examen microscopique) (automatisé)		Rapport	Local	1,8
30080						Bio-clinique	Bêta-2 microglobuline (β2-M)		Résultat	Régional	5,6

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30081						Bio-clinique	Bêta-2 Transferrine (LCR et sérum)		Rapport	Supra	146,0
30082						Bio-clinique	Bêta-Hydroxybutyrate (sérique)		Résultat	Local	6,6
30083						Bio-clinique	Bilirubine directe (conjuguée)		Résultat	Local	0,7
30084						Bio-clinique	Bilirubine totale		Résultat	Local	0,7
30085						Bio-clinique	BNP (Brain Natriuretic Peptide)		Résultat	Local	18,7
30086						Bio-clinique	Bandes oligoclonales (par focalisation) (LCR et sérum)		Rapport	Supra	45,0
30087						Bio-médicament	Flécaïnide (Flecainide®)		Résultat	Supra	87,0
30088						Bio-médicament	Ganciclovir (Cytovene®)		Résultat	Supra	25,0
30089						Bio-médicament	Milrinone (Primacor®)		Résultat	Supra	55,0
30090						Bio-médicament	Posaconazole (Posanol®)		Résultat	Supra	27,0
30092		C	VP			Bio-médicament	Thiopurine S-méthyltransferase (TPMT)		Résultat	Supra	36,0
30095						Bio-clinique	NT-PRO-BNP (<i>Brain Natriuretic Peptide</i>)		Résultat	Local	20,0
30096						Bio-médicament	Itraconazole - hydroxyitraconazole (Sporanox®)		Rapport	Supra	75,0
30099		N				Bio-médicament	Isavuconazole (<i>Cresemba^{MC}</i>)		Résultat	Supra	27,0
30100						Bio-clinique	CA 125		Résultat	Régional	6,1
30101						Bio-clinique	CA 15-3 ou 27-29		Résultat	Régional	6,8
30102						Bio-clinique	CA 19-9		Résultat	Régional	5,5
30103						Bio-clinique	Caféine		Résultat	Supra	27,0
30104						Bio-hormone	Calcitonine		Résultat	Supra	30,0
30105						Bio-clinique	Calcium total		Résultat	Local	0,8
30106						Bio-clinique	Calcium ionisé mesuré		Rapport	Local	3,2
30107					I	Bio-clinique	Calculs rénaux (colorimétrie)		Rapport	Supra	34,0
30108					I	Bio-clinique	Calculs rénaux (spectrométrie)		Rapport	Supra	13,3
30111	*					Bio-clinique	Carotènes totaux (quantitatif)		Rapport	Supra	8,4
30112						Bio-hormone	Catécholamines plasmatiques		Rapport	Supra	24,0
30113						Bio-hormone	Catécholamines urinaires		Rapport	Supra	35,0
30114						Bio-clinique	Céruoplasmine		Résultat	Régional	5,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30115						Bio-clinique	Chlorures		Résultat	Local	0,7
30116						Bio-clinique	Cholestérol – HDL		Résultat	Local	1,1
30117		C	H			Bio-clinique	Cholestérol – LDL (mesuré)		Résultat	Régional	3,1
30119						Bio-clinique	Cholestérol total		Résultat	Local	0,7
30120						Bio-clinique	Chylomicrons (examen visuel après 24h)		Résultat	Local	1,0
30121						Bio-clinique	Citrates (urine)		Résultat	Régional	3,4
30122						Bio-clinique	CK-MB enzymatique		Résultat	Régional	0,8
30123						Bio-clinique	CK-MB masse		Résultat	Régional	2,6
30124						Bio-clinique	CO ₂ total ou bicarbonate (dosage seulement)		Résultat	Local	0,9
30127						Bio-hormone	Cortisol libre urinaire incluant extraction		Résultat	Régional	7,7
30128						Bio-hormone	Cortisol sérique ou urinaire sans extraction		Résultat	Local	3,3
30130						Bio-clinique	CK total		Résultat	Local	0,8
30131						Bio-clinique	CK (électrophorèse)		Rapport	Supra	23,0
30132						Bio-clinique	Créatinine		Résultat	Local	0,7
30133						Bio-clinique	Cristaux (liquide synovial)		Résultat	Local	19,0
30135		C	H			Bio-clinique	Cystine (qualitatif)		Résultat	Régional	6,2
30136						Bio-clinique	Cystine (HPLC)		Résultat	Supra	37,0
30137						Bio-clinique	Chromogranine A		Résultat	Supra	23,0
30138						Bio-clinique	D-lactate		Résultat	Supra	50,0
30140	*					Dépistage prénatal	Estriol libre		Résultat	Supra	6,0
30150						Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (DHEA)		Résultat	Supra	14,3
30151						Bio-hormone	Déhydroépiandrostérone (sulfate de) (DHEA-S)		Résultat	Régional	6,5
30153						Bio-clinique	Densité réfractométrie unique (exclut bandelette)		Résultat	Local	0,7
30155	*					Bio-clinique	Décantation micro-méthode		Spécimen	Local	3,1
30170						Bio-clinique	Élastase fécale		Rapport	Supra	41,0
30171						Bio-clinique	Électrophorèse des lipoprotéines		Rapport	Supra	23,0
30173						Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (sérum)		Rapport	Régional	5,5

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30174						Bio-clinique	Électrophorèse des protéines (urine)		Rapport	Régional	16,1
30176						Bio-clinique	Enzyme de conversion angiotensine (ACE)		Résultat	Supra	6,9
30177						Bio-toxico.	Éthanol (alcool éthylique)		Résultat	Local	2,4
30178						Bio-médicament	Ethosuximide (Zarontin®)		Résultat	Supra	51,0
30181						Bio-clinique	Électrophorèse des protéines par méthode capillaire		Rapport	Régional	7,6
30182						Bio-clinique	Immunofixation avec sérum pentavalent		Rapport	Régional	12,9
30183	*					Dépistage prénatal	Protéine A associée à la grossesse (PAPP-A)		Résultat	Supra	10,4
30186	*					Bio-clinique	Sueur (test à la) (conductivité)		Résultat	Régional	12,1
30190						Bio-clinique	Fer (capacité de fixation) (UIBC ou TIBC)		Résultat	Local	1,4
30191						Bio-clinique	Fer (sérum)		Résultat	Local	0,7
30193						Bio-clinique	Ferritine		Résultat	Local	2,7
30194	*					Bio-clinique	Test du travail prématuré (fibronectine foetale)		Résultat	Local	139,0
30195						Bio-clinique	Acide folique érythrocytaire		Résultat	Régional	4,6
30196						Bio-clinique	Fructosamine		Résultat	Régional	1,6
30198	*					Bio-clinique	Test de rupture de membrane		Résultat	Local	57,0
30208						Bio-clinique	Décompte des corps lamellaires		Résultat	Régional	31,0
30209						Bio-clinique	Transferrine carboxy déficiente (CDT)		Résultat	Supra	24,0
30210						Bio-clinique	Gamma glutamyl transférase (GGT)		Résultat	Local	0,7
30211						Bio-hormone	Gastrine		Résultat	Supra	9,8
30212						Bio-clinique	Gaz sanguins (pO ₂ , pCO ₂ , pH, HCO ₃ , COHb, métHb, oxyHb, SulfHb, CO ₂ total)		Rapport	Local	3,3
30214						Bio-clinique	Glucose		Résultat	Local	0,7
30215						Bio-clinique	Glycérol libre		Résultat	Supra	2,1
30216						Bio-clinique	Graisses fécales (quantitatif)		Résultat	Supra	61,0
30230						Hémato-érythrocytaire	Hémoglobine foetale ou adulte (APT test) (selles)		Résultat	Local	8,6
30233		C	H			Bio-clinique	Hémosidérine (urine)		Résultat	Régional	11,9
30234						Bio-clinique	Homocystéine (HPLC)		Résultat	Supra	35,0
30235						Bio-clinique	Homocystéine (immuno-enzymatique)		Résultat	Régional	11,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30237						Bio-hormone	Hormone adrénocorticotropique (ACTH)		Résultat	Supra	8,2
30239						Bio-hormone	Hormone de croissance (HGH)		Résultat	Supra	6,6
30240						Bio-hormone	Hormone folliculo-stimulante (FSH)		Résultat	Local	2,7
30241						Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum ou urine) (qualitatif)		Résultat	Local	4,1
30242	*					Bio-hormone	Hormone gonadotrope chorionique (HCG) (sérum) (quantitatif)		Résultat	Local	4,5
30243						Bio-hormone	Hormone lutéinisante (LH)		Résultat	Local	2,8
30244						Bio-hormone	Hormone parathyroïdienne (PTH)		Rapport	Régional	5,4
30245						Bio-hormone	5-HIAA -HVA-VMA		Rapport	Supra	17,0
30246						Bio-clinique	Hydrogène dans l'haleine (intolérance au lactose)		Rapport	Supra	27,0
30248						Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c)		Rapport	Local	3,3
30249						Bio-clinique	Hémoglobine glyquée (HbA1c) prétraitement seulement		Spécimen	Local	0,7
30262						Bio-hormone	Interleukine-6 (IL-6)		Résultat	Supra	15,9
30268						Bio-clinique	Immunofixation des protéines sériques		Rapport	Régional	44,0
30269						Bio-clinique	Immunofixation des protéines urinaires		Rapport	Régional	48,0
30273						Bio-clinique	Immunoglobulines IgA		Résultat	Régional	3,0
30274						Bio-clinique	Immunoglobulines IgD		Résultat	Supra	43,0
30276						Bio-clinique	Immunoglobulines IgE totale		Résultat	Régional	6,1
30277						Bio-clinique	Immunoglobulines IgG		Résultat	Régional	2,9
30278						Bio-clinique	Immunoglobulines IgG (sous-classes)		Résultat	Supra	6,8
30279						Bio-clinique	Immunoglobulines IgM		Résultat	Régional	3,0
30280						Hémato-cyto-chimie	Immunophosphatase alcaline (APAAP) (par lame)		Rapport	Supra	28,0
30282	*					Dépistage prénatal	Inhibine A		Résultat	Supra	12,8
30283						Bio-hormone	Insuline		Résultat	Régional	4,2
30285						Bio-clinique	Chaines légères libres (Kappa/Lambda) (sériques)		Rapport	Régional	31,0
30286	*					Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes communs)		Résultat	Supra	14,9
30287	*					Bio-clinique	Immunoglobulines IgE spécifiques (RAST ou allergène spécifique) (allergènes occasionnels)		Résultat	Supra	18,3
30300						Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (électrophorèse) (LD)		Résultat	Supra	51,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30301						Bio-clinique	Lactate déshydrogénase (LD)		Résultat	Local	0,7
30306						Bio-clinique	Lipase		Résultat	Local	1,3
30308						Bio-clinique	Lipoprotéine a (Lp(a))		Résultat	Supra	3,5
30310						Bio-clinique	Lysozyme (muramidase)		Résultat	Supra	43,0
30329						Bio-hormone	Catécholamines et métanéphrines libres (urine)		Rapport	Supra	34,0
30330						Bio-clinique	Macro-enzyme ou Macro prolactine (recherche) (précipitation)		Rapport	Régional	15,9
30332						Bio-clinique	Magnésium total		Résultat	Local	0,7
30335						Bio-médicament	Azathioprine (6MMP, 6-TG) / Mercaptopurine (6MP) (incluant prétraitement) (Imuran® / Purinethol®)		Rapport	Supra	37,0
30336						Bio-hormone	Métanéphrines (urine)		Rapport	Supra	23,0
30337						Bio-clinique	Microalbumine (urine)		Résultat	Local	2,0
30340						Bio-clinique	Myoglobine (urine)		Résultat	Local	8,8
30360						Bio-hormone	Oestradiol-17B		Résultat	Régional	4,2
30361						Bio-hormone	Oestrone plasmatique		Résultat	Supra	3,9
30362						Bio-clinique	Osmolalité		Résultat	Local	4,0
30363		C	H			Bio-hormone	Ostéocalcine		Résultat	Régional	9,0
30364						Bio-clinique	Oxalates (urine)		Résultat	Régional	11,9
30370					I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (ELISA) (quantitatif)		Résultat	Supra	47,0
30371					I	Bio-clinique	Anticorps circulant anti-récepteur de la phospholipase A2 (anti-PLA2R) (IIFT) (qualitatif)		Résultat	Supra	79,0
30382						Bio-hormone	Peptide C		Résultat	Supra	8,2
30383						Bio-clinique	pH (liquide biologique)		Résultat	Local	1,9
30386						Bio-clinique	Phosphatase alcaline		Résultat	Local	0,7
30388						Bio-clinique	Phosphatase alcaline (électrophorèse)		Rapport	Supra	65,0
30389						Bio-clinique	Phosphatase alcaline placentaire (PAPLA)		Résultat	Supra	16,4
30391						Bio-clinique	Phosphore		Résultat	Local	0,7
30393						Bio-clinique	Porphobilinogène (PBG) (quantitatif)		Résultat	Supra	151,0
30394						Bio-clinique	Porphyries (plasma) (quantitatif)		Rapport	Supra	58,0
30395						Bio-clinique	Porphyries (urine) (qualitatif)		Rapport	Supra	18,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30397						Bio-clinique	Porphyrines (uro ou copro) (urine) (quantitatif)		Rapport	Supra	36,0
30398						Bio-clinique	Potassium		Résultat	Local	0,7
30399						Bio-clinique	Préalbumine		Résultat	Local	3,0
30400						Bio-hormone	Progestérone		Résultat	Régional	3,2
30401						Bio-hormone	Progestérone (17-hydroxy)		Résultat	Supra	10,1
30402						Bio-hormone	Prolactine		Résultat	Régional	3,1
30404						Bio-clinique	Protéines totales (autres liquides)		Résultat	Local	1,3
30405						Bio-clinique	Protéines totales (sérum)		Résultat	Local	0,7
30406						Bio-clinique	Protoporphyrines érythrocytaires		Résultat	Supra	102,0
30407						Bio-clinique	Antigène prostatique libre (PSA)		Résultat	Régional	5,9
30409						Bio-clinique	Pseudocholinestérase (typage) (FN + DN)		Rapport	Supra	31,0
30410						Bio-clinique	Pseudocholinestérase totale seulement		Résultat	Supra	15,3
30412						Bio-clinique	Protéine C réactive (CRP) (includ ultrasensible)		Résultat	Local	2,6
30450						Bio-hormone	Rénine		Résultat	Supra	22,0
30452						Bio-clinique	Porphyrines (selles) (dosage fractionné) (quantitatif)		Rapport	Supra	96,0
30469						Bio-clinique	Recherche immunochimique de sang dans les selles		Résultat	Supra	6,7
30470						Bio-clinique	Sang dans les liquides biologiques (qualitatif)		Résultat	Local	4,1
30471						Bio-clinique	Sang dans les selles (qualitatif)		Résultat	Local	3,5
30472						Bio-clinique	Carcinome cellule squameuse (SCC)		Résultat	Supra	9,5
30473						Bio-clinique	Selles (examen microscopique, graisse, amidon, fibres) (qualitatif)		Résultat	Régional	6,9
30474						Bio-clinique	Selles (mesure du poids sur 24 heures)		Résultat	Local	3,3
30476						Bio-hormone	Sérotonine (HPLC)		Résultat	Supra	103,0
30477						Bio-hormone	Sex hormone binding globulin (SHBG)		Résultat	Régional	3,9
30478						Bio-clinique	Sodium		Résultat	Local	0,7
30479						Bio-hormone	Somatomédine C (IGF-1)		Résultat	Supra	7,2
30482	*					Bio-clinique	Sueur (test à la) (lontophorèse) (stimulation, prélèvement)		Résultat	Local	57,0
30485	*					Dépistage prénatal	Trisomie 21 - dépistage prénatal (gestion des données)		Rapport	Supra	22,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30500						Bio-hormone	T3 total (triiodothyronine totale) ou libre		Résultat	Local	2,9
30502						Bio-hormone	T4L (thyroxine libre)		Résultat	Local	1,9
30504						Bio-hormone	Télopeptides (C ou N) (sérum)		Résultat	Régional	8,4
30506						Bio-hormone	Testostérone totale		Résultat	Régional	5,8
30508						Bio-hormone	Thyroglobuline		Résultat	Régional	9,6
30510						Bio-clinique	Tumor necrosing factor (TNF-alpha)		Résultat	Supra	23,0
30511						Bio-clinique	Transferrine		Résultat	Local	1,8
30512						Bio-clinique	Triglycérides		Résultat	Local	0,7
30513						Bio-clinique	Troponine T ou I		Résultat	Local	4,0
30515						Bio-clinique	Tryptase		Résultat	Supra	30,0
30516						Bio-hormone	TSH (hormone thyroïdienne)		Résultat	Local	1,7
30517	*					Bio-clinique	Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)		Rapport	Régional	9,1
30518		N*			I	Bio-hormone	Dosage de la testostérone sérique par LC-MS/MS		Résultat	Supra	7,6
30530						Bio-clinique	Lipoprotéines (ultracentrifugation)		Rapport	Supra	50,0
30531						Bio-clinique	Urée		Résultat	Local	0,7
30532						Bio-clinique	Urine (examen microscopique)		Rapport	Local	3,3
30533						Bio-clinique	Urine (examen sommaire)		Rapport	Local	1,3
30534						Bio-clinique	Urine (mesure du volume pour collecte minutée)		Résultat	Local	3,0
30535		C	H			Bio-clinique	Acides biliaires totaux (dosage)		Résultat	Régional	15,4
30536	*	C	H			Bio-clinique	Calprotectine fécale (dosage, excluant extraction)		Résultat	Régional désigné	10,8
30537	*	C	H, VP			Bio-clinique	Calprotectine fécale (extraction)		Résultat	Local	5,2
30550						Hémato-érythrocytaire	Viscosité plasmatique		Résultat	Régional	9,8
30551	*					Bio-clinique	Vitamine A + E (HPLC) (incluant β-carotène)		Rapport	Supra	23,0
30553						Bio-clinique	Vitamine B12		Résultat	Local	2,7
30554						Bio-clinique	Vitamine C		Résultat	Supra	34,0
30555						Bio-clinique	Vitamine D 1-25 diOH		Résultat	Supra	49,0
30556						Bio-clinique	Vitamine D 25 OH		Résultat	Régional	7,4

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30557					I	Bio-clinique	Vitamines hydrosolubles (B1 et B6) (quantitatif) (HPLC)		Rapport	Supra	13,4
30580						Bio-clinique	Xanthochromie LCR (mesurée)		Rapport	Régional	7,4
30581						Bio-clinique	Xylose		Résultat	Supra	20,0
30583		C	H			Bio-clinique	Phosphatase alcaline osseuse		Résultat	Régional	5,1
30584						Bio-hormone	Cortisol salivaire		Résultat	Supra	10,5
30585						Bio-hormone	Inhibine B		Résultat	Supra	57,0
30586						Bio-hormone	Métanéphrines plasmatiques libres		Résultat	Supra	117,0
30587						Bio-hormone	Hormone anti Müllerian (AMH)		Résultat	Supra	25,0
30588						Bio-hormone	3-méthoxytyramine (sérique)		Résultat	Supra	151,0
30589						Bio-clinique	Dosage de la protéine apparentée à la parathormone (PTHrP)		Rapport	Supra	109,0
30600						Bio-médicament	Acétaminophène		Résultat	Local	3,1
30601						Bio-médicament	Acide valproïque		Résultat	Local	5,7
30602						Bio-médicament	Amikacine		Résultat	Régional	7,9
30603						Bio-médicament	Amiodarone (Cordarone®)		Résultat	Supra	87,0
30604						Bio-toxico.	Amphétamines / méthamphétamine (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,3
30607						Bio-toxico.	Antidépresseurs tricycliques (autre que bandelette) (automatisé) (immunoenzymatique)		Résultat	Local	4,1
30608						Bio-médicament	Antidépresseurs tricycliques et non tricycliques (GC 9 résultats)		Rapport	Supra	63,0
30610						Bio-médicament	Flucytosine (5-FC) (Ancotil®)		Résultat	Supra	103,0
30619						Bio-toxico.	Éthylglucuronide et éthylsulfate (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	47,0
30620						Bio-toxico.	Barbituriques (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,3
30621						Bio-toxico.	Benzodiazépines (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,4
30623		C	VP			Bio-médicament	Busulfan (Myleran®)		Résultat	Supra	114,0
30625					I	Bio-toxico.	Buprénorphine (méthode immunoenzymatique homogène, semi-quantitatif)		Résultat	Supra	10,7
30630						Bio-médicament	Carbamazépine		Résultat	Local	9,1
30631						Bio-médicament	Cyclosporine (Neoral®)		Résultat	Supra	10,9
30632						Bio-médicament	Clozapine et nor-clozapine (Clozaril®)		Rapport	Supra	21,0
30640						Bio-médicament	Digoxine		Résultat	Local	6,3

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30642	*					Bio-médicament	Antirétroviraux (ARV) / programme provincial de dosage des médicaments antirétroviraux		Rapport	Supra	28,0
30660						Bio-médicament	Clobazam (Frisium®)		Résultat	Supra	49,0
30671						Bio-médicament	Gentamicine		Résultat	Local	4,1
30680						Bio-médicament	Hypoglycémians oraux		Rapport	Supra	18,3
30690						Bio-médicament	Lamotrigine (Lamictal®)		Résultat	Supra	41,0
30691						Bio-médicament	Lidocaïne (Xylocaïne®)		Résultat	Supra	71,0
30692						Bio-médicament	Lithium (Li)		Résultat	Local	4,3
30693						Bio-médicament	Lithium intra-érythrocytaire (Li)		Résultat	Supra	7,5
30695					I	Bio-médicament	Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	57,0
30696					I	Bio-médicament	Anticorps anti-Adalimumab (Humira®)		Résultat	Supra	61,0
30701						Bio-toxico.	Méthadone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	5,8
30702						Bio-médicament	Méthotrexate		Résultat	Régional	33,0
30703						Bio-médicament	Mitotane (Lysodren®)		Résultat	Supra	7,8
30711						Bio-médicament	Nitisinome (NTBC) (Orfadin®)		Résultat	Supra	12,9
30720						Bio-médicament	Olanzapine (Zyprexa®)		Résultat	Supra	28,0
30730						Bio-médicament	Phénobarbital		Résultat	Local	8,1
30731						Bio-médicament	Phénytoïne		Résultat	Local	5,6
30732						Bio-médicament	Phénytoïne libre		Résultat	Supra	59,0
30733						Bio-médicament	Primidone (incluant phénobarbital) (Mysoline®)		Rapport	Supra	37,0
30759						Bio-médicament	Évérolimus (Afinitor®)		Résultat	Supra	93,0
30760						Bio-médicament	Salicylates		Résultat	Local	3,4
30761						Bio-médicament	Sirolimus (Rapamune®)		Résultat	Supra	15,9
30770						Bio-médicament	Tacrolimus (FK-506) (Prograf®)		Résultat	Supra	10,4
30771						Bio-médicament	Théophylline		Résultat	Local	2,0
30773						Bio-médicament	Tobramycine		Résultat	Local	9,0
30780						Bio-médicament	Vancomycine		Résultat	Local	4,0
30781						Bio-médicament	Voriconazole (Vfend®)		Résultat	Supra	37,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
30782					I	Bio-médicament	Mesure de l'activité de la L-Asparaginase		Résultat	Supra	41,0
30831						Bio-toxico.	Cannabinoïdes (THC) (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	3,8
30834						Bio-toxico.	Cocaïne (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	4,9
30850						Bio-toxico.	Drogues (cannabis-THC, benzoylecgonine-cocaïne) (HPLC ou GCMS)		Rapport	Supra	68,0
30851						Bio-toxico.	Drogues de rue / bandelette / drogue		Résultat	Local	2,6
30860						Bio-toxico.	Fer (analyse dans les biopsies)		Résultat	Supra	52,0
30883						Bio-toxico.	Oxycodone (autre que bandelette) (automatisé)		Résultat	Local	18,3
30890						Bio-toxico.	Opiacés (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	2,1
30891						Bio-toxico.	PCP (autre que dépistage) (automatisé)		Résultat	Local	1,9
30893						Bio-toxico.	Dépistage toxicologique général (GCMS/NPD) (sérum-plasma-urine-liquide gastrique)		Rapport	Supra	84,0
30920						Bio-médicament	Thiocyanate (sérum)		Résultat	Supra	9,0
30980						Bio-toxico.	Zinc		Résultat	Supra	5,8
31042						Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunoblot)		Rapport	Supra	54,0
31050						Bio-immuno.	Panel anticorps anti-neuronaux (anti-HU, anti-RI, anti-YO, anti-CV2, anti-PMNA2 et anti-amphiphysine) (immunofluorescence)		Rapport	Supra	16,5
31098					I	Bio-médicament	Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	53,0
31099					I	Bio-médicament	Anticorps anti-Infliximab (Remicade®)		Résultat	Supra	53,0
40005						Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (antigène dans les selles)		Résultat	Local	28,0
40007						Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (Ag) glutamate déshydrogénase (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Résultat	Local	17,4
40008					I	Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (test respiratoire à l'urée) (spectrométrie de masse à ratio isotopique)		Rapport	Supra	4,0
40018						D. mol. infectiologie	Carbapénémase (TAAN)		Rapport	Supra	28,0
40020		C	D			Micro-bact.	Bactérie Gram négatif multirésistance (bêta-lactamase-ESBL, carbapenemase) (dépistage)		Rapport	Local	6,6
40021						Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (culture sur biopsie gastrique)		Rapport	Régional	8,1
40022						Micro-bact.	<i>Helicobacter pylori</i> (uréase rapide sur biopsie gastrique)		Résultat	Local	4,7
40025						Micro-bact.	Bronchoscopie (culture quantitative)		Rapport	Local	10,0
40026						Micro-bact.	Bronchoscopie (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	6,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
40045						Micro-bact.	Chlamydia (shell vial)		Rapport	Supra	34,0
40046						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en bouillon) (par bactérie)		Résultat	Local	10,3
40047						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) microplaque / carte automatisée (par bactérie)		Résultat	Local	13,0
40048						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice en diffusion (CMI) (bandelette) (par antibiotique et par bactérie)		Résultat	Local	13,2
40049						Micro-bact.	Cathéter (culture semi-quantitative)		Rapport	Local	5,7
40051						Micro-bact.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (dilution en agar) (steer) (par bactérie)		Résultat	Régional	19,3
40053	*					Micro-bact.	Ensemencement sans identification		Spécimen	Local	1,1
40063						Micro-bact.	Enterococcus résistant à la vancomycine (ERV) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	4,0
40065						Micro-bact.	Expectorations (bactériologie) (inclut spécimen rejeté après Gram)		Rapport	Local	7,1
40080	*					Micro-bact.	Gorge (culture Strepto A, C, G ou bêta-hémolytique)		Rapport	Local	5,9
40101						Micro-bact.	Hémoculture (1 bouteille : aérobie ou anaérobie)		Rapport	Local	2,9
40102						Micro-bact.	Hémoculture (2 bouteilles : aérobie + anaérobie)		Rapport	Local	6,8
40103	*					Micro-bact.	Identification d'une bactérie, à partir d'une hémoculture, au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	1,6
40124	*					Micro-bact.	Identification d'une bactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse – MALDI-TOF)		Résultat	Régional	1,6
40125	*					Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (galeries API)		Résultat	Local	16,2
40126	*					Micro-bact.	Identification d'un micro-organisme au genre ou à l'espèce (cartes d'identification sur automates tels que VITEK®, Phoenix® ou MicroScan®)		Résultat	Local	7,0
40127	*	C	D			Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (sur colonie)		Rapport	Local	3,7
40128	*	N				Micro-bact.	Ensemble des tests d'orientation préalables à l'identification d'un micro-organisme (par MALDI-TOF)		Rapport	Local	3,7
40130	*					Micro-bact.	Coloration Gram (sur colonie)		Lame	Local	3,6
40140						Micro-bact.	Kirby Bauer (par bactérie) (antibiogramme par diffusion)		Rapport	Local	5,5
40160						Micro-bact.	<i>Legionella</i> (antigène urinaire)		Résultat	Local	41,0
40161						Micro-bact.	<i>Legionella</i> (culture sur spécimen clinique)		Rapport	Local	16,1
40164						Micro-bact.	Liquide céphalo-rachidien (LCR) (culture)		Rapport	Local	9,3
40165						Micro-bact.	Liquide biologique (autre que LCR) (culture)		Rapport	Local	22,0
40182						Micro-bact.	<i>Mycoplasma hominis</i> , <i>Ureaplasma</i> (culture)		Rapport	Régional	6,9

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
40200						Micro-bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> (culture) (tous sites)		Rapport	Local	8,3
40201						Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (nez) (culture) (sauf SARM)		Rapport	Local	6,1
40202						Micro-bact.	<i>Nocardia</i> (culture)		Rapport	Régional	17,0
40220						Micro-bact.	Oreille ou conduit auditif externe (culture)		Rapport	Local	6,5
40240						Micro-bact.	Pneumocoque (antigène urinaire) (urine ou LCR)		Rapport	Local	34,0
40242	*					Micro-bact.	Pus profond (avec recherche d'anaérobies, incluant <i>Actinomyces</i>)		Rapport	Local	8,2
40243	*					Micro-bact.	Pus superficiel (sans recherche d'anaérobies)		Rapport	Local	4,9
40260						Micro-bact.	Sécrétions conjonctivales (culture)		Rapport	Local	7,7
40261						Micro-bact.	Sécrétions trachéobronchiques (culture)		Rapport	Local	8,6
40262						Micro-bact.	Sécrétions vaginales (culture, état frais, KOH)		Rapport	Local	3,4
40263						Micro-bact.	Selles (culture)		Rapport	Local	13,6
40264						Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (test rapide) (ELISA sur membrane) (selles)		Rapport	Local	28,0
40265						Micro-bact.	Spécimen respiratoire pour fibrose kystique pancréas (FKP) (culture) (incluant <i>Burkholderia cepacia</i> et <i>Pseudomonas</i>)		Rapport	Régional	19,6
40266						Micro-bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) (culture spécifique) (dépistage par gélose chromogénique)		Résultat	Local	3,4
40268						Micro-bact.	Streptocoque du groupe A (détection d'antigène) (test rapide sur spécimen clinique)		Rapport	Local	8,9
40269						Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale		Résultat	Local	5,9
40270						Micro-bact.	Streptocoque du groupe B culture recto-vaginale (agglutination sur bouillon)		Résultat	Local	9,8
40271						Micro-bact.	Stérilité (produit sanguin)		Rapport	Local	21,0
40280						Micro-bact.	Sécrétions vaginales (Gram direct pour vaginose)		Rapport	Local	9,8
40285	*					Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (sans encapsulation)		Usager	Local	77,0
40286	*					Micro-bact.	Préparation des selles pour transplantation de matière fécale (TMF) (avec encapsulation)		Don	Local	246,0
40310						Micro-bact.	Urine (toutes méthodes de prélèvement)		Rapport	Local	2,5
40330						Micro-bact.	Selles (vérocytotoxine <i>E. coli</i>) (culture cellulaire)		Rapport	Régional	29,0
40352						Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (GDH) + (toxines A et B) (ELISA sur membrane) (test rapide) (selles)		Rapport	Local	21,0
40355	*					Micro-bact.	Compléter et transférer un formulaire au LSPQ dans le cadre d'une surveillance obligatoire (fait par un employé du laboratoire)		Rapport	Local	3,1

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
40400						Micro-enviro.	Culture environnementale (par spécimen clinique) stérilité (par ampoule ou caps) (ATTEST)		Rapport	Local	4,2
40401						Micro-enviro.	Culture environnementale par site (air)		Rapport	Local	3,7
40403						Micro-enviro.	Préparation pour culture environnementale par site (eau) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	8,1
40405						Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Aspergillus</i>		Rapport	Local	5,1
40420						Micro-enviro.	Culture environnementale (autre) (intra-hospitalière)		Rapport	Local	4,5
40450						Micro-enviro.	Culture environnementale pour <i>Legionella</i>		Rapport	Local	26,0
40480						Micro-enviro.	Stérilité (préparation pharmaceutique)		Rapport	Local	9,6
40511						Micro-viro.	Épreuve de sensibilité aux antiviraux pour le virus HSV, CMV, VVZ (IC50) (par virus)		Rapport	Supra	83,0
40599						Micro-viro.	Adénovirus (détection rapide sur spécimen clinique) (selles) (ELISA)		Résultat	Régional	17,8
40602						Micro-imm-séro.	<i>Aspergillus</i> IgG ou Ac totaux (par Ag) (contre-immunoelectrophorèse)		Rapport	Supra	6,2
40603						Micro-imm-séro.	Diphtérie IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	26,0
40604						Micro-imm-séro.	<i>Hémophilus influenzae</i> (IgG ou Ac totaux)		Rapport	Supra	33,0
40605						Micro-imm-séro.	Pneumocoque IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	163,0
40606						Micro-imm-séro.	Tétanos IgG ou Ac totaux		Rapport	Supra	26,0
40630						Micro-imm-séro.	Coronavirus (SARS-CoV-2) (IgG ou Ac totaux)		Rapport	Régional	14,7
40641						Micro-imm-séro.	Cytomégalo virus (CMV) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	8,4
40642						Micro-imm-séro.	Cytomégalo virus (CMV) IgM spécifique		Résultat	Régional	10,9
40647						Micro-imm-séro.	Cytomégalo virus (CMV) IgG spécifique (mesure de l'avidité)		Résultat	Supra	50,0
40661						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV-EA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	36,0
40662						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	7,8
40663						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (EBNA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	20,0
40665						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	7,8
40666						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgG ou Ac totaux (immunofluorescence)		Résultat	Supra	21,0
40667						Micro-imm-séro.	Virus Epstein Barr (EBV) (VCA) IgM spécifique		Résultat	Régional	9,6
40680						Micro-imm-séro.	Fièvre Q : <i>Coxiella burnetii</i> IgG -IgM		Résultat	Supra	68,0
40681						Micro-imm-séro.	<i>Bartonella</i> , maladie des griffes de chat (anticorps)		Résultat	Supra	22,0
40690						Micro-imm-séro.	<i>Helicobacter pylori</i> IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	6,7

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
40693						Micro-imm-séro.	Herpes simplex IgG ou Ac totaux		Rapport	Régional	9,6
40695						Micro-imm-séro.	Herpes simplex (IgG spécifique type 1 ou 2) (par Ag)		Résultat	Régional	6,4
40698						Micro-imm-séro.	HTLV 1 et 2 IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	7,6
40730						Micro-imm-séro.	Legionella IgG ou Ac totaux (Ag de groupe) (ELISA)		Résultat	Supra	14,7
40740						Micro-imm-séro.	Mononucléose anticorps hétérophile (agglutination)		Résultat	Local	9,6
40744						Micro-imm-séro.	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> IgM spécifique (ELISA)		Résultat	Régional	16,3
40750						Micro-imm-séro.	Oreillons IgG ou Ac totaux (ELISA)		Résultat	Supra	6,7
40751						Micro-imm-séro.	Oreillons IgM spécifiques (ELISA)		Résultat	Supra	8,5
40772						Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgM spécifique		Résultat	Régional	19,6
40773						Micro-imm-séro.	Parvovirus (parvo B-19) IgG ou Ac totaux		Résultat	Régional	15,7
40791						Micro-imm-séro.	Rougeole IgG ou Ac totaux		Résultat	Supra	7,6
40792						Micro-imm-séro.	Rougeole IgM spécifique		Résultat	Supra	8,7
40794						Micro-imm-séro.	Rubéole IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	6,9
40797						Micro-imm-séro.	Rubéole IgM spécifique		Résultat	Supra	8,1
40800						Bio-immuno.	RA (facteur rhumatoïde)		Résultat	Local	6,9
40811						Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (néphélométrie)		Résultat	Local	2,3
40812						Micro-imm-séro.	Anti-streptolysine O du streptocoque du groupe A (ASO) IgG ou Ac totaux (quantitatif) (manuel)		Résultat	Local	11,5
40813						Micro-imm-séro.	Streptozyme streptocoque du groupe A IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	12,6
40814						Micro-imm-séro.	Syphilis antigène non tréponémique (RPR) IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	7,7
40815						Micro-imm-séro.	Syphilis antigène tréponémique IgG ou Ac totaux		Rapport	Local	3,5
40816						Micro-imm-séro.	Streptocoque du groupe A (qualitatif) sur lame		Résultat	Local	5,7
40832						Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgG ou Ac totaux		Résultat	Local	6,7
40833						Micro-imm-séro.	Toxoplasmose IgM spécifique		Résultat	Régional	13,8
40840						Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux (test rapide)		Rapport	Local	20,0
40850						Micro-imm-séro.	VIH IgG ou Ac totaux et Ag p24		Résultat	Régional	4,9
40853						Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgG spécifique		Résultat	Régional	10,7
40855						Micro-imm-séro.	Herpes virus Varicella-Zoster (VVZ) IgM spécifique		Résultat	Supra	8,5

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
40900						Micro-mycobact.	Mycobactéries (hémoculture)		Rapport	Local	16,0
40901						Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu liquide seul)		Rapport	Régional	30,0
40902						Micro-mycobact.	Mycobactéries (culture sur milieu solide et liquide)		Rapport	Régional	33,0
40904						Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (auramine)		Rapport	Local	10,9
40907						Micro-mycobact.	Mycobactéries (examen direct sur spécimen clinique) (Ziehl)		Résultat	Local	24,0
40920						Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (PPD) (induration et lecture) (fait par un technologiste)		Résultat	Local	3,9
40921						Micro-mycobact.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (test de libération d'interferon Gamma, TLIG)		Résultat	Régional	30,0
40922	*					Micro-mycobact.	Identification d'une mycobactérie au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	1,6
41000						Micro-mycolo.	Antifongique (sensibilité) pour levure et par antifongique (bandelette)		Résultat	Régional	17,5
41001						Micro-mycolo.	Galactomannane (antigène <i>Aspergillus</i>) (ELISA)		Rapport	Régional	33,0
41010					I	Micro-mycolo.	(1-3)- β -D-glucane (dosage, Fungitell ^{MC})		Résultat	Supra	207,0
41020						Micro-mycolo.	Cryptocoque (Ag) (sérum ou LCR) (agglutination)		Résultat	Local	9,2
41031						Micro-mycolo.	Mycoses (hémoculture)		Rapport	Local	9,1
41050						Micro-mycolo.	Levures (culture spécifique)		Rapport	Local	5,7
41051						Micro-mycolo.	Levure multirésistante (<i>Candida auris</i>) (dépistage)		Rapport	Local	5,9
41070						Micro-mycolo.	Mycologie (examen direct sur spécimen clinique) (incluant état frais, KOH, calcofluor)		Rapport	Local	10,5
41071	*					Micro-mycolo.	Mycose profonde (incluant levures)		Rapport	Régional	29,0
41072	*					Micro-mycolo.	Mycose superficielle (dermatophyte) (incluant levures)		Rapport	Régional	19,9
41073		C	VP			Micro-mycolo.	Concentration minimale inhibitrice (CMI) (microplaque automatisée) par levure		Rapport	Régional	21,0
41076	*					Micro-mycolo.	Champignons filamenteux (identification manuelle)		Rapport	Régional	25,0
41077	*					Micro-mycolo.	Identification de champignons filamenteux au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	1,6
41078	*					Micro-mycolo.	Identification de levures au genre ou à l'espèce (spectrométrie de masse - MALDI-TOF)		Résultat	Régional	1,6
41120						Micro-paras.	Malaria (détection rapide d'Ag) (immunochromatographie)		Rapport	Local	14,0
41121						Micro-paras.	Malaria (frottis + goutte épaisse) (préparation et coloration)		Rapport	Local	9,3
41122						Micro-paras.	Malaria (lecture et identification, incluant % parasitémie)		Rapport	Régional	30,0
41140		C	D			Micro-paras.	Oxyures (recherche par ruban collant)		Rapport	Local	7,8
41150						Micro-paras.	Parasites dans le sang, tissus et liquides biologiques (détection) (sauf malaria, <i>Trichomonas</i>)		Rapport	Régional	46,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
41151						Micro-paras.	Parasites fécaux (<i>Giardia</i> , <i>Cryptosporidium</i>) (immunofluorescence)		Rapport	Régional	25,0
41152						Micro-paras.	Parasites fécaux (par colorations permanentes sauf coloration iodée ou état frais)		Rapport	Local	13,8
41153						Micro-paras.	Parasites fécaux (par concentration, état frais ou coloration iodée incluant lecture)		Rapport	Local	14,4
41154						Micro-mycolo.	<i>Pneumocystis jirovecii</i> (détection) (immunofluorescence directe)		Résultat	Régional	64,0
41160						Micro-paras.	Strongyloïdose (culture spécifique)		Rapport	Supra	26,0
41170						Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (culture)		Rapport	Local	14,3
41171						Micro-paras.	<i>Trichomonas vaginalis</i> (détection d'Ag)		Rapport	Local	11,0
41180						Micro-paras.	Ectoparasites et vers (identification)		Rapport	Local	5,0
41223						Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (culture en tube)		Rapport	Supra	90,0
41224						Micro-viro.	Cytomégalovirus (CMV) (Shell vial)		Rapport	Régional	68,0
41281						Micro-viro.	Herpes simplex type I et II (culture cellulaire et typage)		Rapport	Régional	50,0
41282						Micro-viro.	Herpes simplex type I ou II (détection rapide sur spécimen clinique incluant typage) (par immunofluorescence)		Rapport	Régional	23,0
41301						Micro-viro.	Influenza (incluant A et B) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Rapport	Local	29,0
41370						Micro-viro.	Rotavirus (détection rapide) (ELISA)		Résultat	Local	18,5
41371						Micro-viro.	Virus respiratoire syncytial (VRS) (détection rapide sur spécimen clinique) (ELISA)		Résultat	Local	31,0
41380						Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (culture cellulaire) (selles)		Rapport	Local	31,0
41382						Micro-bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (toxines A et B) (ELISA sur microplaque) (selles)		Rapport	Local	21,0
41397						Micro-viro.	Oreillons (culture cellulaire)		Rapport	Supra	99,0
41398						Micro-viro.	Rhinovirus (test d'acidité)		Rapport	Supra	113,0
41399						Micro-viro.	Rougeole (culture cellulaire)		Rapport	Supra	189,0
41400						Micro-viro.	Rubéole (culture cellulaire)		Rapport	Supra	171,0
41401						Micro-viro.	Virus spécimen gastro-intestinal (culture cellulaire)		Rapport	Supra	73,0
41402						Micro-viro.	Virus spécimen oculaire (culture cellulaire)		Rapport	Supra	63,0
41403						Micro-viro.	Virus spécimen respiratoire (culture cellulaire)		Rapport	Supra	80,0
41405						Micro-viro.	Virus spécimen normalement stérile (biopsie, LCR, liquide biologique) (culture cellulaire)		Rapport	Supra	98,0
41406						Micro-viro.	Virus spécimen urinaire (culture cellulaire)		Rapport	Supra	117,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
41410						Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en microplaque)		Rapport	Supra	62,0
41411						Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (culture cellulaire en tube)		Rapport	Supra	93,0
41412						Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (Shell vial)		Rapport	Supra	73,0
41413						Micro-viro.	Virus Varicella-Zoster (VVZ) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)		Rapport	Régional	22,0
41417	*					Micro-viro.	Revêtement d'équipement protection individuelle (ÉPI) pour maladie à virus Ebola/maladies respiratoires sévères infectieuses (MVE/MRSI) au laboratoire		Spécimen	Local	18,7
45002					I	Hémato-immunologie	Anti-récepteur glutamate (NMDA) (recherche d'anticorps)		Résultat	Supra	95,0
45004						D. mol. infectiologie	Adénovirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Supra	38,0
45008						D. mol. infectiologie	BK/JC polyomavirus; charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	97,0
45010						D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> , <i>Bordetella parapertussis</i> , <i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydia pneumoniae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	36,0
45011		N				D. mol. infectiologie	<i>Bordetella pertussis</i> et <i>Bordetella parapertussis</i> ; détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	60,0
45018						D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen urinaire		Rapport	Local	8,4
45020						D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen extra-génital		Rapport	Local	8,4
45022						D. mol. infectiologie	<i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen génital		Rapport	Local	8,4
45026						D. mol. infectiologie	<i>Clostridioides difficile</i> ; détection du gène de la toxine B (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Local	32,0
45027	*	N				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme M2000/Alinity-M)		Rapport	Régional	38,0
45028	*	N				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Cobas 6800/8800)		Rapport	Régional	19,6
45029	*	N				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique (Plateforme Seegene)		Rapport	Régional	15,9
45030						D. mol. infectiologie	Cytomégalo virus (CMV) résistance au ganciclovir et/ou au foscarnet (séquençage)		Rapport	Supra	140,0
45031	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	31,0
45032						D. mol. infectiologie	Cytomégalo virus (CMV) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	45,0
45033	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (test rapide, trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	67,0
45034	*	C	VP			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	13,8

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
45035						D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Local	3,8
45036						D. mol. infectiologie	Entérocooccus résistant à la vancomycine (ERV); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	37,0
45037	*	C	H			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) : criblage général de variant à surveillance rehaussée		Rapport	Régional désigné	24,0
45038						D. mol. infectiologie	Entérovirus; détection (TAAN) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)		Résultat	Supra	36,0
45039	*	C	H			D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) : criblage spécifique de variant à surveillance rehaussée		Rapport	Régional désigné	24,0
45040						D. mol. infectiologie	<i>Escherichia coli</i> producteur de shiga-toxines (STEC); détection (TAAN) sur bouillon d'enrichissement		Résultat	Supra	15,3
45043					I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite bactérienne; détection multiplex 7 bactéries: <i>Salmonella</i> , <i>Shigella</i> , <i>Bactéries productrices de Shiga-toxines</i> , <i>Yersinia enterocolitica</i> , <i>Campylobacter</i> , <i>Vibrio spp.</i> , <i>Aéromonas spp.</i> (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	12,9
45045					I	D. mol. infectiologie	Gastroentérite virale; détection multiplex 5 virus: adénovirus 40/41 et totaux, rotavirus, norovirus, sapovirus, astrovirus (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	46,0
45046						D. mol. infectiologie	Influenza A; sous typage (ex. H1N1) (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	24,0
45048		C	VP			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	44,0
45050		C	D			D. mol. infectiologie	Influenza A et B; avec ou sans sous-typage incluant amplification (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	22,0
45051	*	N*				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	109,0
45052	*	N*				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2), Influenza A et B et VRS; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	25,0
45053	*	N*				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	57,0
45054	*	N*				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) et Influenza A et B; détection (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	24,0
45055	*	N*				D. mol. infectiologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) et virus respiratoires; détection multiplex 8 à 23 virus (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	165,0
45056						D. mol. infectiologie	Hépatite B (VHB); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	83,0
45058	*					D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); dépistage (TAAN) (qualitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	68,0
45060	*					D. mol. infectiologie	Hépatite C (VHC); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	37,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
45062						D. mol. infectiologie	Hépatite E (VHE); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	64,0
45064						D. mol. infectiologie	<i>Herpes simplex</i> type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	36,0
45066						D. mol. infectiologie	<i>Herpes simplex</i> type 1 ou 2 (HSV1 ou HSV2); (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Résultat	Régional	48,0
45068						D. mol. infectiologie	Herpes virus; détection multiplex 7 virus: HSV1, HSV2, CMV, EBV, VVZ, HHV6, HHV7 (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	161,0
45072						D. mol. infectiologie	HLA-B*57:01 détection (TAAN) sur sang		Rapport	Supra	26,0
45074		N				D. mol. infectiologie	<i>Plasmodium falciparum</i> (Malaria); détection (LAMP) (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	33,0
45076						D. mol. infectiologie	Méningite bactérienne; détection multiplex 5 bactéries: <i>S. pneumoniae</i> , <i>N.meningitidis</i> , <i>S. agalactiae</i> , <i>L.monocytogenes</i> , <i>H. influenzae</i> type b (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Supra	136,0
45077					I	D. mol. infectiologie	Méningo-encéphalite; détection multiplex 14 pathogènes: 6 bactéries, 7 virus et une levure (TAAN) (multiplex) sur liquide céphalorachidien (LCR)		Rapport	Régional	168,0
45080						D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (hybridation) (accuprobe) sur culture solide ou liquide		Résultat	Supra	65,0
45082						D. mol. infectiologie	Mycobactéries; (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	75,0
45084						D. mol. infectiologie	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> (BK); identification (TAAN) sur culture solide ou liquide		Rapport	Régional	46,0
45086						D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma hominis</i> , <i>Mycoplasma genitalium</i> et <i>Ureaplasma</i> spp.; détection (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	31,0
45088						D. mol. infectiologie	<i>Mycoplasma pneumoniae</i> et <i>Chlamydia pneumoniae</i> ; (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique autre que respiratoire		Rapport	Supra	15,9
45092					I	D. mol. infectiologie	Paréchovirus charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	41,0
45094						D. mol. infectiologie	Parvovirus B 19; (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	57,0
45098						D. mol. infectiologie	Protozoaires entériques; (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	37,0
45099						D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Local	3,8
45100						D. mol. infectiologie	<i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM); détection (TAAN) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	35,0
45104						D. mol. infectiologie	<i>Tropheryma whippelii</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	91,0
45110						D. mol. infectiologie	Virus Varicella-Zoster (VVZ); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	41,0
45111						D. mol. infectiologie	Virus de la rougeole; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	26,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
45112	*					D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) charge virale (TAAN) (quantitatif) sur sang		Résultat	Supra	27,0
45114	*					D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage de l'intégrase (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	144,0
45116	*					D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage du tropisme (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	245,0
45118	*					D. mol. infectiologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH) génotypage pour résistance aux antirétroviraux (séquençage) sur sang		Rapport	Supra	224,0
45120						D. mol. infectiologie	Virus Epstein-Barr (EBV); charge virale (TAAN) (quantitatif) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	38,0
45124						D. mol. infectiologie	Virus du papillome humain (VPH); détection de groupes oncogènes (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	16,5
45130		C	VP			D. mol. infectiologie	Virus respiratoire syncytial (VRS); détection (TAAN) (trousse non homologuée ou test développé par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	23,0
45131						D. mol. infectiologie	Virus respiratoire; détection multiplex 3 virus (influenza A, influenza B et VRS) (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Local	38,0
45132						D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex 8 à 20 virus (TAAN) (multiplex) (trousse homologuée) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	149,0
45134						D. mol. infectiologie	Virus respiratoires; détection multiplex 12 à 15 virus: influenza A, influenza B, Virus respiratoire syncytial (VRS), Métapneumovirus humain (hMPV), Parainfluenza 1-2-3, Adénovirus, Rhino-entérovirus, Coronavirus 229 et OC43 (TAAN) (multiplex) (trousse non homologuée ou développée par le laboratoire) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	54,0
45140						D. mol. infectiologie	Virus du sarcome de Kaposi (HHV8); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Supra	113,0
45141						D. mol. infectiologie	Arthrite septique et infection pleurale bactérienne; détection multiplex 4 bactéries: <i>Kingella kingae</i> , <i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B), <i>Streptococcus pneumoniae</i> et <i>Streptococcus pyogenes</i> (Streptocoque du groupe A) (TAAN) sur liquide pleural ou articulaire		Rapport	Supra	23,0
45142						D. mol. infectiologie	<i>Streptococcus agalactiae</i> (Streptocoque du groupe B-SGB); dépistage prénatal (TAAN) sur spécimen clinique		Rapport	Régional	9,0
50055						Génétique-cyto.	CGH sur micropuces-Hybridation génomique comparative		Rapport	Supra	592,0
50105	*					Génétique-cyto.	Analyse quantitative post-CGH pour confirmation ou dépistage familial		Rapport	Supra	140,0
50400		C	VP			Génétique-bio.	Précurseur du cholestérol ou profil des stérols plasmatiques		Rapport	Supra	29,0
50401						Génétique-bio.	AcétylCoA: glucosaminide N-acétyltransférase (MPS III C)		Rapport	Supra	255,0
50404						Génétique-bio.	Acide méthylmalonique		Rapport	Supra	50,0
50405						Génétique-bio.	Acide orotique		Rapport	Supra	51,0
50407						Génétique-bio.	Acide pipécolique		Rapport	Supra	25,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
50409						Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		Rapport	Supra	1143,0
50410						Génétique-bio.	Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		Rapport	Supra	823,0
50411						Génétique-bio.	Acides aminés (qualitatif)		Rapport	Supra	5,1
50412						Génétique-bio.	Acides aminés (quantitatif)		Rapport	Supra	57,0
50415						Génétique-bio.	Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)		Rapport	Supra	107,0
50416						Génétique-bio.	Acide sialique		Rapport	Supra	59,0
50417						Génétique-bio.	Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)		Rapport	Supra	18,8
50419						Génétique-bio.	Alpha-fucosidase (fucosidose)		Rapport	Supra	137,0
50420						Génétique-bio.	Alpha-galactosidase A (Fabry)		Rapport	Supra	135,0
50421						Génétique-bio.	Alpha-glucosidase (GSD II)		Rapport	Supra	144,0
50422						Génétique-bio.	Alpha-iduronidase (MPS I)		Rapport	Supra	208,0
50423						Génétique-bio.	Alpha-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	145,0
50424						Génétique-bio.	Alpha-N-acétyl-D-glucosaminidase (MPS III B)		Rapport	Supra	186,0
50425						Génétique-bio.	Alpha-N-acétylgalactosaminidase (Schindler)		Rapport	Supra	203,0
50429						Génétique-bio.	Arylsulfatase A (leucodystrophie métachromatique)		Rapport	Supra	149,0
50432						Génétique-bio.	Acides gras libres (colorimétrique-enzymatique automatisée)		Résultat	Supra	15,3
50433					I	Génétique-bio.	Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)		Résultat	Supra	115,0
50440						Génétique-bio.	Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)		Résultat	Supra	127,0
50450						Génétique-bio.	Bêta-galactocérébrosidase (Krabbe)		Rapport	Supra	291,0
50451						Génétique-bio.	Bêta-galactosidase (MPS IV B / GM1 gangliosidose)		Rapport	Supra	126,0
50452						Génétique-bio.	Bêta-glucosidase (Gaucher)		Rapport	Supra	152,0
50453						Génétique-bio.	Bêta-glucuronidase (MPS VII)		Rapport	Supra	151,0
50454						Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase A (gangliosidose GM2) (dosage avec substrat sulfaté)		Rapport	Supra	140,0
50455						Génétique-bio.	Bêta-hexosaminidase totale, A et B (gangliosidose GM2)		Rapport	Supra	212,0
50456						Génétique-bio.	Bêta-mannosidase (mannosidose)		Rapport	Supra	152,0
50457						Génétique-bio.	Biotinidase		Rapport	Supra	70,0
50472						Génétique-bio.	Carnitine libre et estérifiée (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	46,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
50476						Génétique-cyto.	Culture de cellules fibroblastiques pour étude génétique (incluant recherche <i>Mycoplasma</i>)		Spécimen	Supra	784,0
50477						Génétique-bio.	Cystinose-lysosome (maladie lysosomiale)		Rapport	Supra	198,0
50480						Pathologie clinique	Analyse des dystrophies musculaires (immunobuvardage)		Rapport	Supra	293,0
50488						Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)		Spécimen	Supra	2,5
50489						Dépistage néonatal	Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2 ^e intention (électrophorèse capillaire)		Spécimen	Supra	10,5
50490						Dépistage néonatal	Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)		Spécimen	Supra	5,3
50520						Génétique-bio.	Galactosamine-6-sulfatase (MPS IV A)		Rapport	Supra	157,0
50521						Génétique-bio.	Galactose-1-phosphate (enzymatique)		Rapport	Supra	287,0
50523		C	VP			Génétique-bio.	Guanidinoacétate-créatine		Rapport	Supra	12,7
50524						Génétique-bio.	Globotriaosylceramide urinaire (Gb3) (LC-MS/MS)		Rapport	Supra	92,0
50530						Génétique-bio.	Heparan sulfate sulfatase (MPS III A)		Rapport	Supra	279,0
50540						Génétique-bio.	Iduronate sulfatase (MPS II)		Rapport	Supra	273,0
50550						Génétique-bio.	Lipase acide (Wolman / CESD)		Rapport	Supra	152,0
50561						Génétique-bio.	Méthyltétrahydrofolate réductase (MTHFR) indice d'incorporation MTHF		Rapport	Supra	828,0
50562					I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (LC MS-MS)		Rapport	Supra	19,4
50565					I	Génétique-bio.	Mucopolysaccharides (glycosaminoglycans) (quantitatif)		Rapport	Supra	60,0
50570						Génétique-bio.	N-acétylglucosamine 6-sulfate sulfatase (MPS III D)		Rapport	Supra	280,0
50580						Génétique-bio.	Oligosaccharides		Rapport	Supra	29,0
50600						Dépistage néonatal	Phénylalanine sur sang séché		Spécimen	Supra	0,9
50601						Génétique-bio.	Dosage des protéines pour test génétique biochimique		Spécimen	Supra	62,0
50602						Génétique-bio.	Isolation de leucocytes pour test en génétique biochimique		Spécimen	Régional	71,0
50603						Génétique-bio.	Hexosaminidase totale seulement		Rapport	Supra	126,0
50604						Génétique-bio.	Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		Rapport	Supra	776,0
50605						Génétique-bio.	Purines et pyrimidines		Rapport	Supra	17,9
50608		C	VP			Génétique-bio.	Acides gras à longue chaîne (profil complet) (GC/MS)		Rapport	Supra	33,0
50620						Génétique-bio.	Sialidase / neuraminidase (sialidose)		Rapport	Supra	157,0
50621						Génétique-bio.	Sphingomyélinase (Niemann-pick A et B)		Rapport	Supra	241,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
50624						Génétique-bio.	Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)		Rapport	Supra	47,0
50640						Génétique-bio.	Tests métaboliques urinaires (DNPH - sulfite)		Rapport	Régional	14,2
50641						Dépistage néonatal	Thyroxine (T4) totale sur sang séché		Spécimen	Supra	5,2
50642						Génétique-bio.	Transcobalamine II		Rapport	Supra	969,0
50645						Dépistage néonatal	Tyrosine sur sang séché		Spécimen	Supra	0,9
50646						Dépistage néonatal	Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché		Rapport	Supra	4,5
50648		C	VP			Génétique-cyto.	Dissection de villosités chorales et culture		Rapport	Supra	151,0
50649						Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales sur technique directe		Rapport	Supra	232,0
50710						Génétique-cyto.	Caryotype (liquide amniotique)		Rapport	Supra	392,0
50711						Génétique-cyto.	Caryotype (sang)		Rapport	Supra	450,0
50712						Génétique-cyto.	Caryotype (tissus)		Rapport	Supra	485,0
50713						Génétique-cyto.	Caryotype pour hémopathies (moelle et sang)		Rapport	Supra	618,0
50714						Génétique-cyto.	Caryotype pour tumeur solide		Rapport	Supra	734,0
50715		C	VP			Génétique-cyto.	Caryotype villosités chorales après culture		Rapport	Supra	398,0
50716						Génétique-cyto.	Colorations spéciales en cytogénétique (bande C-Q-DAPI-NOR)		Lame	Supra	149,0
50717						Génétique-cyto.	Culture cellulaire avec étude fonctionnelle cytogénétique inactivation de l'X		Rapport	Supra	611,0
50718						Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules en suspension)		Spécimen	Supra	79,0
50719						Génétique-cyto.	FISH sur noyau interphasique pour détection de réarrangement en oncologie avec sonde de fusion ou de séparation		Sonde	Supra	202,0
50720						Génétique-cyto.	FISH en interphase		Sonde	Supra	242,0
50722						Génétique-cyto.	FISH sur métaphase		Sonde	Supra	215,0
50723						Génétique-cyto.	Congélation de culture cellulaire pour étude génétique		Spécimen	Supra	24,0
50724						Génétique-cyto.	Décongélation et remise en culture de cellules pour étude génétique		Spécimen	Supra	19,2
50728						Génétique-cyto.	Culture cellulaire pour diagnostic génétique (cellules adhérentes)		Spécimen	Supra	199,0
50729						Génétique-cyto.	FISH sur tissu paraffiné		Sonde	Supra	260,0
50740						Génétique-cyto.	Diagnostic des cassures chromosomiques (Fanconi, Bloom, etc.)		Rapport	Supra	721,0
50800						Dépistage néonatal	TSH sur sang séché		Spécimen	Supra	2,0

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
50802						Dépistage néonatal	Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)		Spécimen	Supra	11,8
55002						D. mol. maladie héréditaire	Apolipoprotéine E; <i>APOE</i> (Cys112Arg et Arg158Cys) (TAAN)		Résultat	Supra	43,0
55008						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (gène récept. <i>LDL</i>) (del 5-15 Kb) (TAAN)		Rapport	Supra	78,0
55010						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 1 (del 5, del 15 kb, Trp66Gly, Cys646Tyr) (TAAN)		Rapport	Supra	81,0
55012						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> Panel 2 (Glu207Lys, Cys152Trp, Arg329Xaa, Cys347Arg, Tyr468Xaa, Tyr354Cys, 681ins7) (TAAN)		Rapport	Supra	124,0
55014						D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i>) Panel 1 (Pro207Leu, Gly188Glu, Asp9Asn) (TAAN)		Rapport	Supra	50,0
55016						D. mol. maladie héréditaire	Lipoprotéine lipase (gène <i>LPL</i>) Panel 2 (Asp9Asn, Asp250Asn, Asn291Ser) (TAAN)		Rapport	Supra	21,0
55018						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF), gène <i>R-LDL</i> (TAAN, mutation unique)		Rapport	Supra	147,0
55046						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome Andersen-Tawil; <i>KCNJ2</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	205,0
55047						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome Andersen-Tawil; recherche de variant familial par séquençage Sanger		Rapport	Supra	201,0
55049						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Brugada; <i>SCN5A</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	1024,0
55051						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Brugada; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55053						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome du QT long (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1322,0
55055						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome du QT long; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55057						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome du QT court (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	969,0
55058						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome du QT court; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55059						D. mol. maladie héréditaire	Tachycardie ventriculaire polymorphe catécholergique (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1061,0
55060						D. mol. maladie héréditaire	Tachycardie ventriculaire polymorphe catécholergique; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55061						D. mol. maladie héréditaire	Mort subite cardiaque inexplicée (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1041,0
55062						D. mol. maladie héréditaire	Mort subite cardiaque inexplicée; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55063						D. mol. maladie héréditaire	Trouble familial progressif de la conduction cardiaque (panel de gènes par SNG et Sanger)		Rapport	Supra	2228,0
55064						D. mol. maladie héréditaire	Trouble familial progressif de la conduction cardiaque; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55065						D. mol. maladie héréditaire	Pan-Arythmies (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1356,0
55066						D. mol. maladie héréditaire	Pan-mort subite inexplicée (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1497,0
55073						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathie dilatée et non-compaction ventriculaire gauche (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1150,0

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55075						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathie dilatée et non-compaction ventriculaire gauche; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55077						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathie ventriculaire droite arythmogène (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1026,0
55079						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathie ventriculaire droite arythmogène; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55081						D. mol. maladie héréditaire	Amyloïdose cardiaque; <i>TTR</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	205,0
55083						D. mol. maladie héréditaire	Amyloïdose cardiaque; <i>TTR</i> ; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55085						D. mol. maladie héréditaire	Pan-cardiomyopathie (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1423,0
55098						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathie hypertrophique; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55099						D. mol. maladie héréditaire	Cardiomyopathies hypertrophiques (SNG)		Rapport	Supra	1088,0
55100						D. mol. maladie héréditaire	Anévrisme de l'aorte familial (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	967,0
55101						D. mol. maladie héréditaire	Anévrisme de l'aorte familial; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55102						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome d'Ehlers-Danlos classique (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	886,0
55103						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome d'Ehlers-Danlos classique; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55104						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome d'Ehlers-Danlos vasculaire (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	854,0
55105						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome d'Ehlers-Danlos vasculaire; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55106						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Loeys-Dietz (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	886,0
55107						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Loeys-Dietz; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55108						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Marfan (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	872,0
55109						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Marfan; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55111						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF); <i>LDLR</i> ; (recherche de larges variations génétiques par MLPA)		Rapport	Supra	101,0
55113						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF) (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	1021,0
55114						D. mol. maladie héréditaire	Hypercholestérolémie familiale (HF); recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55115						D. mol. maladie héréditaire	Hyperalphalipoprotéïnémie familiale; <i>CETP</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	631,0
55116						D. mol. maladie héréditaire	Hyperalphalipoprotéïnémie familiale; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55117						D. mol. maladie héréditaire	Hyperchylomicronémie familiale (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	916,0
55118						D. mol. maladie héréditaire	Hyperchylomicronémie familiale; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55119						D. mol. maladie héréditaire	Sitostérolémie (panel de gènes par SNG)		Rapport	Supra	886,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55120						D. mol. maladie héréditaire	Sitostérolémie; recherche de variant familial (séquençage)		Rapport	Supra	201,0
55126						D. mol. maladie héréditaire	Achondroplasie - hypochondroplasie (exons 10 et 13) (FGFR3) (séquençage)		Rapport	Supra	140,0
55132						D. mol. maladie héréditaire	Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; <i>MMACHC</i> , <i>LMBR1D</i> ; (TAAN, mutation individuelle)		Rapport	Supra	218,0
55134						D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); délétion exon 7 <i>SMN1</i> ; (quantitatif) (TAAN)		Rapport	Supra	264,0
55136						D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> (exon 7-8 del) (TAAN)		Rapport	Supra	213,0
55138						D. mol. maladie héréditaire	Amyotrophie spinale (SMA); <i>SMN1</i> ; (étude familiale par liaison génétique)		Rapport	Supra	1052,0
55142						D. mol. maladie héréditaire	Ataxie de Friedreich (FA); <i>FXN</i> (expansion de trinuécléotides); (TAAN)		Rapport	Supra	55,0
55146						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> , <i>PMS2</i> , <i>EPCAM</i> ; (MLPA, analyse de délétion et duplication)		Rapport	Supra	99,0
55148						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> , <i>PMS2</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	172,0
55152						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> , <i>MSH2</i> , <i>MSH6</i> ; recherche d'une mutation, (TPT)		Rapport	Supra	289,0
55154						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	696,0
55156	*					D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MLH1</i> ; méthylation du promoteur (TAAN)		Rapport	Supra	146,0
55158						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH2</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	631,0
55160						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH6</i> ; régions codantes complètes (séquençage)		Rapport	Supra	631,0
55162						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>MSH6</i> ; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	487,0
55164						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du côlon; <i>PMS2</i> ; recherche de mutation, (TPT)		Rapport	Supra	523,0
55165		C	D			D. mol. oncologie héréditaire	Cancer colorectal héréditaire - Panel de gènes (SNG)		Rapport	Supra	970,0
55166						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; mutations juives Ashkénazes (TAAN)		Rapport	Supra	188,0
55167					I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>PALB2</i> ; détection de l'allèle Q775X (séquençage)		Rapport	Supra	157,0
55168						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutation individuelle)		Rapport	Supra	136,0
55170						D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire; <i>BRCA1</i> , <i>BRCA2</i> ; (mutations canadiennes-françaises)		Rapport	Supra	462,0
55171		C	D		I	D. mol. oncologie héréditaire	Cancer du sein, cancer de l'ovaire, héréditaire; <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations (SNG)		Rapport	Supra	548,0
55172						D. mol. oncologie héréditaire	Néoplasie endocrinienne multiple type II (MEN II); <i>RET</i> ; (7 exons) (séquençage)		Rapport	Supra	491,0
55174						D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth lié à l'X type 1 (<i>CMTX1</i>); <i>GJB1</i> ; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	235,0
55176						D. mol. maladie héréditaire	Charcot-Marie-Tooth type 1A (<i>CMT1A</i>); <i>PMP22</i> ; (TAAN quantitatif)		Rapport	Supra	231,0
55178						D. mol. maladie héréditaire	Cirrhose nord amérindienne infantile (NAIC); <i>CIRHIN</i> (<i>CIRH1A</i>); Arg565Trp; (TAAN)		Rapport	Supra	128,0
55180						D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome d'Apert; <i>FGFR2</i> (Ser252Trp et Pro253Arg); (TAAN)		Rapport	Supra	151,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55182						D. mol. maladie héréditaire	Craniosynostose, syndrome de Muenke; <i>FGFR3</i> (Pro250Arg); (TAAN)		Rapport	Supra	142,0
55194						D. mol. maladie héréditaire	Déficit congénital en glycosylation type 1b (CDG-Ib); <i>MPI</i> (Arg295His)		Rapport	Supra	14,6
55196						D. mol. maladie héréditaire	Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); <i>ACADM</i> (Lys304Glu/Lys329Glu)		Rapport	Supra	53,0
55198						D. mol. maladie héréditaire	Déficit en alpha-1 antitrypsine (AATD); <i>SERPINA1</i> (Arg101His, Ala213Val, Glu264Val, Glu342Lys et Glu376Asp)		Rapport	Supra	175,0
55204	*	C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Détection rapide des aneuploïdies par QF-PCR (chromosomes 13, 18, 21, X et Y) (TAAN)		Rapport	Supra	190,0
55206						D. mol. maladie héréditaire	Dysautonomie familiale ou neuropathie sensitive et autonome héréditaire type III (HSAN3); <i>IKBKAP</i> (IVS20+6T>C/c.2204+6T>C)		Rapport	Supra	158,0
55208						D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie ectodermique hidrotique ou syndrome de Clouston; <i>GJB6</i> (Gly11Arg, Val37Glu, Asp50Asm et Ala88Val)		Rapport	Supra	169,0
55209						D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie thanatophore de types I et II (Exons 7, 10, 15 et 19) (<i>FGFR3</i>) (séquençage)		Rapport	Supra	276,0
55212						D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; <i>DMD</i> ; (délétion/duplication)		Rapport	Supra	282,0
55214						D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie myotonique de Steinert; (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	279,0
55218						D. mol. maladie héréditaire	Fibrose Kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	156,0
55219						Dépistage néonatal	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché		Rapport	Supra	106,0
55221					I	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; régions codantes complètes (SNG)		Rapport	Supra	296,0
55222						D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (TAAN, mutation individuelle)		Rapport	Supra	29,0
55223		C	D			D. mol. maladie héréditaire	Fièvre méditerranéenne familiale (FMF); <i>MEFV</i> (Glu148Gln, Met680Ile, Met694Val, Met694Ile et Val726Ala) (TAAN)		Rapport	Supra	209,0
55224		C	VP			D. mol. maladie héréditaire	Hémochromatose héréditaire type I; <i>HFE</i> (C282Y, H63D) (TAAN)		Rapport	Supra	23,0
55228						D. mol. maladie héréditaire	Infertilité mâle microdélétion du chromosome Y		Rapport	Supra	237,0
55236						D. mol. maladie héréditaire	Encéphalite Cree; <i>TREX1</i> : Arg164Xaa, (TAAN)		Rapport	Supra	17,7
55238						D. mol. maladie héréditaire	Leucoencéphalopathie Cree; eIF2B5: (Arg195His) (TAAN)		Rapport	Supra	17,7
55244						D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Huntington (HD); <i>HTT</i> (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	347,0
55246						D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	156,0
55248						D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (panel de mutations)		Rapport	Supra	403,0
55250		C	D			D. mol. maladie héréditaire	Maladie de Tay-Sachs ou gangliosidose à GM2 variant B; <i>HEXA</i> ; (séquençage, régions codantes complètes et délétion récurrente Canadienne-Française)		Rapport	Supra	1237,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55252						D. mol. maladie héréditaire	Maladies juives ashkénazes : maladie de Canavan (CD), maladie de Tay-Sachs, dysautonomie familiale; (panel de mutations juives ashkénazes) (séquençage)		Rapport	Supra	211,0
55254						Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, activité enzymatique		Rapport	Supra	776,0
55255						Génétique-bio.	Maladie mitochondriale, détection des complexes I à V (BN-PAGE)		Rapport	Supra	454,0
55256						D. mol. maladie héréditaire	Maladie mitochondriale, ADN mt (SNG)		Résultat	Supra	746,0
55266						D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	880,0
55268						D. mol. maladie héréditaire	Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	156,0
55274						D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; APC; (MLPA) recherche de duplication / délétion		Rapport	Supra	104,0
55276						D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; APC, exon 15 (TPT)		Rapport	Supra	644,0
55278						D. mol. oncologie héréditaire	Polypose adénomateuse colique; APC; exon 1 à 14, (TPT)		Rapport	Supra	289,0
55280						D. mol. oncologie héréditaire	Polypose intestinale multiple; MUTYH (REB), panel de mutations		Rapport	Supra	172,0
55288						D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; GJB2, Connexine 26; (séquençage, régions codantes complètes)		Rapport	Supra	242,0
55290						D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; GJB2, GJB6; (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	156,0
55292						D. mol. maladie héréditaire	Surdité non syndromique; GJB6, Connexine 30, 2 délétions (TAAN)		Rapport	Supra	55,0
55294						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de l'X fragile; FMR1 (expansion de trinuécléotides)		Rapport	Supra	89,0
55298						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman; (MS-TAAN, profil de méthylation)		Rapport	Supra	142,0
55300						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de RETT, gène MECP2 (séquençage et MLPA)		Rapport	Supra	467,0
55302						D. mol. maladie héréditaire	Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammonémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del) (séquençage)		Rapport	Supra	189,0
55305						Dépistage prénatal	Test génomique prénatal non invasif (TGPNi)		Rapport	Supra	402,0
55311	*	C	H			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay – Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	25,0
55312	*	C	H			D. mol. maladie héréditaire	Offre populationnelle – Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement de cellules buccales		Rapport	Régional désigné	25,0
55313	*					D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (SACS 6594ΔT, SACS 5254C>T, LRPPRC C1061T, SLC12A6 2436ΔG, FAH IVS12+5G>A; (TAAN) recherche de mutations sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	43,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55314	*					D. mol. maladie héréditaire	Quatre maladies récessives du Saguenay–Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM /ACC; ARSACS) (TAAN) – recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique		Rapport	Supra	24,0
55315					I	D. mol. maladie héréditaire	Mucopolidose de type II (MLII); <i>GNPTAB</i> : c.3503_3504delTC (séquençage, mutation individuelle)		Rapport	Supra	197,0
55318						D. mol. maladie héréditaire	Maladies héréditaires; mutation familiale pour confirmation ou dépistage familial (séquençage)		Rapport	Supra	176,0
55320					I	D. mol. maladie héréditaire	Tyrosinémie héréditaire de type 1; <i>FAH</i> (14 exons) (séquençage)		Rapport	Supra	326,0
55330		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux dystrophies musculaires analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55332		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myopathies congénitales analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55334		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux myasthénies congénitales analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55336		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux hyperthermies malignes analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55338		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux rhabdomyolyses analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55340		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel global de gènes associés aux maladies musculaires à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55350		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la sclérose latérale amyotrophique analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55352		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions ATXN2 (TAAN)		Rapport	Supra	107,0
55354		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Analyse d'expansion des répétitions C9orf72 (TAAN)		Rapport	Supra	196,0
55356		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Séquençage des gènes SOD1, FUS et TARDBP (SNG)		Rapport	Supra	378,0
55360		N*		R	I	D. mol. Maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés à la déficience intellectuelle analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55365		N*		R	I	D. mol. maladie héréditaire	Séquençage des gènes liés au syndrome de Noonan/RASopathie (prénatal et postnatal)(SNG)		Rapport	Supra	509,0
55370		N*		R	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux maladies mitochondriales liées à des mutations de l'ADN nucléaire analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55372		N		R	I	D. mol. maladie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux syndromes polymalformatifs analysés à partir des données de séquençage de l'exome (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55374		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel des cancers héréditaires (core panel) (SNG) (technique seulement)		Échantillon	Supra	174,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
55376		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer du sein analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55378		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de l'ovaire analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55380		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer du pancréas non associé à la pancréatite chronique héréditaire analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55382		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de la prostate analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55384		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer de l'endomètre analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55386		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés au cancer du côlon analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
55388		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux polyposes colorectales analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement) (excluant le syndrome de Lynch)		Rapport	Supra	1,0
55390		N		R	I	D. mol. oncologie héréditaire	Panel virtuel ciblé de gènes associés aux cancers gastriques héréditaires analysés à partir des données du panel des cancers héréditaires (interprétation seulement)		Rapport	Supra	1,0
60000						Pathologie clinique	Assistance à autopsie Creutzfeldt-Jakob (incluant tous prélèvements)		Usager	Supra	224,0
60002	*					Pathologie clinique	Assistance à autopsie métabolique ou mort subite du nourrisson (incluant radiologie, éviscération et tous prélèvements) (réservé à pédiatrie)		Usager	Supra	211,0
60003						Pathologie-fertilité	Anti-spermatozoïdes (sperme / sérum) (IgG et IgA)		Rapport	Régional	29,0
60005	*					Pathologie-fertilité	Conservation des paillettes de sperme (banque de sperme)		Paillette	Régional	3,5
60006						Pathologie-fertilité	Cryopréservation (sperme) (transformation)		Usager	Régional	66,0
60030						Pathologie clinique	Assistance à autopsie (incluant éviscération et tous prélèvements, excluant prélèvement de moelle épinière)		Usager	Local	281,0
60031						Pathologie clinique	Assistance à autopsie foetale (incluant placenta et tous prélèvements)		Usager	Local	110,0
60040	*	C	H		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); PD-L1 (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	105,0
60041	*	C	H		I	Pathologie clinique	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); ALK (immunohistochimie)		Lame	Régional désigné	18,4
60042	*					Pathologie clinique	Cancer colorectal; MSI (MSH, MLH1, MSH2, MSH6 et PMS2) (immunohistochimie)		Lame	Régional	34,0
60044	*	N*			I	Pathologie clinique	Analyse de ROS1 par immunohistochimie (IHC)		Lame	Régional désigné	175,0
60046	*	C	H, D		I	Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (PD-L1) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	105,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
60050						Pathologie clinique	Coloration spéciale		Lame	Local	24,0
60051						Pathologie clinique	Coloration spéciale : lame grand format		Lame	Régional	32,0
60090						Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné, lame grand format		Lame	Régional	20,0
60100	*					Pathologie clinique	Mise en cassette avec ou sans assistance au pathologiste, résident ou assistant pathologiste		Cassette	Local	1,2
60101						Prélèvements	Assistance pour prélèvement de biopsie (pour pathologie ou cytologie) (excluant déplacement)		Usager	Local	12,3
60120						Pathologie clinique	Description de placenta (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	9,5
60122	*	C	D			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	14,2
60124	*	C	D			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales non complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	3,8
60128	*	C	D			Pathologie clinique	Description macroscopique de pièces chirurgicales très complexes effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	51,0
60140						Pathologie clinique	Enrobage dans agar et fixation pour micro-spécimen		Cassette	Local	2,8
60141						Pathologie clinique	Examen extemporané (coloration incluse)		Lame	Local	12,6
60142	*	C	H			Pathologie clinique	Examen extemporané exclusivement pour chirurgie de MOH'S		Lame	Régional désigné	27,0
60148						Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (double marquage) (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	26,0
60150						Pathologie clinique	Immunofluorescence sur tissu		Lame	Régional	17,6
60151	*					Pathologie clinique	Immunohisto/cytochimie (immunohistochimie) (contrôles inclus)		Lame	Local	21,0
60162						Pathologie-fertilité	Préparation d'une paillette achetée d'une banque pour insémination (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	27,0
60163						Pathologie-fertilité	Préparation de paillette pour insémination (sperme du conjoint) (lavée et non lavée)		Paillette	Régional	10,9
60168		N				Pathologie clinique	Préparation de ruban de tissu paraffiné pour extraction des acides nucléiques		Bloc	Local	1,0
60178	*					Pathologie clinique	Préparation de lames blanches (pour l'envoi de lames pour technique hors de l'installation ou pour préservation de tissus précieux)		Lame	Local	2,6
60180	*	C	D			Pathologie clinique	Photographie macroscopique pour chirurgie ou autopsie (déposée au dossier) effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Photo	Local	2,2
60189	*	C	VP			Pathologie clinique	Biomarqueurs immunohistochimiques (à but thérapeutique) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional	23,0
60190						Pathologie clinique	Radiographie de pièces chirurgicales ou blocs (excluant le déplacement)		Photo	Local	7,0
60200	*					Pathologie clinique	Coloration de routine, tissu paraffiné		Lame	Local	3,7
60301						Pathologie clinique	Histo-enzymologie (musculaire ou nerveuse)		Lame	Supra	92,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
60351						Pathologie clinique	Nerf, sans micro dissection		Rapport	Supra	48,0
60352						Pathologie clinique	Analyse histomorphométrique d'un spécimen osseux non décalcifié		Rapport	Supra	822,0
60441	*					Cytologie	Cytologie gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	11,7
60442	*					Cytologie	Cytologie non gynécologique en milieu liquide (préparation)		Lame	Régional	13,5
60470	*					Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (incluant milieu liquide) (lecture seulement par cytologiste)		Lame	Régional	8,9
60471	*					Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (préparation et coloration)		Lame	Local	9,8
60472	*					Cytologie	Frottis non-gynécologique ou cyto centrifugation (incluant milieu liquide) (lecture seulement par cytologiste)		Lame	Régional	8,1
60473	*					Cytologie	Frottis cervicaux-vaginaux (préparation et coloration)		Lame	Local	3,1
60490		C	VP			Hémato-immunocytométrie	Ploïdie sur tissus frais ou congelés		Rapport	Supra	66,0
60500						Pathologie clinique	Radiographie d'un corps (autopsie) (excluant déplacement)		Usager	Local	43,0
60543	*	C	D			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par dégraissage effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	49,0
60544	*	C	D			Pathologie clinique	Recherche de ganglion par palpation effectuée par un technologiste médical ou assistant-pathologiste		Spécimen	Local	30,0
60570	*					Pathologie clinique	Marqueurs tumoraux spécifiques (HER 2/neu) (immunohistochimie) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional	65,0
60572	*					Pathologie clinique	Microscopie électronique : de semi-fine jusqu'à rapport		Usager	Supra	249,0
60573	*					Pathologie clinique	Microscopie électronique : jusqu'à l'enrobage à l'épon		Usager	Supra	137,0
60590						Pathologie clinique	Ploïdie sur tissus paraffinés		Rapport	Supra	163,0
60591						Pathologie clinique	Prélèvement de moelle épinière complète		Usager	Local	40,0
60594						Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme-gradient)		Usager	Régional	65,0
60595						Pathologie-fertilité	Spermogramme complet assisté par ordinateur (CASA)		Rapport	Local	25,0
60596						Pathologie-fertilité	Viabilité des spermatozoïdes (coloration éosine - négrosine)		Rapport	Local	5,8
60611						Pathologie clinique	Description macroscopique sans production de lame, bloc ou cassette		Spécimen	Local	4,7
60631						Pathologie-fertilité	Spermoconcentration et stimulation (lavage de sperme - SWIMM-UP)		Usager	Régional	39,0
60632						Pathologie-fertilité	Spermogramme complet (test de fertilité) ou vaso-vasostomie		Rapport	Local	38,0
60633						Pathologie-fertilité	Spermogramme partiel (post-vasectomie)		Rapport	Local	17,8
60700	*	C	VP			Télé-pathologie	Numérisation lame (pathologie numérique), effectuée par un technologiste médical		Lame	Local	3,6
60701	*					Télé-pathologie	Création d'un dossier dans un système de traitement d'images numérisées (pathologie numérique)		Rapport	Local	9,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
60702	*					Télé-pathologie	Prise d'image macroscopique (déposée au dossier) (télépathologie)		Photo	Local	2,2
60705	*					Télé-pathologie	Session macroscopique de pièces chirurgicales (télépathologie), effectuée par un technologiste médical (mise en cassette non incluse)		Spécimen	Local	16,2
65002						D. mol. oncologie	Cancers; <i>BRAF</i> , détection de la mutation Val600Glu (TAAN)		Rapport	Supra	100,0
65003					I	D. mol. oncologie	Cancer colorectal, <i>KRAS</i> , <i>NRAS</i> (codon 12, 13, 59, 61, 117, 146), <i>BRAF</i> (codon 600) (SNG)		Rapport	Supra	402,0
65004						D. mol. oncologie	Cancer du côlon; (instabilité des microsatellites, consensus 5 marqueurs)		Rapport	Supra	243,0
65005		N		R		D. mol. oncologie	Cancer de l'ovaire, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG)		Rapport	Supra	594,0
65006						D. mol. oncologie	Cancer du poumon; <i>EGFR</i> (exons 18 - 21) panel de mutations somatiques (TAAN)		Rapport	Supra	204,0
65007		N		R		D. mol. oncologie	Cancer de la prostate, <i>BRCA1</i> et <i>BRCA2</i> - recherche de mutations sur tumeur solides (SNG)		Rapport	Supra	594,0
65008	*	C	H			D. mol. oncologie	Cancer du sein et de l'estomac, détection (<i>ERBB2</i> ou <i>HER2/neu</i>) (FISH) (par marqueur, incluant le décompte)		Lame	Régional désigné	199,0
65010						D. mol. oncologie	Carcinome rénal (PRCC-TFE3 de la t(X;1)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	307,0
65012						D. mol. oncologie	Carcinome rénal (alpha-TFEB de la t(6;11)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	285,0
65014						D. mol. oncologie	Chondrosarcome myxoïde (<i>EWSR1-TEC</i> de la t(9;22) et <i>TAF2N-TEC</i> de la t(9;17)) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	307,0
65016						D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes légères (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	197,0
65018						D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire B chaînes lourdes (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	130,0
65020	*					D. mol. oncologie	Clonalité lymphocytaire T chaînes B, G et D (TAAN, méthode BIOMED-2)		Rapport	Supra	263,0
65022		C	VP			D. mol. oncologie	Co délétion - chromosome 1p et 19q (FISH)		Sonde	Supra	231,0
65030						D. mol. oncologie	Dermato-Fibrosarcome (<i>COL1A1-PDGFB</i> de la t(17;22) (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	269,0
65032						D. mol. hématologie	Identification du point de cassure <i>BCR-ABL1</i> par PCR multiplex de la t(9;22) (TAAN)		Résultat	Supra	99,0
65034						D. mol. maladie héréditaire	Dysplasie fibreuse / Syndrome de McCune-Albright, mutations aux codons Arg201 et Gln227 du gène <i>GNAS1</i> (TAAN sur tissus)		Rapport	Supra	137,0
65036					I	D. mol. oncologie	Dihydropyrimidine déshydrogénase (DPYD), mutations c.1905+1G>A (DPYD*2A), c.2846A>T, c.1679T>G et c.1129-5923C>G (TAAN)		Rapport	Supra	36,0
65040						D. mol. oncologie	Fibrosarcome congénital t(12;15) (TAAN)		Rapport	Supra	174,0
65042					I	D. mol. oncologie	Lymphome lymphoplasmocytaire, MYD88, détection de la mutation Leu265Pro (TAAN)		Rapport	Supra	72,0
65050						D. mol. oncologie	GIST: <i>CKIT</i> et <i>PDGFRA</i> (12 séquençages)		Rapport	Supra	415,0
65065					I	D. mol. oncologie	Cancer du cerveau; <i>IDH1</i> (R132), <i>IDH2</i> (R172) (TAAN, mutations individuelles)		Rapport	Supra	173,0
65070						D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>KRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4) (TAAN)		Rapport	Supra	132,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
65080						D. mol. hématologie	Leucémie LLA (2 amplifications) détection de translocations (TAAN)		Rapport	Supra	174,0
65082						D. mol. hématologie	Leucémie LLC, Igh Vh (séquençage)		Rapport	Supra	185,0
65084						D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de translocation t(8;21) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	106,0
65086						D. mol. hématologie	Leucémie LMA, détection de l'inversion (16) 2 amplifications (TAAN)		Résultat	Supra	104,0
65088						D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation FLT3/ITD)		Résultat	Supra	75,0
65090						D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation FLT3/TKD) (TAAN)		Résultat	Supra	113,0
65091					I	D. mol. hématologie	Leucémie LMA, stratification pronostique, panel 8 gènes (SNG)		Rapport	Supra	857,0
65092		C	VP			D. mol. hématologie	Leucémie LMC et LLA (<i>BCR-ABL1</i> de la t(9;22)) (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	104,0
65094						D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), PML/RAR de la t(15;17) amplification simple (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	114,0
65096						D. mol. hématologie	Leucémie LPA (FAB-M3), PML/RAR de la t(15;17) (TAAN niché)		Résultat	Supra	30,0
65098						D. mol. hématologie	Leucémie LMA (mutation C/EPBa) (séquençage)		Rapport	Supra	669,0
65120						D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène RUNX1 (séquençage)		Résultat	Supra	235,0
65121						D. mol. hématologie	Leucémie - prédisposition familiale, gène PAX5 (séquençage)		Rapport	Supra	277,0
65122						D. mol. cancérologie héréditaire	Mutations germinales - prédisposition familiale, gène TP53 (séquençage)		Rapport	Supra	235,0
65130						D. mol. oncologie	Liposarcome myxoïde (FUS-CHOP de la t(12;16), EWRS1-CHOP de la t(12;22)) (TAAN) sur tissus		Rapport	Supra	307,0
65132						D. mol. oncologie	Lymphome à cellule du manteau (BCL-1) (TAAN)		Résultat	Supra	100,0
65134						D. mol. oncologie	Lymphome à grandes cellules t(2;5) (TAAN)		Rapport	Supra	174,0
65136						D. mol. oncologie	Lymphome de Burkitt recherche de translocation cMYC (TAAN)		Rapport	Supra	200,0
65138						D. mol. oncologie	Lymphome folliculaire, recherche de translocation (BCL-2 de la t(14;18)) (TAAN)		Résultat	Supra	127,0
65145					I	D. mol. hématologie	Mutation du gène <i>CALR</i> , exon 9 (TAAN)		Résultat	Supra	31,0
65147		C	VP		I	D. mol. oncologie	Méthylation du gène de l'O-6-méthylguanine-ADN méthyltransférase (MGMT)		Rapport	Supra	147,0
65148						D. mol. hématologie	Myélofibrose primaire et thrombocytémie essentielle; <i>MPL</i> ; mutations Trp515Leu, Trp515Lys, Trp515Ala et Ser505Asn (exon 10) (TAAN)		Rapport	Supra	50,0
65149					I	D. mol. oncologie	Cancer du côlon; <i>NRAS</i> , recherche de mutations ciblées (exons 2, 3, 4; codons 12, 13, 61 et 146) (TAAN)		Rapport	Supra	218,0
65150						D. mol. hématologie	Leucémie LMA, nucléophosmine gène NPM1 (exon 12) (TAAN)		Résultat	Supra	137,0
65155						D. mol. hématologie	Polycythémie vraie (mutation JAK2-Val617Phe) (TAAN)		Rapport	Supra	153,0
65156					I	D. mol. hématologie	Polycythémie vraie; JAK2; mutations exon 12 (TAAN)		Rapport	Supra	47,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
65160						D. mol. oncologie	Recherche des chaînes légères Kappa, Lambda ou du virus EBV par hybridation <i>in situ</i> chromogénique (CISH)		Rapport	Régional	146,0
65162						D. mol. oncologie	Rhabdomyosarcome alvéolaire t(1;13) t(2;13) (TAAN)		Rapport	Supra	208,0
65164						D. mol. oncologie	Sarcome à cellules claires ou histiocytome fibreux angiomatoïde (FUS-ATF1 de la t(12;16), <i>EWSR1-CREB1</i> de la t(12;22), <i>EWSR1-CREB1</i> de la t(2;22)) (TAAN)		Rapport	Supra	347,0
65166						D. mol. oncologie	Sarcome alvéolaire des tissus mous (ASPL-TFE3 de la t(X;17) (TAAN)		Rapport	Supra	269,0
65168						D. mol. oncologie	Sarcome Ewing <i>EWS/FL1</i> t(11;22) et <i>EWS/ERG</i> t(21;22) (TAAN)		Rapport	Supra	205,0
65170						D. mol. oncologie	Sarcome fibromyxoïde de bas grade (FUS- <i>CREB3L2</i> de la t(7;16), FUS- <i>CREB3L1</i> de la t(11;16)) (TAAN)		Rapport	Supra	328,0
65172						D. mol. oncologie	Sarcome synovial t(x;18) (TAAN)		Rapport	Supra	209,0
65174					I	D. mol. oncologie	Sarcome des tissus mous et osseux; analyse des translocations (SNG)		Rapport	Supra	905,0
65180						D. mol. hématologie	Syndrome hyperéosinophilique (<i>FIP1L1-PDGFR</i> de la délétion 4q12) (TAAN)		Rapport	Supra	166,0
65182						D. mol. hématologie	Néoplasie myelo-proliférative NMP/SMD (<i>ETV6-PDGFRB</i> de la t(5;12) (TAAN)		Rapport	Supra	221,0
65196						D. mol. oncologie	Tumeur desmoplastique à petites cellules <i>EWS/WT1</i> (TAAN)		Rapport	Supra	154,0
65198						D. mol. oncologie	Tumeurs cérébrales; H3F3A (mutations Lys27Met et Gly34Val/Arg) et HIST1H3B (mutation Lys27Met) (séquençage)		Rapport	Supra	181,0
65199					I	D. mol. oncologie	Cancer du poumon non à petites cellules (CPNPC); Réarrangement ALK (FISH)		Sonde	Supra	175,0
65200		N*			I	Pathologie clinique	Analyse de ROS1 par hybridation <i>in situ</i> en fluorescence (FISH)		Lame	Supra	175,0
65220		N*		R	I	D. mol. Oncologie	Panel multi-gène à but diagnostique, pronostique ou prédictif pour cancer broncho-pulmonaire (SNG)		Rapport	Supra	578,0
70002	*					Envoi	Envoi intergrappes (entre les laboratoires de deux grappes différentes)		Échantillon	Local	2,7
70003	*					Envoi	Envoi intragrappe (entre les laboratoires d'une même grappe)		Échantillon	Local	1,9
70005	*					Envoi	Envoi ou retour de lame/bloc/cassette		Échantillon	Local	0,1
70006	*					Envoi	Envoi hors Québec (par établissement)		Usager	Local	111,0
70007	*					Envoi	Envoi par avion intra-Québec		Boîte	Local	224,0
70008	*					Envoi	Envoi sur glace sèche		Boîte	Local	6,0
70019						Prélèvements	Prélèvement du test respiratoire de la détection de l' <i>Helicobacter pylori</i> à l'urée marquée au carbone 13		Usager	Local	37,0
70020	*					Prélèvements	Prélèvement biologique (excluant sang et réception)		Usager	Local	11,5
70021	*					Prélèvements	Prélèvement capillaire		Usager	Local	23,0
70022						Prélèvements	Prélèvement d'une unité de sang total, don autologue ou programme de donneur ambulant		Usager	Local	25,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
70023	*	C	VP			Prélèvements	Prélèvement veineux		Usager	Local	10,3
70024						Prélèvements	Prélèvement veineux pédiatrique < 7 ans (incluant l'assistance au prélèvement)		Usager	Local	23,0
70026						Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse en SOP		Usager	Local	163,0
70027						Prélèvements	Assistance au prélèvement de moelle osseuse ou autre spécimen (excluant déplacement)		Usager	Local	61,0
70028						Prélèvements	Acide pyruvique (prélèvement au chevet et déprotéinisation)		Usager	Local	43,0
70029						Prélèvements	Phlébotomie thérapeutique (saignée)		Usager	Local	17,6
70030	*					Prélèvements	Revêtement d'équipement protection individuelle (ÉPI) sur les unités de soins en isolement		Usager	Local	1,9
75004						D. mol. divers	Contamination maternelle (TAAN)		Rapport	Supra	151,0
75006	*	C	D			D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un spécimen clinique (pour conservation ou envoi)		Spécimen	Supra	19,2
75008	*					D. mol. divers	Extraction ADN ou ARN à partir d'un tissu paraffiné (pour conservation ou envoi)		Spécimen	Supra	49,0
75010						D. mol. divers	Technique d'analyse des microsatellites (pour disomie uniparentale)		Rapport	Supra	317,0
75020		N*			I	D. mol. Divers	Séquençage de l'exome germlinal pour l'investigation des maladies génétiques (SNG)		Échantillon	Supra	408,0
80007						CTQ	Alcools (acétone, éthanol, isopropanol méthanol) (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80008						CTQ	Alprazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80009						CTQ	Aluminium (sérum)		Résultat	Supra	50,0
80010						CTQ	Amitriptyline et nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80012						CTQ	Amphétamines (sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 10 substances		Résultat	Supra	98,0
80013						CTQ	Antidépresseurs tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80014						CTQ	Antidépresseurs antipsychotiques et non tricycliques (sérum) (LC-MS-MS) inclut 14 substances		Résultat	Supra	98,0
80015						CTQ	Antidépresseurs ISRS (sérum) (LC-MS-MS) inclut 11 substances		Résultat	Supra	98,0
80016						CTQ	Antimoine (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80017						CTQ	Argent (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80018						CTQ	Arsenic total (urine/sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80020						CTQ	Benzodiazépines (urine) (LC-MS-MS) inclut 25 substances		Résultat	Supra	98,0
80024						CTQ	Congénères de biphenyles polychlorés (BPCs), de polybromés (PBDEs), de toxaphènes et les pesticides organochlorés (plasma) (GC-MS)		Résultat	Supra	192,0
80025						CTQ	Bromazépam qualitatif (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80027						CTQ	Cadmium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80028						CTQ	Cannabis (Delta9-tétrahydrocannabinol, Cannabidiol, Cannabinol, Carboxy-delta9-tétrahydrocannabinol, 11-Hydroxy-delta9-tétrahydrocannabinol) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	82,0
80030						CTQ	Chrome (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80031						CTQ	Citalopram (Celexa®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80033						CTQ	Clomipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80034						CTQ	Clozapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80036						CTQ	Cobalt (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80037						CTQ	Cocaine qualitatif (sang/plasma) (LC-MS-MS) inclut 4 substances		Résultat	Supra	65,0
80038						CTQ	Cotinine (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	102,0
80039						CTQ	Cuivre (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80040						CTQ	Cyanure (sang) (GC-MS)		Résultat	Supra	149,0
80041						CTQ	Désipramine (Norpramin®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80049						CTQ	Diazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80050						CTQ	Doxépine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80052						CTQ	Éthylène glycol (sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	76,0
80054						CTQ	Fer (biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80055						CTQ	Fluorure (urine)		Résultat	Supra	50,0
80057						CTQ	Fluoxétine (Prozac®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80059						CTQ	GHB (gamma hydroxybutyrate) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	81,0
80060						CTQ	Imipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80061						CTQ	Isopropanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80063						CTQ	Lorazépam (Ativan®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80065						CTQ	Manganèse (sang/sérum/urine)		Résultat	Supra	50,0
80066						CTQ	Maprotiline (Ludiomil®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80068						CTQ	Mercure total (sang/urine)		Résultat	Supra	50,0
80069						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans le sang et l'urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	141,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80074						CTQ	Nickel (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80075						CTQ	Nitrazépam (Mogadon®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80078						CTQ	Nortriptyline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80080						CTQ	Opiacés (urine) (GC-MS) inclut 8 substances		Résultat	Supra	98,0
80081						CTQ	Or (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	170,0
80082						CTQ	Oxazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80084						CTQ	Paroxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80085						CTQ	Phencyclidine (PCP) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80088						CTQ	Plomb (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	44,0
80092						CTQ	Risperidone (Risperdal®) (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80093						CTQ	Sélénium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80094						CTQ	Sertraline (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80095						CTQ	Tellure (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80096						CTQ	Thallium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80099						CTQ	Dépistage qualitatif de médicaments et drogues (sérum/urine/liquide gastrique) (GC-MS)		Résultat	Supra	92,0
80100						CTQ	Trazodone (Desyrel®) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80102						CTQ	Triazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80104						CTQ	Trimipramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80105						CTQ	Venlafaxine (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80106						CTQ	Zinc (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80109						CTQ	Acébutolol (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80110						CTQ	Acétone (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80112						CTQ	Antimoine (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80113						CTQ	Argent (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80114						CTQ	Arsenic total (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80115						CTQ	Baryum (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80116						CTQ	Baryum (urine/sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80118						CTQ	Béryllium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80119						CTQ	Béryllium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80120						CTQ	Béryllium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80121						CTQ	Bismuth (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80122						CTQ	Bismuth (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80126						CTQ	Cadmium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80128						CTQ	Chrome (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80129						CTQ	Clobazam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80130						CTQ	Clonazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80131						CTQ	Cobalt (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80132						CTQ	Cuivre (Biopsies) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80133						CTQ	Cuivre (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80134						CTQ	Cuivre (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80135						CTQ	Diltiazem (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80136						CTQ	Étain (Tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80137						CTQ	Étain (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80138						CTQ	Fer (Tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80139						CTQ	Flurazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80142						CTQ	Iode (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	77,0
80143						CTQ	Lithium (cheveux) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80144						CTQ	Lithium (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80145						CTQ	Magnésium (tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80147						CTQ	Manganèse (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80148						CTQ	Mercure total (cheveux/tissus)		Résultat	Supra	80,0
80149						CTQ	Métaux (dépistage quantitatif dans les cheveux et les ongles) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80150						CTQ	Méthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80151						CTQ	Molybdène (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80152						CTQ	Molybdène (sang/sérum/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80154						CTQ	Nickel (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80159						CTQ	Platine (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80160						CTQ	Plomb (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80161						CTQ	Plomb (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80162						CTQ	Propranolol (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80163						CTQ	Sélénium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80166						CTQ	Tellure (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80167						CTQ	Témazépam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80168						CTQ	Thallium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80170						CTQ	Uranium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80171						CTQ	Uranium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80172						CTQ	Vanadium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80173						CTQ	Vanadium (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80175						CTQ	Zinc (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80176						CTQ	Zinc (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80177						CTQ	Zinc protoporphyrine (ZPP) (sang)		Résultat	Supra	29,0
80180						CTQ	Amiodarone (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80181						CTQ	Arsenic inorganique (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	69,0
80183						CTQ	Chlorpromazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80185						CTQ	Créatinine urinaire		Résultat	Supra	6,0
80186						CTQ	Cyclobenzaprine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80187						CTQ	Densité urinaire (réfractomètre)		Résultat	Supra	6,0
80188						CTQ	Dépistage qualitatif de drogues et médicaments en milieu non biologique (GC-MS)		Résultat	Supra	120,0
80190						CTQ	Diphenhydramine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80191						CTQ	Drogues de rue par méthode immunoenzymatique (amphétamines, barbituriques, benzodiazépines, cannabis, cocaïne, EDDP, fentanyl, opiacés, oxycodone, phencyclidine (résultat semi-quantitatif par drogue recherchée) (urine)		Résultat	Supra	25,0
80194						CTQ	Kétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80196						CTQ	Méthotriméprazine (sérum) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80200						CTQ	pH (pH mètre)		Résultat	Supra	6,0
80201						CTQ	Procyclidine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80202						CTQ	Prométhazine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80206						CTQ	Antinéoplasiques (5-fluorouracile, cyclophosphamide, gemcitabine, ifosphamide, irinotécan, méthotrexate, paclitaxel, docetaxel et vinorelbine) (surface de travail) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	66,0
80208		C	D			CTQ	Amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80210						CTQ	Chlordiazépoxyde (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80211						CTQ	Dextrométorphan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80212						CTQ	Dextrophan (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80213		C	D			CTQ	Éphédrine/pseudoéphédrine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80214						CTQ	Éthanol (sérum/urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	51,0
80216						CTQ	Flunitrazépam (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80218		C	D			CTQ	MDA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80219		C	D			CTQ	MDEA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80220		C	D			CTQ	MDMA et MDA (sérum) (ecstasy) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80221		C	D			CTQ	Méthamphétamine et amphétamine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80224						CTQ	Midazolam (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80226						CTQ	Oxymorphone (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	87,0
80227		C	D			CTQ	PMA (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80248						CTQ	Acide muconique, acide S-Phénylmercaptopurique (S-PMA) (urine) (benzène) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80255						CTQ	Bupropion (sérum) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80256						CTQ	Cannabis (métabolite : THC Delta-9-COOH) (urine) (LC/MS/MS)		Résultat	Supra	114,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80266						CTQ	Iode (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80270						CTQ	Mirtazapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80277						CTQ	Olanzapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80284						CTQ	Quétiapine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80286						CTQ	Spéciation d'arsenic (arsénocholines + arsénobétaïnes, As +3, As +5, acide diméthylarsinique, acide monométhylarsonique, arsenic inorganique) (UPLC-ICP-MS)		Résultat	Supra	171,0
80287						CTQ	Tellure (sang) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80288						CTQ	6-acétylmorphine (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80289		C	D			CTQ	Aluminium (sang, urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80291		C	D			CTQ	Fentanyl et norfentanyl (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80293						CTQ	Iode (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	138,0
80294						CTQ	Lévamisol qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80299						CTQ	Méthadone et EDDP (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80302						CTQ	Acide S-Benzylmercapturique (toluène) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	67,0
80304						CTQ	Composés perfluorés (PFBS, PFHxS, PFOS, PFBA, PFHxA, PFOA, PFNA, PFDA, PFUDA) (plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	72,0
80305						CTQ	Métabolites des phtalates (MMP, MEP, 2-OH-MiBP, MiBP, MnBP, MCHP, MCHpP, MBzP, MEHP, MEHHP, MEOHP, MECPP, MCPP, MOP, MiNP, MCIiNP, MCIOP, MCMHP, MHBP, MHiDP, MHiNP, MiDP, MOiDP, MOiNP) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	114,0
80307						CTQ	Hydroxy-HAPs (urine) (GC-MS-MS)		Résultat	Supra	110,0
80310						CTQ	Benzodiazépines (sérum) (LC-MS-MS) inclut 21 substances		Résultat	Supra	98,0
80312						CTQ	Duloxétine (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80317						CTQ	9-hydroxyrispéridone (Palipéridone ou Invega) (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80319						CTQ	Antinéoplasiques (cyclophosphamide, ifosphamide, alpha-fluoro-beta-alanine, méthotrexate) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	75,0
80346		C	D, VP			CTQ	Cocaïne (inclut les métabolites : benzoylecgonine et ecgonine méthylester) (quantitatif) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80347						CTQ	Métabolites des pyréthroides (cis-DCCA, trans-DCCA, cis-DBCA, 4-F-3-PBA, 3-PBA) (urine) (GC-MS)		Résultat	Supra	88,0
80350						CTQ	Alkylphosphates (DEDTP, DEP, DETP, DMDTP, DMP, DMTP) (urine) (GC-MS-MS)		Résultat	Supra	68,0
80351						CTQ	Bore (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	76,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80352						CTQ	Buprénorphine, métabolites et naloxone qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80353						CTQ	Dépistage qualitatif des xénobiotiques et métabolites (sang/sérum/plasma/urine/liquides) (LC-MS-MS) inclut 290+ substances		Résultat	Supra	81,0
80362						CTQ	Cannabinoïdes synthétiques qualitatif (urine) (LC-MS-MS) inclut 24 substances		Résultat	Supra	124,0
80363						CTQ	Escitalopram (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80365						CTQ	Hallucinogènes et psychédéliques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS), inclut LSD, LSZ, 25B,25C,25H,25I-NBOMe, dimethyltryptamine, mescaline, psilocin		Résultat	Supra	65,0
80367						CTQ	Mytragynine qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80368						CTQ	Methylphénidate et acide ritalinique qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80369						CTQ	Méthqualone qualitatif (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80371						CTQ	Nouveaux opioïdes synthétiques (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut AH-7921, desomorphine, MT-45, U-47700, U-49900, W-18		Résultat	Supra	65,0
80372						CTQ	6-acétylmorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80373						CTQ	Acétylfentanyl (qualitatif) (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80374		C	D, VP			CTQ	Buprénorphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80375						CTQ	Butorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80376						CTQ	Codéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80377						CTQ	Dextrométorphan (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80378						CTQ	Dextrophanol/lévorphanol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80379						CTQ	Dihydrocodéine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80380						CTQ	Fentanyl (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80381						CTQ	Hydrocodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80382						CTQ	Hydromorphone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80383						CTQ	Mépéridine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80384						CTQ	Méthadone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80385						CTQ	Morphine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80386						CTQ	Naloxone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80387						CTQ	Naltrexone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80388						CTQ	Oxycodone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80389						CTQ	Oxymorphone (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80390						CTQ	Pentazocine (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80391						CTQ	Propoxyphène (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80392						CTQ	Tapentadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80393						CTQ	Tramadol (sang/sérum/plasma) (LC-MS-MS) inclut 2 substances		Résultat	Supra	87,0
80394						CTQ	Spéciation mercure (méthylmercure) (GC-ICP-MS)		Résultat	Supra	88,0
80395						CTQ	Arsenic total (sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80396						CTQ	Platine (cheveux) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80397						CTQ	Thorium (cheveux/tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80398						CTQ	Tungstène (urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80399						CTQ	Vanadium (sang/sérum) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80400						CTQ	Aripiprazole (sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	87,0
80401						CTQ	Carfentanil qualitatif (sang/sérum) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80402						CTQ	Carfentanil et norcarfentanil qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80403						CTQ	Furanylfentanyl qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80404						CTQ	U-47700 qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80405						CTQ	PCP, 3-MeO-PCP et 4-MeO-PCP qualitatif (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80406						CTQ	MDPV (qualitatif) (sels de bain) (sérum/urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	65,0
80408						CTQ	Tungstène (tissus) (ICP-MS)		Résultat	Supra	80,0
80409						CTQ	Thorium (sang/urine) (ICP-MS)		Résultat	Supra	50,0
80410						CTQ	Dépistage haute sensibilité des opioïdes, fentanyl et dérivés (qualitatif) (sang/sérum/urine) (LC-MS-MS) inclut 39 substances		Résultat	Supra	81,0
80411		C	D			CTQ	Triclosan, BPA et ses analogues (BPB, BPC, BPE, BPF, BPS, BPZ, BP4,4', BPAF, BPAP, BPATM, Tétrabromobisphénol A, Tétrachlorobisphénol A, DHDPE) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	140,0
80412						CTQ	Glyphosate, glufosinate et leurs métabolites (AMPA et 3-MPPA) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	111,0
80413						CTQ	Aluminium (dialysat)		Résultat	Supra	150,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
80414						CTQ	Fluorure (sérum)		Résultat	Supra	103,0
80415						CTQ	Métabolites du benzène et du toluène (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	122,0
80416						CTQ	Cholestérol libre et phospholipides (sérum) (immunoenzymatique; analyseur Indiko Plus)		Résultat	Supra	42,0
80417						CTQ	Opioides libres (sang/sérum/plasma) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	98,0
80418						CTQ	Thyroxine (T4) libre par dialyse à l'équilibre (sérum) (UPLC-MS-MS)		Résultat	Supra	160,0
80419						CTQ	Cérium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80420						CTQ	Lanthane (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80421						CTQ	Yttrium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80422						CTQ	Praséodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80423						CTQ	Néodyme (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80424						CTQ	Gadolinium (urine) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80425						CTQ	Brome (sang) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	50,0
80426						CTQ	Cuivre et fer (biopsie) (ICP-MS-MS)		Résultat	Supra	138,0
80427						CTQ	Acide 2,4-dichlorophénoxyacétique (2,4-D) (urine) (LC-MS-MS)		Résultat	Supra	60,0
81000						LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) sur spécimen clinique à culture négative		Résultat	Supra	85,0
81001						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); identification (phénotypie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81002						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif fermentaire (entérique); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81003						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81004						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif non fermentaire (BNF); antibiogramme (microdilution en bouillon, epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81005						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); analyse des souches discordantes (TAAN)		Résultat	Supra	27,0
81006						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram négatif producteur de carbapénémase (BGNPC); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81010						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81011						LSPQ - bact.	Bâtonnet Gram positif (autre qu'anaérobie); antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81015						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i>); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81016						LSPQ - bact.	Cocci Gram positif (autre qu'anaérobie, <i>S. aureus</i> et <i>S. pneumoniae</i>); antibiogramme (dilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81017						LSPQ - bact.	Cocci Gram négatif (autre qu'anaérobie et <i>Neisseriaceae</i>); identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
81020						LSPQ - bact.	Anaérobies; identification		Résultat	Supra	17,1
81021						LSPQ - bact.	Anaérobies; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	37,0
81024						LSPQ - bact.	Identification bactérienne (ARN 16S) (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	58,0
81030						LSPQ - bact.	Campylobacter spp.; confirmation (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81031						LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) O157:H7 et O157H non mobile; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81032						LSPQ - bact.	<i>Listeria monocytogenes</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81033						LSPQ - bact.	<i>Salmonella</i> spp.; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81034						LSPQ - bact.	<i>Shigella</i> spp.; identification (sérotypage, séquençage du génome entier)		Résultat	Supra	1,0
81035						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; identification et sérogroupage (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81036						LSPQ - bact.	<i>Vibrio cholerae</i> ; antibiogramme (epsilométrie)		Résultat	Supra	1,0
81038						LSPQ - bact.	<i>Escherichia coli</i> producteur de Shiga-toxines (STEC) autre que O157; isolement, identification (TAAN, sérotypage) sur bouillon		Résultat	Supra	1,0
81040						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
81041						LSPQ - bact.	<i>Enterococcus</i> spp.; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81042						LSPQ - bact.	Entérocoque spp.; détection des gènes van A-G (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81043						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); confirmation (TAAN et ribotypage)		Résultat	Supra	1,0
81044						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0
81045						LSPQ - bact.	<i>Clostridioides difficile</i> (<i>Clostridium difficile</i>); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81050						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection mecA (SARM) (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81051						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection PVL (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81052						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; confirmation SARM-AC (typage spa)		Résultat	Supra	1,0
81053						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; détection toxine tsst-1 (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81054						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme - vancomycine seulement (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81055						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); antibiogramme - panel complet (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81056						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> (incluant SARM); investigation d'éclosion (typage, EGCP)		Rapport	Supra	1,0
81057						LSPQ - bact.	<i>Staphylococcus aureus</i> ; programme de surveillance SARM		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
81060						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pyogenes</i> ; programme de surveillance (séquençage emm)		Rapport	Supra	1,0
81063						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81064						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81065						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; sérogroupage (agglutination)		Résultat	Supra	1,0
81066						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81067						LSPQ - bact.	<i>Neisseria meningitidis</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81069						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; confirmation (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	23,0
81070						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81071		C	VP			LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; antibiogramme (dilution en agar)		Résultat	Supra	85,0
81072						LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81073						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; identification (phénotypie) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81074						LSPQ - bact.	<i>Neisseria</i> spp. autres que <i>N. gonorrhoeae</i> et <i>N. meningitidis</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81076		N				LSPQ - bact.	<i>Neisseria gonorrhoeae</i> ; détection (TAAN) sur liquide biologique stérile		Résultat	Supra	1,0
81080						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
81081						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; identification (TAAN, spectrométrie de masse - MALDI-TOF, sérogroupage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81082						LSPQ - bact.	<i>Legionella</i> spp.; investigation d'éclosion sur colonie		Rapport	Supra	1,0
81086						LSPQ - bact.	<i>Bordetella pertussis</i> ; identification (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
81087						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81088						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; détermination du type capsulaire (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
81089						LSPQ - bact.	<i>Haemophilus influenzae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81090						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
81091						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; sérotypage (Quellung) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81092						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; identification (séquençage) sur colonie		Résultat	Supra	1,0
81093						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
81094						LSPQ - bact.	<i>Streptococcus pneumoniae</i> ; programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
81099						LSPQ - bact.	Investigation d'éclosion bactérienne (autre que <i>S.aureus</i> , <i>C.difficile</i> , <i>Legionella</i> , entéropathogène) (EGCP, FTIR)		Rapport	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
82001						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82002						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bacillus anthracis</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82003						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; identification (TAAN, bactériophage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82004						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82005						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82006						LSPQ - bact. spéciale	<i>Burkholderia pseudomallei</i> ; identification (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82007						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82008						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; identification (TAAN) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82009						LSPQ - bact. spéciale	<i>Francisella tularensis</i> ; détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
82010						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82011						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia pestis</i> ; identification (TAAN, IF) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
82012						LSPQ - bact. spéciale	<i>Yersinia spp.</i> ; détection (anticorps)	3	Résultat	Supra	1,0
82013						LSPQ - bact. spéciale	<i>Clostridium botulinum</i> ; isolement, identification, toxinotypie (neutralisation)	4	Résultat	Supra	1,0
82014						LSPQ - bact. spéciale	<i>Brucella spp.</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
82015						LSPQ - bact. spéciale	<i>Corynebacterium diphtheriae</i> ; recherche et production de toxine (TAAN, test d'Elek)	1	Résultat	Supra	1,0
82016		C	VP			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); confirmation (immunoblot IgG)		Résultat	Supra	43,0
82017						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); confirmation (immunoblot IgM)		Résultat	Supra	42,0
82018						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe ou en Asie); confirmation (immunoblot IgG)		Résultat	Supra	63,0
82019		C	VP			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe ou en Asie); confirmation (immunoblot IgM)		Résultat	Supra	54,0
82020		C	VP			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (maladie de Lyme acquise en Amérique du Nord); détection (ELISA IgM/IgG) sur serum	1	Résultat	Supra	7,2
82021						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection (ELISA IgG) sur liquide céphalo-rachidien (LCR)	1	Résultat	Supra	1,0
82022						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia burgdorferi</i> (Lyme); détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82023		C	VP			LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia garinii</i> et <i>Borrelia afzelii</i> (maladie de Lyme acquise en Europe); détection (ELISA IgM/IgG) sur sérum	1	Résultat	Supra	7,2
82024						LSPQ - bact. spéciale	<i>Borrelia hermsii</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
82025						LSPQ - bact. spéciale	Borrelioses récurrentes; détection genre <i>Borrelia</i> dont <i>B. hermsii</i> et <i>B. miyamotoi</i> (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82026						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira</i> spp.; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82027						LSPQ - bact. spéciale	<i>Leptospira</i> spp.; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82028						LSPQ - bact. spéciale	<i>Coxiella burnetii</i> (fièvre Q); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82029						LSPQ - bact. spéciale	<i>Bartonella</i> spp.; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82030						LSPQ - bact. spéciale	<i>Orientia tsutsugamushi</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82031						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des fièvres pourprées); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82032						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des fièvres pourprées); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82033						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82034						LSPQ - bact. spéciale	<i>Rickettsia</i> spp. (groupe des typhus); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82035						LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82036						LSPQ - bact. spéciale	<i>Anaplasma phagocytophilum</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82037						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
82038						LSPQ - bact. spéciale	<i>Ehrlichia chaffeensis</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82040						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; confirmation (anticorps) sur sérum		Résultat	Supra	1,0
82041						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (VDRL) sur LCR		Résultat	Supra	1,0
82042						LSPQ - bact. spéciale	Syphilis; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82050						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydia trachomatis</i> LGV; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	27,0
82051						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydophila pneumoniae</i> ; détection (TAAN) sur spécimen respiratoire	1	Résultat	Supra	1,0
82052						LSPQ - bact. spéciale	<i>Chlamydophila psittaci</i> ; détection (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
82059						LSPQ - bact. spéciale	<i>Haemophilus ducreyi</i> ; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
82061						LSPQ - bact. spéciale	<i>Mycoplasma genitalium</i> ; détection de résistance (TAAN) sur spécimen primaire	1	Résultat	Supra	1,0
83002						LSPQ - virologie	Adénovirus; génotypage (séquençage) sur isolats viraux	1	Résultat	Supra	1,0
83003						LSPQ - virologie	Zika, Dengue, Chikungunya; détection (TAAN)(multiplex) sur sérum, LCR, urine, liquide amniotique		Résultat	Supra	28,0
83004						LSPQ - virologie	Zika; détection (TAAN) sur placenta	1	Résultat	Supra	1,0
83005						LSPQ - virologie	Zika; détection (anticorps)		Résultat	Supra	54,0

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
83006						LSPQ - virologie	Dengue; détection (anticorps)		Résultat	Supra	42,0
83007						LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgM) sur sérum		Résultat	Supra	20,0
83008						LSPQ - virologie	Chikungunya; détection (ELISA IgG) sur sérum		Résultat	Supra	23,0
83009						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83010						LSPQ - virologie	Virus du Nil occidental (VNO); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83011						LSPQ - virologie	Sérogroupe Californie (Jamestown canyon, Snowshoe hare); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83012						LSPQ - virologie	Cache Valley; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83013						LSPQ - virologie	Powassan; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83014						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83015						LSPQ - virologie	Chorioméningite lymphocytaire (VCML); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83016						LSPQ - virologie	Encéphalite à tiques; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83017						LSPQ - virologie	Encéphalite équine de l'est; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83018						LSPQ - virologie	Encéphalite japonaise; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83019						LSPQ - virologie	Fièvre jaune; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83020						LSPQ - virologie	Hantavirus; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83030						LSPQ - virologie	Hépatite A (VHA); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0
83031						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); test supplémentaire (anti-HBc) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83032						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); confirmation (HBsAg) (antigène)		Résultat	Supra	1,0
83033						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83034						LSPQ - virologie	Hépatite B (VHB); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83035						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); confirmation (anti-VHC) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
83036	*					LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); génotypage (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83037						LSPQ - virologie	Hépatite C (VHC); résistance aux antiviraux (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
83038						LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83039						LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); charge virale (TAAN quantitatif)	1	Résultat	Supra	1,0
83040						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83041						LSPQ - virologie	Hépatite E (VHE); génotypage (séquençage)	1	Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du *Répertoire* I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
83042		N				LSPQ - virologie	Hépatite D (VHD); détection (anticorps)		Rapport	Supra	1,0
83043						LSPQ - virologie	RITA : Algorithme d'épreuves de laboratoire pour l'identification des infections récentes par le VIH		Rapport	Supra	41,0
83044						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); confirmation (anticorps et/ou antigène) sur sérum		Résultat	Supra	1,0
83045						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); détection (anticorps) sur salive		Résultat	Supra	1,0
83046						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH); détection et confirmation (antigène p24)		Résultat	Supra	1,0
83047						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH-1); ADN proviral (TAAN)		Résultat	Supra	1,0
83048						LSPQ - virologie	Virus de l'immunodéficience humaine (VIH-2); charge virale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83049						LSPQ - virologie	HTLV 1 et 2; confirmation (anticorps)	5	Résultat	Supra	1,0
83050						LSPQ - virologie	Influenza A et B; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83051						LSPQ - virologie	Influenza A; sous-typage (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	24,0
83052						LSPQ - virologie	Influenza A; caractérisation antigénique (inhibition de l'hémagglutination)		Résultat	Supra	1,0
83053						LSPQ - virologie	Influenza A aviaire (H5, H7, H9); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83054						LSPQ - virologie	Coronavirus (MERS-CoV); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83055						LSPQ - virologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	21,0
83056						LSPQ - virologie	Pathogènes respiratoires; détection multiplex 18 virus et 3 bactéries (TAAN homologué); programme de surveillance		Rapport	Supra	1,0
83058		C	D, VP			LSPQ - virologie	Coronavirus (SARS-CoV-2); confirmation (anticorps IgG) sur sérum		Rapport	Supra	25,0
83060						LSPQ - virologie	Gastroentérite d'allure virale; détection de virus entériques (TAAN) (multiplex) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83061						LSPQ - virologie	Pathogènes entériques; détection multiplex (virus, bactéries et parasites) (TAAN homologué) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	179,0
83065						LSPQ - virologie	BK/JC polyomavirus; détection (TAAN) sur LCR, biopsie	1	Résultat	Supra	1,0
83069						LSPQ - virologie	Entérovirus; détection et génotypage (sauf poliovirus) (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83070						LSPQ - virologie	Poliovirus; génotypage (séquençage) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83075						LSPQ - virologie	Herpès B; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83076						LSPQ - virologie	Virus de la varicelle et du zona (VZV): génotypage souche vaccinale (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83085						LSPQ - virologie	Rougeole; génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83086						LSPQ - virologie	Rubéole; (IgG) (mesure de l'avidité)	1	Résultat	Supra	1,0

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
83087						LSPQ - virologie	Rubéole; détection et génotypage (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
83088						LSPQ - virologie	Oreillons; détection et génotypage (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83090						LSPQ - virologie	Molluscum contagiosum; détection (TAAN) sur spécimen clinique	1	Résultat	Supra	1,0
83091						LSPQ - virologie	Rage; détection (anticorps)	1	Résultat	Supra	1,0
83092						LSPQ - virologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) : confirmation (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
83093						LSPQ - virologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) : criblage de variant à surveillance rehaussée		Résultat	Supra	1,0
83094						LSPQ - virologie	Coronavirus (SARS-CoV-2) : séquençage prioritaire		Résultat	Supra	1,0
84001						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84002						LSPQ - mycobact. - actino.	Actinomycètes aérobies; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84003						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; identification (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84004						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Nocardia</i> spp; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
84005						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; confirmation (délétion, séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84006						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; antibiogramme (concentration critique) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84007						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection résistance rifampicine (TAAN) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	76,0
84008						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; détection des gènes de résistance (séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84009						LSPQ - mycobact. - actino.	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> ; typage moléculaire (séquençage) sur culture *GR3*		Résultat	Supra	1,0
84010						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; identification (délétion, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
84011						LSPQ - mycobact. - actino.	Mycobactéries non tuberculeuses; antibiogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
86001						LSPQ - parasito.	Parasites intestinaux; identification (autres que microsporidies) (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86002						LSPQ - parasito.	<i>Cryptosporidium</i> spp.; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86003						LSPQ - parasito.	<i>Cryptosporidium</i> spp.; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
86004						LSPQ - parasito.	Microsporidies; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86005						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica / dispar</i> (amibiase); détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
86006						LSPQ - parasito.	<i>Entamoeba histolytica</i> (amibiase); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86010						LSPQ - parasito.	Vers; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86011						LSPQ - parasito.	Ectoparasites (acariens, tiques, poux, puces, punaises, larves de mouche); identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86023						LSPQ - parasito.	<i>Baylisascaris procyonis</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
86027						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86028						LSPQ - parasito.	<i>Taenia solium</i> (cysticercose); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86029						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; identification (microscopie)		Résultat	Supra	1,0
86030						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86031						LSPQ - parasito.	<i>Echinococcus granulosus</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique	6	Résultat	Supra	1,0
86032						LSPQ - parasito.	<i>Paragonimus</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86033						LSPQ - parasito.	<i>Strongyloides stercoralis</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86035						LSPQ - parasito.	<i>Gnathostoma spinigerum</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86036						LSPQ - parasito.	<i>Fasciola hepatica</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86051						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86052						LSPQ - parasito.	<i>Plasmodium</i> sp (malaria); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86054						LSPQ - parasito.	<i>Babesia microti</i> ; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86055						LSPQ - parasito.	<i>Babesia</i> spp.; détection (TAAN)	1	Résultat	Supra	1,0
86064						LSPQ - parasito.	Filaires (filarioses) : détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86069						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp. (culture)	6	Résultat	Supra	1,0
86070						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86071						LSPQ - parasito.	<i>Leishmania</i> spp.; détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86072						LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> spp; identification (microscopie) sur spécimen primaire		Résultat	Supra	1,0
86073						LSPQ - parasito.	<i>Schistosoma</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86074						LSPQ - parasito.	<i>Toxocara</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86075						LSPQ - parasito.	<i>Trichinella</i> spp.; détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86076						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86077						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma brucei</i> (trypanosomiase africaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86078						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (anticorps)	6	Résultat	Supra	1,0
86079						LSPQ - parasito.	<i>Trypanosoma cruzi</i> (trypanosomiase américaine); détection (TAAN)	6	Résultat	Supra	1,0
86080						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; confirmation (IgG-IgM) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0
86081						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; avidité (IgG) (anticorps)		Résultat	Supra	1,0

C : procédures modifiées N : procédures ajoutées * : réfère à des indications spécifiques de la partie texte du Répertoire I : ajout après évaluation

ANALYSES 2022-2023
DE BIOLOGIE MÉDICALE (ORDRE NUMÉRIQUE)

Code	Réf. texte	Modif	Type modif.	RQDM	INESSS	Sous-section	Description	Réf. code num.	Élément de compte	Hiérarchie	VP 22-23
86082						LSPQ - parasito.	<i>Toxoplasma gondii</i> ; détection (TAAN) sur spécimen clinique		Résultat	Supra	1,0
87001						LSPQ - mycologie	Levures; identification (spectrométrie de masse - MALDI-TOF, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87002						LSPQ - mycologie	Levures; antifongogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87003						LSPQ - mycologie	Levure multirésistante (<i>Candida auris</i>); confirmation (phénotypie)		Résultat	Supra	1,0
87004						LSPQ - mycologie	Levures; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87020						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; identification (microscopie, séquençage)		Résultat	Supra	1,0
87021						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; antifongogramme (microdilution en bouillon)		Résultat	Supra	1,0
87022						LSPQ - mycologie	Champignons filamenteux; investigation d'éclosion (typage)		Rapport	Supra	1,0
87030						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; détection (TAAN) sur spécimen primaire *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87031						LSPQ - mycologie	Champignons dimorphes; identification (TAAN, microscopie) sur colonie *GR3*		Résultat	Supra	1,0
87034						LSPQ - mycologie	Coccidioides immitis; détection (anticorps)		Résultat	Supra	63,0
87050						LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; détection (TAAN quantitatif)		Résultat	Supra	52,0
87051						LSPQ - mycologie	<i>Pneumocystis</i> ; investigation d'éclosion (génotypage)		Rapport	Supra	1,0
88002						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dénombrement bactérien (membrane filtrante)		Résultat	Supra	22,0
88003						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; endotoxines bactériennes (LAL Gel-Clot)		Résultat	Supra	18,8
88004						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; anions (chromatographie ionique)		Résultat	Supra	25,0
88005						LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; chlore résiduel total (titrimétrie)		Résultat	Supra	13,5
88006		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; carbone organique total (oxydation)		Résultat	Supra	31,0
88007		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; métaux (en sous-traitance)		Résultat	Supra	134,0
88008		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; pH (électrométrie)		Résultat	Supra	17,5
88009		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; conductivité (électrométrie)		Résultat	Supra	7,0
88010		C	VP			LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; silice réactive (colorimétrie)		Résultat	Supra	17,7
88011		N				LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dureté totale (en sous-traitance)		Résultat	Supra	47,0
90000						PNR	Procédures non répertoriées (PNR)			Supra	1,0
95000						PNR	Coût en \$\$ des PNR			Supra	1,0

Techniques de dosage des anticorps			
Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Agglutination passive	<ul style="list-style-type: none"> • Agglutination indirecte • Particle agglutination test • Particle latex assay (LA, PLA) • Hémagglutination • Hemagglutination assay (HA) • Flocculation • Agglutination sur lame • Slide agglutination 	Réaction d'agglutination obtenue à partir de particules inertes (ex. : latex) servant de simple support à des antigènes solubles qui y ont été artificiellement fixés. On parle d'agglutination passive inversée lorsque la méthode utilise des particules recouvertes d'anticorps servant à détecter des antigènes.	<ul style="list-style-type: none"> • Monotest • Détection antigénique du cryptocoque • Détection de l'antigène du streptocoque du groupe A • Venereal Disease Research Laboratory test (VDRL) • Rapid Plasma Reagin (RPR) • Treponema pallidum particle agglutination test (TPPA)
Agglutination en tube	<ul style="list-style-type: none"> • Microagglutination 	Des dilutions successives d'un sérum à tester sont mises en contact avec une concentration connue et constante de l'antigène ou du microorganisme correspondant. L'épreuve de microagglutination se fait dans les puits d'une microplaque.	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie <i>Brucella sp.</i> • Sérologie <i>Francisella tularensis</i> • Sérologie <i>Leptospira interrogans</i>
Épreuve d'inhibition de l'hémagglutination	<ul style="list-style-type: none"> • Hemagglutination inhibition assay (HAI) 	Certains virus possèdent des hémagglutinines à leur surface, ce qui les rend capables d'agglutiner certains types de globules rouges. Cette propriété permet d'identifier des virus retrouvés en culture à l'aide d'un antisérum correspondant et permet également de détecter dans un échantillon clinique la présence d'anticorps spécifiques à un virus.	<ul style="list-style-type: none"> • Caractérisation antigénique des souches du virus de l'influenza • Sérologie pour le virus Powassan
Immunobuvardage	<ul style="list-style-type: none"> • Buvardage de western • Western blot (WB) • Recombinant immunoblot assay (RIBA) • Line immunoassay (LIA) 	Les techniques d'immunobuvardage permettent de détecter la présence d'anticorps spécifiques dans un échantillon clinique. Si les anticorps recherchés sont présents dans le spécimen analysé, ils réagissent d'abord avec leurs antigènes cibles (recombinants ou non) qui ont été immobilisés sur une membrane par buvardage. Les anticorps peuvent ensuite être révélés par des autoanticorps couplés à un chromogène.	<ul style="list-style-type: none"> • Tests de confirmation pour différentes sérologies (ex. : VIH, hépatite C, syphilis, Lyme)
Immunoélectrophorèse	<ul style="list-style-type: none"> • Immunoélectrophorèse • Immunoélectrophorèse croisée • Électrosynérèse • Contre-immunoélectrophorèse • Counter immunoélectrophorèse 	Méthode d'électrophorèse consistant à effectuer d'abord la séparation des constituants d'un mélange antigénique en fonction de leur mobilité dans un gel soumis à un champ électrique et, dans un deuxième temps ou simultanément, à identifier ces antigènes par réaction immunologique spécifique.	<ul style="list-style-type: none"> • Détection d'anticorps anti-Aspergillus

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunofluorescence	<ul style="list-style-type: none"> • Immunofluorescence directe • Direct immunofluorescence assay (DFA) • Immunofluorescence indirecte • Indirect immunofluorescence assay (IFA) • Immuno-fluorescent Assay (IFA) • Fluorescent assay (FA) • Fluorescence immunoassay (FIA) • Fluorescent-antibody-to-membrane-antigen (FAMA) 	<p>Technique de détection immunologique dans laquelle la présence d'un antigène ou d'un anticorps est révélée dans une cellule, un tissu ou autre type d'échantillon biologique par fixation avec l'anticorps correspondant marqué avec une substance fluorescente. Il existe diverses méthodes d'immunofluorescence parmi lesquelles l'immunofluorescence directe et l'immunofluorescence indirecte, et il existe des techniques microscopiques ou automatisées. Les techniques microscopiques requièrent une bonne expertise.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie fièvre Q • Détection rapide du virus Varicella-Zoster sur spécimen clinique • Détection directe de <i>Pneumocystis jirovecii</i> sur spécimen clinique • Fluorescent treponemal antibody-absorption test (FTA-Abs)
Méthode immunoenzymatique	<ul style="list-style-type: none"> • Essai immunoenzymatique • Dosage immunoenzymatique • Enzyme immunoassay (EIA) • Enzyme-linked immunosorbent assay (ELISA) • Immunochromatographie • Lateral flow immunoassay 	<p>Épreuve de dosage immunologique qui utilise des réactifs marqués par des enzymes pour détecter les anticorps ou les antigènes. La méthode EIA la plus répandue est l'ELISA, dans laquelle des anticorps de laboratoire conjugués à une enzyme sont utilisés pour révéler les anticorps, antigènes ou haptènes recherchés dans un échantillon biologique. Différents types d'anticorps peuvent être détectés tels que des IgG ou des IgM. Les techniques peuvent être automatisées ou manuelles, et elles peuvent être qualitatives ou quantitatives</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Sérologie hépatites (anticorps comme anti-HBs et antigène comme HBs Ag) • Sérologie rubéole • Sérologie VIH (anticorps et antigène p24) • Sérologie CMV • Sérologie syphilis
Neutralisation	<ul style="list-style-type: none"> • Neutralisation de la toxine botulinique chez la souris • Séroneutralisation par réduction des plages, en anglais Plaque reduction neutralization test (PRNT) 	<p>La neutralisation représente la capacité qu'ont certains anticorps de neutraliser l'activité biologique de certains antigènes ou des microorganismes porteurs de ces derniers.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • PRNT utilisée au LNM pour la confirmation de certaines sérologies (ex. : dengue, VNO, encéphalite équine de l'Est) • Sérologie antirabique au LNM • Confirmation d'une toxine botulinique à Ottawa

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'avidité	<ul style="list-style-type: none"> • Avidity 	<p>L'avidité des IgG est liée à la maturation des sous-classes d'IgG qui, d'anticorps à faible capacité de liaison, deviennent des anticorps à forte capacité de liaison avec le temps après une première exposition à l'antigène. Par conséquent, les IgG de faible avidité sont une indication d'une infection aiguë, alors que les IgG de forte avidité sont une indication d'une infection passée ou d'une réinfection. Un test d'avidité compare les résultats dans une série de puits en présence d'un dénaturant (ex. : urée) aux résultats dans des puits sans dénaturant. Les IgG de faible avidité sont lavés par le dénaturant et sont détectés par une baisse importante de la quantité d'IgG dans les puits avec dénaturant comparativement aux puits sans dénaturant.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Avidité des IgG anti-rubéole, anti-toxoplasmose ou anti-VNO

Techniques de biologie moléculaire

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Sonde moléculaire (hybridation)	<ul style="list-style-type: none"> • Probe • Nucleic probe • Fluorescence in situ hybridization (FISH) • Colorimetric in situ hybridization (CISH) Line probe assay (LiPA) 	<p>Détection d'une séquence précise d'acides nucléiques à l'aide d'une sonde moléculaire (séquence d'acides nucléiques) complémentaire. Il existe plusieurs formats de tests (phase solide, phase liquide, ou in situ) et plusieurs méthodes de détection pour révéler l'hybridation (luminescence, colorimétrie ou fluorescence). Par exemple, les sondes peuvent être couplées à une molécule fluorescente ou à une enzyme capable de produire une couleur à partir d'un substrat.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Identification de microorganismes par sondes d'ADN (ex. : mycobactéries, streptocoque du groupe A) • Diagnostic de certaines aneuploïdies (ex. : FISH pour la trisomie 21)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Immunodétection d'hybrides (capture d'hybrides)	<ul style="list-style-type: none"> Hybrid Capture (test commercial) 	<p>Cette technique débute par l'hybridation de l'ADN ciblé par des sondes d'ARN spécifiques. Les hybrides moléculaires formés sont ensuite détectés par des anticorps spécifiques (des anticorps ciblant des molécules ADN-ARN). Ces anticorps sont couplés à une enzyme qui, en présence d'un substrat particulier, produit de la lumière. Plusieurs anticorps peuvent se lier à un même hybride moléculaire. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Détection du VPH dans un spécimen de col utérin par le test commercial Hybrid Capture
Technique de l'ADN ramifié	<ul style="list-style-type: none"> Branched DNA (bDNA) 	<p>Une fois la séquence d'acides nucléiques ciblée immobilisée sur un support solide grâce à une sonde spécifique ancrée, une cascade de sondes (dont certaines sont ramifiées) s'hybrident entre elles se terminant par de multiples sondes lumineuses. Le signal lumineux ainsi généré peut être détecté et quantifié. Contrairement aux tests d'amplification des acides nucléiques (TAAN), cette technique n'amplifie pas les acides nucléiques, mais amplifie plutôt le signal lumineux servant à la détection.</p>	<ul style="list-style-type: none"> Mesure de la charge virale (VIH, hépatite B, hépatite C) et détection de <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i> avec les troussees Versant (Siemens)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Test d'amplification d'acides nucléiques (TAAN)	<ul style="list-style-type: none"> • Amplification en chaîne par polymérase (en anglais polymerase chain reaction, PCR) • Quelques exemples de variantes de la PCR : <ul style="list-style-type: none"> – PCR en temps réel (real-time PCR, qPCR) – PCR emboîtée ou imbriquée (nested PCR) – PCR précédée d'une transcription inverse (reverse transcription PCR, RT-PCR) – PCR multiplex – PCR in situ – Methylation-specific PCR (MSP) • Exemples de méthodes d'amplification d'acides nucléiques dites « isothermes » (méthodes différentes de la PCR) : <ul style="list-style-type: none"> – Strand displacement amplification (SDA) – Transcription mediated amplification (TMA) – Nucleic acid sequence-based amplification (NASBA) – Loop-mediated amplification (LAMP) – Technologie Invader® – Ligase chain reaction (LCR) 	<p>Les tests d'amplification d'acides nucléiques sont des procédés d'amplification enzymatiques in vitro permettant de faire de multiples copies d'une courte séquence d'ADN ou d'ARN, et ce, jusqu'à ce que la quantité de copies soit détectable. La PCR utilise une enzyme appelée polymérase et comporte des cycles successifs (généralement de 20 à 40) d'amplification menant à une multiplication exponentielle du fragment d'ADN. Pour procéder à l'amplification d'une séquence d'ARN par PCR, il faut d'abord obtenir une copie d'ADN par transcription inverse. Une PCR multiplex permet d'amplifier dans la même réaction plusieurs séquences d'ADN spécifiques (ex. : PCR pour <i>Chlamydia trachomatis</i> et <i>Neisseria gonorrhoeae</i>). Avec la PCR traditionnelle, les copies d'acides nucléiques obtenues après amplification sont détectées par migration (électrophorèse) sur un gel d'agarose contenant du bromure d'éthidium (composé fluorescent) et sont ensuite révélées par exposition à des rayons ultraviolets. Dans la PCR en temps réel ainsi que la plupart des méthodes d'amplification isothermes, grâce à des fluorophores déjà présents dans le mélange réactionnel, les copies d'acides nucléiques engendrent la production de fluorescence au fur et à mesure qu'elles sont synthétisées jusqu'à l'obtention d'un seuil détectable. Les fluorophores utilisés dans les TAAN en temps réel sont souvent couplés à des sondes nucléiques spécifiques à la séquence cible. Contrairement à la PCR, les méthodes d'amplification isothermes utilisent des enzymes différentes et ne requièrent pas de cycles successifs de changement de température.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Détection de <i>C. trachomatis</i> et <i>N. gonorrhoeae</i> à partir d'écouvillonnages génitaux, anaux ou pharyngés • Détection d'influenza ou autres virus respiratoires dans les spécimens respiratoires • Détection de <i>Clostridioides difficile</i> toxigène dans les selles • Détection de <i>Mycobacterium tuberculosis</i> • Détection de VPH à partir de spécimens génitaux • Détection du virus herpes (HSV-1 et HSV-2) à partir d'écouvillonnages (peau ou muqueuses) ou dans le liquide céphalorachidien (LCR) • Détection d'entérovirus dans le LCR • Détection du <i>Staphylococcus aureus</i> résistant à la méthicilline (SARM) • Détection de l'entérocoque résistant à la vancomycine (ERV) • Mesure de charges virales (ex. : VIH, hépatite B, hépatite C, CMV, EBV, adénovirus, JC/BK)

Nom de la technique	Synonyme(s) / Terme(s) anglais / Technique(s) dérivée(s) / Acronyme(s)	Description	Exemples d'utilisation
Séquençage d'acides nucléiques	<ul style="list-style-type: none"> • DNA sequencing • Méthode Sanger • Pyroséquençage • Séquençage de 2e génération (séquençage massif en parallèle, séquençage à haut débit) • Séquençage de 3e (séquençage de molécules uniques) 	<p>Le séquençage de l'ADN est la détermination de l'ordonnement linéaire des nucléotides d'une molécule d'ADN. La méthode traditionnelle de Sanger fonctionne par terminaison des chaînes de nucléotides lors de l'amplification grâce à des nucléotides fluorescents qui bloquent l'amplification subséquente. On procède ensuite à la détection de ces chaînes par électrophorèse (de la plus courte à la plus longue) et de leur nucléotide terminal fluorescent. Le pyroséquençage consiste à copier la molécule à séquencer au fur et à mesure en ajoutant des nucléotides un à la fois. Lorsque le bon nucléotide est ajouté au mélange réactionnel, une réaction enzymatique produit de la lumière. Les séquenceurs de 2e génération amplifient de façon très importante des fragments des acides nucléiques à séquencer, et le séquençage se fait soit par pyroséquençage ou par terminaisons de chaînes répétées. Le séquençage de 3e génération permet le séquençage direct d'une seule molécule d'acides nucléiques sans avoir recours à l'amplification et peut séquencer directement de l'ARN sans conversion préalable en ADN.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Génotypage de virus (ex. : VIH, hépatite C, influenza) • Détection de mutations conférant de la résistance à des antimicrobiens (ex. : VIH, hépatite C, CMV) • Identification de microorganismes (ex. : bactéries) • Détection de mutations génétiques humaines associées à certaines maladies (ex. : fibrose kystique) • Détection de mutations génétiques humaines influençant le métabolisme de certains médicaments • Détermination du complexe majeur d'histocompatibilité
MALDI-TOF	<ul style="list-style-type: none"> • <i>Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation – Time of Flight mass spectrometry</i> (MALDI-TOF) 	<p>Un instrument de type MALDI-TOF est un spectromètre de masse couplant une source d'ionisation de type laser assistée par une matrice (MALDI, Matrix-Assisted Laser Desorption/Ionisation) et un analyseur à temps de vol (TOF, time-of-flight mass spectrometry). Sous l'influence du laser, les différentes biomolécules (protéines, peptides, sucres) sont ionisées et détachées du substrat (la matrice), et en fonction de leur charge électrique mais surtout de leur masse, chaque molécule nécessite un temps précis pour atteindre le détecteur. Lorsque la résolution est de bonne qualité, on obtient un spectre sur lequel chaque molécule génère un pic unique, et ce spectre peut être comparé à une banque de données afin d'obtenir l'identification de différentes substances ou d'un microorganisme.</p>	<ul style="list-style-type: none"> • Identification rapide de microorganismes • Plusieurs autres applications sont en développement

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
19049	H-Q imm. plaquettaire	Analyses PLT envoyées à l'externe	Retrait, doublon avec le code 19386	19386
19096	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution (séquençage)	L'analyse n'est plus disponible.	-
19413	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus A haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19414	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus B haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19415	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus C haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19416	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB1 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19417	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB3 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19418	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB4 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19419	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DRB5 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19420	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQA1 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19421	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DQB1 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19422	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPA1 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
19423	H-Q imm. leucocytaire	Génotypage HLA : Locus DPB1 haute résolution NGS, trousse B	L'analyse n'est plus disponible.	-
20679	Micro-imm-séro.	Hépatite Delta (anticorps-anti Delta) IgG ou Ac totaux	Le CHUM a cessé la production. Transfert de l'analyse au LSPQ.	83042
20782	Hémato-immunologie	IL-12 induite par interferon Gamma (sécrétion) (dosage) (ELISA)	Retrait du code	-
20783	Hémato-immunologie	IL-6 (dosage après activation des TLR 2 et 4) (ELISA)	Retrait du code	-
20785	Hémato-immunologie	TNF (dosage après activation des TLR 2 et 4) (ELISA)	Retrait du code	-
25036	D. mol. infectiologie	IL-28B (génotypage) (TAAN)	Retrait du code	-
30339	Bio-clinique	Myoglobine (sérum)	Retiré (avis de l'INESSS)	-
40163	Micro-bact.	Liquide céphalo-rachidien (LCR) (antigène bactérien) (par antigène)	Retrait du code	-
40183	Micro-bact.	Mycoplasma hominis, Ureaplasma (détection d'antigène)	Retrait du code	-
40608	Micro-imm-séro.	Borrelia burgdorferi (Maladie de Lyme) IgG ou Ac totaux	Retrait du code	-
40671	Micro-imm-séro.	Entérovirus IgG ou Ac totaux (par Ag) (neutralisation par antigène)	Le CHU Sainte-Justine ne produit plus depuis décembre 2019.	-
40774	Micro-imm-séro.	Poumon du fermier IgG ou Ac totaux (par Ag) (immunoélectrophorèse) (Thermoactinomyces vulgaris ou Micropolyspora faenia)	Retrait du code	-
41202	Micro-viro.	Adénovirus (détection rapide sur spécimen clinique) (par immunofluorescence)	Retrait du code	-
41300	Micro-viro.	Influenza (A et B) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)	Retrait du code	-
41338	Micro-viro.	Metapneumovirus humain (hMPV) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)	Retrait du code	-
41350	Micro-viro.	Parainfluenza (incluant 3 types) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)	Retrait du code	-

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
41372	Micro-viro.	Virus respiratoire syncytial (VRS) (détection rapide sur spécimen clinique) (immunofluorescence)	Retrait du code	-
55210	D. mol. maladie héréditaire	Dystrophie musculaire de Duchenne et dystrophie musculaire de Becker; (étude familiale par liaison génétique)	Retrait du code	-
55220	D. mol. maladie héréditaire	Fibrose kystique (FK); CFTR; (panel de 71 mutations)(SNG)	Retrait du code, utiliser 55221	55221
55258	D. mol. maladie héréditaire	Neuropathie sensitivomotrice héréditaire avec ou sans agénésie du corps calleux; SLC12A6 (exons 11 et 18) (séquençage)	Code retiré, conserver 55313	-
55296	D. mol. maladie héréditaire	Syndrome de Prader-Willi, syndrome d'Angelman (MS-MLPA)	Retrait du code, utilisation de la méthode du code 55298	55298
80011	CTQ	Amoxapine (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80064	CTQ	Loxapine (Loxapine®) (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80083	CTQ	Oxycodone (Percocet®) (urine) (GC-MS)	Retrait du code	-
80169	CTQ	Timolol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80174	CTQ	Vérapamil (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80184	CTQ	Codéine (Percocet®) (urine) (GC-MS)	Retrait du code	-
80193	CTQ	Hydromorphone (urine) (GC-MS)	Retrait du code	-
80197	CTQ	Morphine (urine) (GC-MS)	Retrait du code	-
80209	CTQ	Cathinone qualitatif (sérum/urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80222	CTQ	Methcathinone qualitatif (sérum/urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80223	CTQ	Métoprolol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80249	CTQ	Amlodipine (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80254	CTQ	Bisoprolol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80257	CTQ	Carvédilol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80269	CTQ	Labétalol (sérum) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80321	CTQ	Alprazolam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80322	CTQ	Bromazépam qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80323	CTQ	Chlordiazépoxide (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80324	CTQ	Clobazam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80325	CTQ	Clonazépam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80329	CTQ	Diazépam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80330	CTQ	Estazolam (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80331	CTQ	Flunitrazépam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80333	CTQ	Flurazépam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-

Code	Sous-section	Description	Modification	Correspondance nouveau code
80335	CTQ	Lorazépam (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80336	CTQ	Midazolam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80337	CTQ	Nitrazépam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80342	CTQ	Oxazépam (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80343	CTQ	Témazépam (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80344	CTQ	Triazolam (urine) (LC-MS-MS) inclut 2 substances	Retrait du code	-
80345	CTQ	Zolpidem (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80355	CTQ	Mépidine qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
80359	CTQ	Tapentadol qualitatif (urine) (LC-MS-MS)	Retrait du code	-
82049	LSPQ - bact. spéciale	Chlamydia trachomatis variant Finnois (programme de surveillance)	Retrait du code	-
88001	LSPQ - phys.-chimie	Eau de dialyse et purifiée; dénombrement bactérien (gélose incorporée)	Retrait du code	-

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
1050	C phénotype (Grand)	4140	k (Cellano) phénotype culot
1060	c phénotype (Petit)	4145	k (Cellano) phénotype culot (reprise)
1070	CDE Phénotype	4180	Lea phénotype culot
1170	E phénotype (Grand)	4185	Lea phénotype culot (reprise)
1180	e phénotype (Petit)	4190	Leb phénotype culot
1290	Fya phénotype	4195	Leb phénotype culot (reprise)
1300	Fyb phénotype	4220	M phénotype culot
1430	Jka phénotype	4225	M phénotype culot (reprise)
1440	Jkb phénotype	4230	N phénotype culot
1460	K (Kell) phénotype	4235	N phénotype culot (reprise)
1470	k (Cellano) phénotype	4240	P1 phénotype culot
1490	Lea phénotype	4245	P1 phénotype culot (reprise)
1500	Leb phénotype	4250	S phénotype (Grand) culot
1510	Lectine A1	4255	S phénotype (Grand) culot (reprise)
1520	Lectine H	4260	s phénotype (Petit) culot
1540	M phénotype	4265	s phénotype (Petit) culot (reprise)
1550	N phénotype	15092	l phénotype
1560	P1 phénotype	20005	A1 phénotype segment 1
1670	S phénotype	20010	C phénotype (Grand) segment 1
1680	s phénotype	20015	c phénotype (Petit) segment 1
4000	A1 Phénotype culot	20020	E phénotype (Grand) segment 1
4005	A1 Phénotype culot (reprise)	20025	e phénotype (Petit) segment 1
4010	C phénotype (Grand) culot	20030	Fya phénotype segment 1
4015	C phénotype (Grand) culot (reprise)	20035	Fyb phénotype segment 1
4020	c phénotype (Petit) culot	20040	Jka phénotype segment 1

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
4025	c phénotype (Petit) culot (reprise)	20045	Jkb phénotype segment 1
4030	CDE phénotype culot	20060	K (Kell) phénotype segment 1
4035	CDE Phénotype culot (reprise)	20065	k (Cellano) phénotype segment 1
4050	E phénotype (Grand) culot	20080	Lea phénotype segment 1
4055	E phénotype (Grand) culot (reprise)	20085	Leb phénotype segment 1
4060	e phénotype (Petit) culot	20100	M phénotype segment 1
4065	e phénotype (Petit) culot (reprise)	20105	N phénotype segment 1
4070	Fya phénotype culot	20110	P1 phénotype segment 1
4075	Fya phénotype culot (reprise)	20115	S phénotype segment 1
4080	Fyb phénotype culot	20120	s phénotype segment 1
4085	Fyb phénotype culot (reprise)	30005	A1 phénotype segment 2
4090	Jka phénotype culot	30010	C phénotype (Grand) segment 2
4095	Jka phénotype culot (reprise)	30015	c phénotype (Petit) segment 2
4100	Jkb phénotype culot	30020	E phénotype (Grand) segment 2
4105	Jkb phénotype culot (reprise)	30025	e phénotype (Petit) segment 2
4130	K (Kell) phénotype culot	30030	Fya phénotype segment 2
4135	K (Kell) phénotype culot (reprise)	30035	Fyb phénotype segment 2
30045	Jkb phénotype segment 2	30040	Jka phénotype segment 2
30060	K (Kell) phénotype segment 2	50025	e phénotype (Petit) segment 4
30065	k (Cellano) phénotype segment 2	50030	Fya phénotype segment 4
30080	Lea phénotype segment 2	50035	Fyb phénotype segment 4
30085	Leb phénotype segment 2	50040	Jka phénotype segment 4
30100	M phénotype segment 2	50045	Jkb phénotype segment 4
30105	N phénotype segment 2	50060	K (Kell) phénotype segment 4
30110	P1 phénotype segment 2	50065	k (Cellano) phénotype segment 4

Tableau 1 – Liste des phénotypes communs (code 10136)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
30115	S phénotype segment 2	50080	Lea phénotype segment 4
30120	s phénotype segment 2	50085	Leb phénotype segment 4
40005	A1 phénotype segment 3	50100	M phénotype segment 4
40010	C phénotype (Grand) segment 3	50105	N phénotype segment 4
40015	c phénotype (Petit) segment 3	50110	P1 phénotype segment 4
40020	E phénotype (Grand) segment 3	50115	S phénotype segment 4
40025	e phénotype (Petit) segment 3	60005	A1 phénotype segment 5
40030	Fya phénotype segment 3	60010	C phénotype (Grand) segment 5
40035	Fyb phénotype segment 3	60015	c phénotype (Petit) segment 5
40040	Jka phénotype segment 3	60020	E phénotype (Grand) segment 5
40045	Jkb phénotype segment 3	60025	e phénotype (Petit) segment 5
40060	K (Kell) phénotype segment 3	60030	Fya phénotype segment 5
40065	k (Cellano) phénotype segment 3	60035	Fyb phénotype segment 5
40080	Lea phénotype segment 3	60040	Jka phénotype segment 5
40085	Leb phénotype segment 3	60045	Jkb phénotype segment 5
40100	M phénotype segment 3	60060	K (Kell) phénotype segment 5
40105	N phénotype segment 3	60065	k (Cellano) phénotype segment 5
40110	P1 phénotype segment 3	60080	Lea phénotype segment 5
40115	S phénotype segment 3	60085	Leb phénotype segment 5
40120	s phénotype segment 3	60100	M phénotype segment 5
50005	A1 phénotype segment 4	60105	N phénotype segment 5
50010	C phénotype (Grand) segment 4	60110	P1 phénotype segment 5
50015	c phénotype (Petit) segment 4	60115	S phénotype segment 5
50020	E phénotype (Grand) segment 4	60120	s phénotype segment 5
50120	s phénotype segment 4		

Tableau 2 – Liste des phénotypes rares (code 10137)

Code TL	Libellé	Code TL	Libellé
1150	Cw phénotype	15088	Cob phénotype
1475	K11 Phénotype	20070	Kpa phénotype segment 1
1480	Kpa Phénotype	20075	Kpb phénotype segment 1
1485	Kpb Phénotype	20090	Lua phénotype segment 1
1530	Lua phénotype	20095	Lub phénotype segment 1
1535	Lub phénotype	30070	Kpa phénotype segment 2
1830	Wright phénotype	30075	Kpb phénotype segment 2
4040	Cw phénotype culot	30090	Lua phénotype segment 2
4045	Cw phénotype culot (reprise)	30095	Lub phénotype segment 2
4150	K11 Phénotype culot	40070	Kpa phénotype segment 3
4155	K11 Phénotype culot (reprise)	40075	Kpb phénotype segment 3
4160	Kpa phénotype culot	40090	Lua phénotype segment 3
4165	Kpa phénotype culot (reprise)	40095	Lub phénotype segment 3
4170	Kpb phénotype culot	50070	Kpa phénotype segment 4
4175	Kpb phénotype culot (reprise)	50075	Kpb phénotype segment 4
4200	Lua phénotype culot	50090	Lua phénotype segment 4
4205	Lua phénotype culot (reprise)	50095	Lub phénotype segment 4
4210	Lub phénotype culot	60070	Kpa phénotype segment 5
4215	Lub phénotype culot (reprise)	60075	Kpb phénotype segment 5
4280	Wright phénotype culot	60090	Lua phénotype segment 5
4285	Wright phénotype culot (reprise)	60095	Lub phénotype segment 5
15078	Dia phénotype		

Tableau 3 – Liste des phénotypes par méthode automatisée (code 10134)

Code	Libellé	Code	Libellé
829	Rh/Kell Automatisé	1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés
833	Rh Kell Automatisé #2	1685	S s phénotypes automatisés
1051	C phénotype (Grand) Automatisé	4037	CcEe phénotype culot automatisé
1061	c phénotype (Petit) Automatisé	4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1072	CcEe phénotype automatisé	4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot
1171	E phénotype (Grand) Automatisé	4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot
1181	e phénotype (Petit) Automatisé	4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot
1301	Fya Fyb phénotype automatisé	4237	M N phénotypes automatisés culot
1445	Jka Jkb phénotype automatisé	4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot
1461	K (Kell) phénotype Automatisé	4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot
1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	4267	S s phénotypes automatisés culot
1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés	5085	Rh/Kell Automatisé pour culot
1537	Lua Lub phénotypes automatisés	5087	Rh Kell Automatisé pour culot #2
1555	M N phénotypes automatisés		

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10000	Agglutinines froides (dépistage) (qualitatif) (autocontrôles inclus*)	1160	Dépistage aggl. froides	Inclut le code 1164, mais il ne doit pas être calculé en plus.
		1161	Dépist. agg. froides cordon	
		1162	Dépist. ISO. agg. froides	
		1163	Dépistage agglutinines froides OI	
		1330	Identification d'agglutinines froides	
10001	Agglutinines froides (titrage par amplitude thermique) autocontrôles inclus	1691	Titrage agg. froides cell.OI à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
		1692	Titrage agg. froides cell.OI à 22 °C	
		1693	Titrage agg. froides cell.OI à 4 °C	
		1694	Titrage agg. froides cell.OI à 30 °C	
		1711	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 37 °C	Élément de compte « par rapport » : compter un seul des quatre codes.
		1712	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 22 °C	
		1713	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 4 °C	
		1714	Titrage agg. froides cell.OI (petit) à 30 °C	
10002	Agglutinines froides (titrage) (quantitatif) autocontrôles inclus	1690	Titrage agg. froides cell.OI	Inclut le code 1730, mais il ne doit pas être calculé en plus.
		1710	Titrage agg. froides cell.OI (petit)	
		1731	Titrage agg. Froide ISO	
		1732	Titrage agg. Froide ISO #2	
		4081	Adsorption #2	
		4084	Adsorption #3	
		4085	Adsorption #4	
		1090	Allo-Absorption Anti-HLA sur HPC	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10007	Ac irréguliers (identification manuelle)	1082	Identification d'anticorps sur sérum absorbé	
		1340	Identification d'anticorps	
		12000	Panel supplémentaire #1	
		12001	Panel supplémentaire #2	
		12002	Panel supplémentaire #3	
		12003	Panel supplémentaire #4	
		12004	Panel supplémentaire #5	
10008	Allo ou auto adsorption à chaud	1086	Adsorption à chaud #1	
		1087	Adsorption à chaud #2	
		1088	Adsorption à chaud #3	
		1089	Adsorption à chaud #4	
10009	Allo ou auto adsorption à froid	1091	Adsorption à froid #1	
		1092	Adsorption à froid #2	
		1093	Adsorption à froid #3	
		1094	Adsorption à froid #4	
10020	Cellules fœtales (agglutination) (qualitatif) (Kleihauer)	1310	HB foetale (dépistage)	
10021	Cellules fœtales (quantitatif) (Kleihauer)	1320	HB foetale (Kleihauer)	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10024	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	1110	Compatibilité post-distribution #1	<p>Attention à la distinction entre les codes d'analyses et les ajouts techniques.</p> <p>Attention : les codes 5010, 5020, 5030, 5040, 5060 et 5070 ne peuvent être ajoutés qu'une seule fois par rapport, donc si plus d'un culot est comptabilisé, les calculs devront être faits manuellement.</p>
		1111	Compatibilité post-distribution #2	
		1112	Compatibilité post-distribution #3	
		1113	Compatibilité post-distribution #4	
		1114	Compatibilité post-distribution #5	
		1115	Compatibilité post-distribution #6	
		1116	Compatibilité post-distribution #7	
		1117	Compatibilité post-distribution #8	
		1118	Compatibilité post-distribution #9	
		1119	Compatibilité post-distribution #10	
		1120	Compatibilité post-distribution #11	
		1121	Compatibilité post-distribution #12	
		1122	Compatibilité post-distribution #13	
		1123	Compatibilité post-distribution #14	
		1124	Compatibilité post-distribution #15	
		5000	Compatibilité	
		5010	Compatibilité centrifugation immédiate	
5020	Compatibilité albumine			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10024 (suite)	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	5030	Compatibilité Liss	
		5040	Compatibilité en PEG	
		5050	Compatibilité en GEL	
		5060	Compatibilité donneur vs bébé	
		5070	Compatibilité donneur vs mère	
		5080	Compatibilité automatisée	
		5081	Compatibilité post-distribution automatisée	
		6201	Compatibilité pré-transfusionnel #1	
		6202	Compatibilité pré-transfusionnel #2	
		6203	Compatibilité pré-transfusionnel #3	
		6204	Compatibilité pré-transfusionnel #4	
		6205	Compatibilité pré-transfusionnel #5	
		6501	Compatibilité post-transfusionnel #1	
		6502	Compatibilité post-transfusionnel #2	
		6503	Compatibilité post-transfusionnel #3	
		6504	Compatibilité post-transfusionnel #4	
		6505	Compatibilité post-transfusionnel #5	
		20150	Compatibilité sur segment 1	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10024 (suite)	Compatibilité (manuelle ou automatisée)	30150	Compatibilité sur segment 2	
		40150	Compatibilité sur segment 3	
		50150	Compatibilité sur segment 4	
		60150	Compatibilité sur segment 5	
10032 10034	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	880	Coombs direct polyvalent	
		881	Coombs direct polyvalent 22 °C	
		882	Coombs direct à 22 °C en Salin	
		883	Coombs direct à 22 °C en Sérum AB	
		884	Coombs direct à 22 °C en Salin Plasma	
		885	Coombs direct polyvalent 37	
		886	Coombs direct à 37 °C en Salin	
		887	Coombs direct à 37 °C en Sérum AB	
		899	Coombs direct gel BB	
		900	Coombs direct polyvalent BB	
		901	Coombs direct en IgG gel BB	
		902	Coombs direct polyvalent BB plasma	
		903	Coombs direct polyvalent plasma	
904	Coombs direct polyvalent en gel plasma			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	905	Coombs direct IgG en gel sur plasma	
		920	Coombs direct C3	
		921	Coombs direct C3 Plasma	
		922	Coombs direct C3 Gel	
		925	Coombs direct à 37 °C en C3	
		940	Coombs direct IgG	
		941	Coombs direct IgG BB	
		942	Coombs direct IgG plasma	
		943	Coombs direct IgG BB plasma	
		944	Coombs direct à 22 °C en Salin BB plasma	
		945	Coombs direct à 37 °C en IgG	
		950	Coombs direct IgG gel	
		951	Coombs direct à 22 °C en Salin BB	
		952	Coombs direct polyvalent 37 BB	
		953	Coombs direct C3 BB	
		954	Coombs direct C3 BB plasma	
		960	Coombs direct Gel	
		964	Coombs direct polyspécifique en gel	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034))(manuelle)	1625	Coombs direct sur le culot	
		1860	Coombs direct sur le culot #2	
		1861	Coombs direct sur le culot #3	
		1862	Coombs direct sur le culot #4	
		1863	Coombs direct sur le culot #5	
		1864	Coombs direct sur le culot #6	
		1865	Coombs direct sur le culot #7	
		1866	Coombs direct sur le culot #8	
		1867	Coombs direct sur le culot #9	
		1868	Coombs direct sur le culot #10	
		6080	Coombs direct pré-transfusionnel	
		6082	Coombs direct IgG pré-transfusionnel	
		6084	Coombs direct C3 pré-transfusionnel	
		6380	Coombs direct post-transfusionnel	
		6382	Coombs direct IgG post-transfusionnel	
		6384	Coombs direct C3 post-transfusionnel	
		20160	Coombs direct sur segment 1	
30160	Coombs direct sur segment 2			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10032 10034 (suite)	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (technique en tube (10032) ou technique en gel (10034)) (manuelle)	40160	Coombs direct sur segment 3	
		50160	Coombs direct sur segment 4	
		60160	Coombs direct sur segment 5	
10028	Coombs direct polyspécifique ou monospécifique (automatisé)	923	Coombs direct C3 automatisé	
		961	Coombs direct polyspécifique automatisé	
		963	Coombs direct IgG automatisé	
		965	Coombs direct IgG automatisé #2	
10040	Différentiation IgG-IgM (dithiothréitol-DTT)	1095	Différenciation IgG-IgM (DTT)	
10044	Donath Landsteiner	1165	Donath Landsteiner	
10060	Élution (identification sur éluat incluse)	1195	Elution	
		1200	Élution 56 °C	
		1270	Elution GEL	
10070	Fragilité osmotique	1325	Fragilité osmotique	
10085	Groupe sanguin ABO-Rh (automatisé)	806	ABO automatisé	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus.
		827	ABOBB automatisé	
10086	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	800	ABO groupe	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus. Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
		801	ABO groupe plasma	
		802	ABO BB groupe plasma	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10086 (suite)	Groupe sanguin ABO-Rh (manuel)	803	ABO gel	Inclut les codes pour les analyses Rh; ils ne doivent pas être calculés en plus. Les codes indiqués en bleu sont utilisés pour les automates par le CHUM et comptés dans la VP du code 10085.
		824	ABO BB groupe	
		1020	ABO BB groupe confirmation	
		1030	ABO confirmation receveur #2	
		1031	ABO confirmation receveur #3	
		1032	ABO confirmation receveur #4	
		1033	ABO confirmation receveur #5	
		1034	ABO confirmation receveur #6	
		1036	ABO confirmation receveur #7	
		1037	ABO confirmation receveur #8	
		1038	ABO confirmation receveur #9	
		1039	ABO confirmation receveur #10	
		1660	ABO maternel	
		1805	Tube surplus	
1806	Tube surplus (2)			
6020	ABO groupe pré-transfusionnel			
6320	ABO groupe post-transfusionnel			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10111	Anticorps irréguliers (identification automatisée)	1004	Identification d'anticorps automatisée	
		12005	Panel automatisé supplémentaire #1	
		12006	Panel automatisé supplémentaire #2	
		12007	Panel automatisé supplémentaire #3	
		12008	Panel automatisé supplémentaire #4	
		12009	Panel automatisé supplémentaire #5	
10134	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	829	Rh/Kell automatisé	
		833	Rh Kell automatisé #2	
		1051	C phénotype (grand) automatisé	
		1061	c phénotype (petit) automatisé	
		1072	CcEe phénotype automatisé	
		1171	E phénotype (grand) automatisé	
		1181	e phénotype (petit) automatisé	
		1301	Fya Fyb phénotype automatisé	
		1445	Jka Jkb phénotype automatisé	
		1461	K (Kell) phénotype automatisé	
		1472	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés	
1505	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10134 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun ou rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (automatisé)	1537	Lua Lub phénotypes automatisés	
		1555	M N phénotypes automatisés	
		1557	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés	
		1685	S s phénotypes automatisés	
		4037	CcEe phénotype culot automatisé	
		4087	Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
		4107	Jka Jkb phénotypes automatisés culot	
		4147	k Jka Jkb Kpa Kpb phénotypes automatisés culot	
		4217	Lua Lub phénotypes automatisés culot	
		4237	M N phénotypes automatisés culot	
		4238	M N S s Fya Fyb phénotypes automatisés culot	
		4247	P1 Lea Leb Lua Lub phénotypes automatisés culot	
		4267	S s phénotypes automatisés culot	
5085	Rh/Kell automatisé pour culot			
5087	Rh/Kell automatisé pour culot #2			
10136	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1050	C phénotype (grand)	
		1060	c phénotype (petit)	
		1070	CDE Phénotype	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	1170	E phénotype (grand)	
		1180	e phénotype (petit)	
		1290	Fya phénotype	
		1300	Fyb phénotype	
		1430	Jka phénotype	
		1440	Jkb phénotype	
		1460	K (Kell) phénotype	
		1470	k (Cellano) phénotype	
		1490	Lea phénotype	
		1500	Leb phénotype	
		1510	Lectine A1	
		1520	Lectine H	
		1540	M phénotype	
		1550	N phénotype	
		1560	P1 phénotype	
	1670	S phénotype		
	1680	s phénotype		
	4000	A1 Phénotype culot		

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4005	A1 Phénotype culot (confirmation)	
		4010	C phénotype (grand) culot	
		4015	C phénotype (grand) culot (confirmation)	
		4020	c phénotype (petit) culot	
		4025	c phénotype (petit) culot (confirmation)	
		4030	CDE phénotype culot	
		4035	CDE Phénotype culot (confirmation)	
		4050	E phénotype (grand) culot	
		4055	E phénotype (grand) culot (confirmation)	
		4060	e phénotype (petit) culot	
		4065	e phénotype (petit) culot (confirmation)	
		4070	Fya phénotype culot	
		4075	Fya phénotype culot (confirmation)	
		4080	Fyb phénotype culot	
		4085	Fyb phénotype culot (confirmation)	
		4090	Jka phénotype culot	
4095	Jka phénotype culot (confirmation)			
4100	Jkb phénotype culot			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4105	Jkb phénotype culot (confirmation)	
		4130	K (Kell) phénotype culot	
		4135	K (Kell) phénotype culot (confirmation)	
		4140	k (Cellano) phénotype culot	
		4145	k (Cellano) phénotype culot (confirmation)	
		4180	Lea phénotype culot	
		4185	Lea phénotype culot (confirmation)	
		4190	Leb phénotype culot	
		4195	Leb phénotype culot (confirmation)	
		4220	M phénotype culot	
		4225	M phénotype culot (confirmation)	
		4230	N phénotype culot	
		4235	N phénotype culot (confirmation)	
		4240	P1 phénotype culot	
		4245	P1 phénotype culot (confirmation)	
		4250	S phénotype (grand) culot	
4255	S phénotype (grand) culot (confirmation)			
4260	s phénotype (petit) culot			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	4265	s phénotype (petit) culot (confirmation)	
		15092	l phénotype	
		20005	A1 phénotype segment 1	
		20010	C phénotype (grand) segment1	
		20015	c phénotype (petit) segment 1	
		20020	E phénotype (grand) segment 1	
		20025	e phénotype (petit) segment 1	
		20030	Fya phénotype segment 1	
		20035	Fyb phénotype segment 1	
		20040	Jka phénotype segment 1	
		20045	Jkb phénotype segment 1	
		20060	K (Kell) phénotype segment 1	
		20065	k (Cellano) phénotype segment 1	
		20080	Lea phénotype segment 1	
		20085	Leb phénotype segment 1	
20100	M phénotype segment 1			
20105	N phénotype segment 1			
20110	P1 phénotype segment 1			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	20115	S phénotype segment 1	
		20120	s phénotype segment 1	
		30005	A1 phénotype segment 2	
		30010	C phénotype (grand) segment 2	
		30015	c phénotype (petit) segment 2	
		30020	E phénotype (grand) segment 2	
		30025	e phénotype (petit) segment 2	
		30030	Fya phénotype segment 2	
		30035	Fyb phénotype segment 2	
		30040	Jka phénotype segment 2	
		30045	Jkb phénotype segment 2	
		30060	K (Kell) phénotype segment 2	
		30065	k (Cellano) phénotype segment 2	
		30080	Lea phénotype segment 2	
		30085	Leb phénotype segment 2	
		30100	M phénotype segment 2	
30105	N phénotype segment 2			
30110	P1 phénotype segment 2			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	30115	S phénotype segment 2	
		30120	s phénotype segment 2	
		40005	A1 phénotype segment 3	
		40010	C phénotype (grand) segment 3	
		40015	c phénotype (petit) segment 3	
		40020	E phénotype (grand) segment 3	
		40025	e phénotype (petit) segment 3	
		40030	Fya phénotype segment 3	
		40035	Fyb phénotype segment 3	
		40040	Jka phénotype segment 3	
		40045	Jkb phénotype segment 3	
		40060	K (Kell) phénotype segment 3	
		40065	k (Cellano) phénotype segment 3	
		40080	Lea phénotype segment 3	
		40085	Leb phénotype segment 3	
		40100	M phénotype segment 3	
40105	N phénotype segment 3			
40110	P1 phénotype segment 3			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	40115	S phénotype segment 3	
		40120	s phénotype segment 3	
		50005	A1 phénotype segment 4	
		50010	C phénotype (grand) segment 4	
		50015	c phénotype (petit) segment 4	
		50020	E phénotype (grand) segment 4	
		50025	e phénotype (petit) segment 4	
		50030	Fya phénotype segment 4	
		50035	Fyb phénotype segment 4	
		50040	Jka phénotype segment 4	
		50045	Jkb phénotype segment 4	
		50060	K (Kell) phénotype segment 4	
		50065	k (Cellano) phénotype segment 4	
		50080	Lea phénotype segment 4	
		50085	Leb phénotype segment 4	
50100	M phénotype segment 4			
50105	N phénotype segment 4			
50110	P1 phénotype segment 4			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	50115	S phénotype segment 4	
		50120	s phénotype segment 4	
		60005	A1 phénotype segment 5	
		60010	C phénotype (grand) segment 5	
		60015	c phénotype (petit) segment 5	
		60020	E phénotype (grand) segment 5	
		60025	e phénotype (petit) segment 5	
		60030	Fya phénotype segment 5	
		60035	Fyb phénotype segment 5	
		60040	Jka phénotype segment 5	
		60045	Jkb phénotype segment 5	
		60060	K (Kell) phénotype segment 5	
		60065	k (Cellano) phénotype segment 5	
		60080	Lea phénotype segment 5	
		60085	Leb phénotype segment 5	
		60100	M phénotype segment 5	
60105	N phénotype segment 5			
60110	P1 phénotype segment 5			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10136 (suite)	Phénotype érythrocytaire commun (patient ou produit / par antigène / excluant ABO, D et incluant contrôles) (manuel)	60115	S phénotype segment 5	
		60120	s phénotype segment 5	
10137	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	1150	Cw phénotype	
		1475	K11 Phénotype	
		1480	Kpa Phénotype	
		1485	Kpb Phénotype	
		1530	Lua phénotype	
		1535	Lub phénotype	
		1830	Wright phénotype	
		4040	Cw phénotype culot	
		4045	Cw phénotype culot (confirmation)	
		4150	K11 Phénotype culot	
		4155	K11 Phénotype culot (confirmation)	
		4160	Kpa phénotype culot	
		4165	Kpa phénotype culot (confirmation)	
		4170	Kpb phénotype culot	
4175	Kpb phénotype culot (confirmation)			
4200	Lua phénotype culot			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	4205	Lua phénotype culot (confirmation)	
		4210	Lub phénotype culot	
		4215	Lub phénotype culot (confirmation)	
		4280	Wright phénotype culot	
		4285	Wright phénotype culot (confirmation)	
		15078	Dia phénotype	
		15088	Cob phénotype	
		20070	Kpa phénotype segment 1	
		20075	Kpb phénotype segment 1	
		20090	Lua phénotype segment 1	
		20095	Lub phénotype segment 1	
		30070	Kpa phénotype segment 2	
		30075	Kpb phénotype segment 2	
		30090	Lua phénotype segment 2	
		30095	Lub phénotype segment 2	
		40070	Kpa phénotype segment 3	
		40075	Kpb phénotype segment 3	
40090	Lua phénotype segment 3			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10137 (suite)	Phénotype érythrocytaire rare (patient ou produit / par antigène / incluant contrôles) (manuel)	40095	Lub phénotype segment 3	
		50070	Kpa phénotype segment 4	
		50075	Kpb phénotype segment 4	
		50090	Lua phénotype segment 4	
		50095	Lub phénotype segment 4	
		60070	Kpa phénotype segment 5	
		60075	Kpb phénotype segment 5	
		60090	Lua phénotype segment 5	
		60095	Lub phénotype segment 5	
10150	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	805	Cellules A1 37 °C	
		847	Recherche d'anticorps Salin plasma	
		848	Recherche d'anticorps Salin BB	
		850	Recherche d'anticorps Contrôle	
		851	Recherche d'anticorps en PEG plasma	
		852	Recherche d'anticorps en LISS plasma	
		853	Recherche d'anticorps en LISS BB	
		854	Recherche d'anticorps en GEL plasma	
		855	Recherche d'anticorps en GEL BB	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	856	Recherche d'anticorps en GEL BB plasma	
		858	Recherche d'anticorps Salin Coombs	
		859	Recherche d'anticorps immediate spin 2	
		861	Recherche d'anticorps en SALIN	
		862	Recherche d'anticorps en ALBUMINEUX	
		863	Recherche d'anticorps en ALBUMINE ANTIGLOBULINE	
		864	Recherche d'anticorps en LISS	
		865	Recherche d'anticorps en PEG	
		866	Recherche d'anticorps en GEL	
		867	RECHERCHE D'ANTICORPS IMMEDIATE SPIN	
		868	Recherche d'anticorps en phase solide	
		869	Recherche d'anticorps avec ANTI-GLOBULINE	
		870	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN GEL	
		871	Recherche d'anticorps avec ENZYME EN TUBE	
		872	RAI préchauffage Salin Coombs	
		873	Recherche d'anticorps ANTIGLOBULINE LISS	
875	Recherche d'anticorps avec ENZYME ANTIGLOBULINE			
876	Recherche d'anticorps Préchauffage ANTIGLOBULINE			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10150 (suite)	Anticorps irréguliers (recherche manuelle)	877	Recherche d'anticorps Préchauffage LISS	
		878	Recherche d'Anticorps dilution 1:3	
		879	Recherche d'Anticorps dilution 1:5	
		1570	Rech. d'anti-A IgG	
		1580	Rech. d'anti-B IgG	
		1581	Rech. d'anti-A IgG Gel	
		1582	Rech. d'anti-B IgG Gel	
		1664	RAI maternel	
		5090	Recherche d'anticorps en gel sur produit	
		6060	Recherche d'anticorps pré-transfusionnel	
6360	Recherche d'anticorps post-transfusionnel			
10151	Recherche d'hémoglobinurie paroxystique nocturne (PNH)	Aucun code		
10153	Anticorps irréguliers (recherche automatisée)	846	Recherche d'anticorps automatisée	
		857	Recherche d'anticorps automatisée #2	
		874	Recherche d'anticorps en phase solide automatisée	
10170	Titration anticorps (par anticorps) (incluant le titrage sur le sérum antérieur)	1770	Titration nouveau spécimen	
		1771	Titration nouveau (anticorps 2)	
		1772	Titration nouveau (anticorps 3)	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10170 (suite)	Titration anticorps (par anticorps) (incluant le titrage sur le sérum antérieur)	1773	Titration nouvelle (anticorps 4)	
		1774	Titration nouvelle (anticorps 5)	
		1780	Titration TEFA #1	
		1781	Titration TEFA #2	
		1790	Titration	
		1791	Titration (anticorps 2)	
		1792	Titration (anticorps 3)	
		1793	Titration (anticorps 4)	
		1794	Titration (anticorps 5)	
		1795	Titration isohémaggl.Cell A1	
		1796	Titration isohémaggl.Cell A1 Coombs	
		1797	Titration isohémaggl.Cell A2	
		1798	Titration isohémaggl.Cell A2 Coombs	
		1799	Titration isohémaggl.Cell B	
		1800	Titration isohémaggl.Cell B Coombs	
		1951	Titration isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-A	
		1952	Titration isohémagglutinine dans plaquettes 1/50 Anti-B	

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10173	Traitement cellules (méthode EGA KIT)	4500	Traitement cellules (Phénotype) #1	
		4502	Traitement cellules (Phénotype) #2	
10174	Traitement enzymatique (Ex : ficine) pour identification d'anticorps	4510	Traitement enzymatique identification d'anticorps	
10510	Réception et manipulation d'un échantillon non analysé pour entreposage (à l'usage exclusif de la banque de sang)	200	Spécimen congelé	
		1810	Tube reçu	
10512	Étude de don antérieur (par cas) (fait par technologiste)	750	Étude de don antérieur	
10513	Étude de réaction transfusionnelle (fait par technologiste)	700	Réaction transfusionnelle post	
10730	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1620	Retypage ABO globulaire	
		1630	Retypage ABO plasmatique	
		1850	Retypage ABO globulaire #2	
		1851	Retypage ABO globulaire #3	
		1852	Retypage ABO globulaire #4	
		1853	Retypage ABO globulaire #5	
		1854	Retypage ABO globulaire #6	
		1855	Retypage ABO globulaire #7	
		1856	Retypage ABO globulaire #8	
		1857	Retypage ABO globulaire #9	
1858	Retypage ABO globulaire #10			

Tableau 4 – Correspondance entre les codes du *Répertoire* et les codes Trace Line

Code	Libellé	Code TL	Libellé	Précision
10730 (suite)	Confirmation du groupe sanguin (culots globulaire)	1870	Retypage ABO plasmatique #2	
		1871	Retypage ABO plasmatique #3	
		1872	Retypage ABO plasmatique #4	
		1873	Retypage ABO plasmatique #5	
		1874	Retypage ABO plasmatique #6	
		1875	Retypage ABO plasmatique #7	
		1876	Retypage ABO plasmatique #8	
		1877	Retypage ABO plasmatique #9	
		1878	Retypage ABO plasmatique #10	
		20001	ABO groupe sur segment 1	
		30001	ABO groupe sur segment 2	
		40001	ABO groupe sur segment 3	
		50001	ABO groupe sur segment 4	
60001	ABO groupe sur segment 5			
70002	Envoi intergroupes (vers un laboratoire d'un autre établissement)	1280	Envoi inter-établissement	Décompte manuel des échantillons requis
70003	Envoi intragroupe (entre les laboratoires d'un même établissement)	1283	Envoi interinstallations	Décompte manuel des échantillons requis
70006	Envoi hors Québec (par établissement) (excluant frais postaux)	1282	Envoi hors Québec	

**CALENDRIER DE TRANSMISSION DES DONNÉES D'ACTIVITÉ DE LABORATOIRE
POUR L'ANNÉE FINANCIÈRE DÉBUTANT LE 1^{ER} AVRIL 2022**

Périodes	Date de fin de la période financière	Date limite de transmission des données par les installations	Date limite de transmission et de validation des données dans Centralab	Commentaires
13 (2022)	2022-03-31	2022-04-23	2022-05-14	<p>Validation signifie : s'assurer de l'<u>exactitude</u> des <u>codes utilisés</u> et des <u>données d'activité inscrites</u>.</p> <p>La fermeture de l'année financière 2022-2023 sera le 15 mai 2023.</p> <p>À cette date, toutes les données contenues dans Centralab devront avoir été préalablement validées par tous les intervenants dans ce dossier.</p> <p>Une lettre signée par les codirecteurs de la grappe doit attester les données de la banque de données et doit être transmise dans l'application.</p>
1	2022-04-23	2022-05-21	2022-06-11	
2	2022-05-21	2022-06-18	2022-07-09	
3	2022-06-18	2022-07-16	2022-08-06	
4	2022-07-16	2022-08-13	2022-09-03	
5	2022-08-13	2022-09-10	2022-10-01	
6	2022-09-10	2022-10-08	2022-10-29	
7	2022-10-08	2022-11-05	2022-11-26	
8	2022-11-05	2022-12-03	2022-12-24	
9	2022-12-03	2022-12-31	2023-01-21	
10	2022-12-31	2023-01-28	2023-02-18	
11	2023-01-28	2023-02-25	2023-03-18	
12	2023-02-25	2023-03-31	2023-04-22	
13 (2023)	2023-03-31	2023-04-24	2023-05-15	

Les personnes mandatées de la grappe ont l'**obligation, à chaque période de l'année financière**, de **valider** et de **transmettre** les données d'activité de laboratoire au ministère de la Santé et des Services sociaux (Centralab).

Les données compilées de l'installation qui effectue des activités de laboratoire sont transmises aux personnes mandatées de la grappe, selon l'entente convenue préalablement avec les intervenants dans ce dossier.

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (1/2) ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Erreurs innées du métabolisme (phénylcétonurie, tyrosinémie type 1, MCADD, VLCADD, LCHADD-TFPD, ASA, GA1) Voir le tableau de tests de confirmation diagnostique pour l'appellation complète des maladies	
50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)	50802 – Dépistage néonatal d'erreurs innées du métabolisme (8 à 15 maladies)
Hypothyroïdie congénitale	
50800 – TSH sur sang séché	50641 – Thyroxine (T4) totale sur sang séché 50800 – TSH sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
Phénylcétonurie				
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
55268 – Phénylcétonurie (PKU); PAH; (séquençage, mutation individuelle)		✓		
55266 – Phénylcétonurie (PCU); PAH; (séquençage, régions codantes complètes)		✓		
Tyrosinémie type 1				
50624 – Succinylacétone (quantitatif) (GC-MS)			✓	
55314 – Quatre maladies récessives du Saguenay-Lac-Saint-Jean; (ALC-SLSJ; TH1; NSM/ACC; ARSACS) (TAAN) - recherche de mutations individuelles sur prélèvement sanguin ou liquide biologique				✓
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Acidurie argininosuccinique (ASA)				
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Déficit en acyl co-A déshydrogénase des acides gras à chaîne moyenne (MCADD)				
50417 - Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50440 – Acylglycines urinaires (LC-MS/MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
55196 – Déficit en acyl-CoA déshydrogénase à chaîne moyenne (MCAD); ACADM (Lys304Glu/Lys329Glu)		✓		
Déficit en déshydrogénase des hydroxyacyl-CoA à longue chaîne (LCHADD) / Protéine trifonctionnelle mitochondriale (TFPD)				
50417 - Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Déficit en déshydrogénase des acyl-CoA à chaîne très longue (VLCADD)				
50417 - Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
Acidurie glutarique de type 1 (GA1)				
50417 - Acylcarnitines et carnitine libre (profil sérique) (MS-MS)			✓	
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)			✓	
50433 – Acidurie glutarique de type 1 (GA-1); Dosage de l'acide 3-hydroxyglutarique sur spécimen urinaire (GC-MS)			✓	
Hypothyroïdie congénitale				
TSH sérique (régional)	✓	✓	✓	✓
T4 libre (régional)	✓	✓	✓	✓

TESTS DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL SANGUIN (sang séché) (2/2) ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CHU DE QUÉBEC – UL	
Première intention	Seconde intention/validation
Syndromes drépanocytaires majeurs	
50488 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs (HPLC)	50489 – Dépistage néonatal des syndromes drépanocytaires majeurs - test de 2 ^e intention (électrophorèse capillaire)
Fibrose kystique du pancréas	
50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché	50646 – Trypsine immunoréactive (IRT) sur sang séché 55219 – Fibrose kystique (FK); <i>CFTR</i> ; (panel de 71 mutations) sur sang séché

TESTS DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
Syndromes drépanocytaires majeurs				
20765 – Hémoglobine chromatographie	✓	✓	✓	✓
Fibrose kystique du pancréas				
30517 – Sueur (test à la) (dosage du chlorure) (titration)	✓	✓	✓	✓
	Également désignés : CISSS du Bas-Saint-Laurent, CISSS de l'Abitibi-Témiscamingue, CIUSSS du Saguenay – Lac Saint-Jean			

TEST DE DÉPISTAGE	
DÉPISTAGE NÉONATAL URINAIRE	
ÉTABLISSEMENT MANDATÉ PAR LE MSSS : CENTRE HOSPITALIER UNIVERSITAIRE DE SHERBROOKE	
Première intention	Seconde intention/validation
50490 – Dépistage néonatal maladies métaboliques sur urine (qualitatif)	50411 – Acides aminés (qualitatif)
	50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)

TEST DE CONFIRMATION DIAGNOSTIQUE	ÉTABLISSEMENTS MANDATÉS PAR LE MSSS			
	CHU SAINTE-JUSTINE	CUSM	CHUS	CHU DE QUÉBEC – UL
URINE/SÉRUM/PLASMA/SANG				
Acidurie méthylmalmonique				
50409 – Acidémie méthylmalonique + homocystéinémie, diagnostic par complémentarité cellulaire		✓		
50410 – Acidémie méthylmalonique avec homocystéinémie, dosage des cofacteurs cobalamine		✓		
50604 – Propionyl-coA-carboxylase, indice d'incorporation de propionate		✓		
55132 – Acidémie méthylmalonique avec homocystinurie; MMACHC, LMBR1D; (TAAN, mutation individuelle)		✓		
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
Acidurie propionique				
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
3-méthylcrotonyl glycinurie de type 1				
50415 – Acides organiques (analyse quantitative et qualitative)	✓		✓	
Citrullinémie classique et citrullinémie de type 2				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Syndrome triple H (hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie)				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	
Hyperargininémie				
55302 – Syndrome triple H ou syndrome de l'hyperornithinémie-hyperammoniémie-homocitrullinurie (SLC25A15: p.Phe188del)	✓			
50405 – Acide orotique	✓		✓	
50412 – Acides aminés (quantitatif)	✓	✓	✓	

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 – Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Abeille domestique (venin)	i1	√	√		√	√
Acarien (<i>Dermatophagoides farinae</i>) (mites)	D2	√	√	√	√	√
Acarien (<i>Dermatophagoides pteronyssinus</i>) (mites)	D1	√	√	√	√	√
Ail	F47	√	√	√	√	√
Alpha-lactalbumine (nBos d4 alpha-lactalbumine)	F76	√	√	√	√	
<i>Alternaria tenuis</i> (moisissures)	M6	√	√		√	√
Amande	F20	√	√	√	√	√
Arachides	F13	√	√	√	√	√
<i>Aspergillus fumigatus</i> (igE spécifique) (moisissures)	M3	√	√	√	√	√
Avoine	F7	√	√	√	√	√
Bêta-lactoglobuline (nBos d5 bêta-lactoglobuline)	F77	√	√	√	√	
Blanc d'œuf	F1	√	√	√	√	√
Blé	F4	√	√	√	√	√
Bœuf (viande)	F27	√	√	√	√	√
Bouleau	T3	√	√		√	√
Carotte	F31	√	√	√	√	√
Caséine (nBos d8 caséine)	F78	√	√	√	√	
Céleri	F85	√	√	√	√	√
Chat (squames)	E1	√	√	√	√	√
Cheval (squames)	E3	√	√	√		√
Chien (squames)	E5	√	√	√	√	√
<i>Cladosporium hebarum</i> (moisissures)	M2	√	√		√	√
Crabe	F23	√	√	√	√	√
Crevette	F24	√	√	√	√	√
Frelon à face blanche (venin)	i2	√	√		√	√
Frelon jaune (venin)	i5	√	√		√	√
Graine de sésame	F10	√	√	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 – Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Graine de tournesol	K84	√	√			√
Guêpe (poliste) (venin)	i4	√	√		√	√
Guêpe de l'est jaune	i3	√	√		√	√
Herbe à poux (herbacée)	W1	√	√		√	√
Homard	F80	√	√	√	√	√
Jaune d'œuf	F75	√	√	√	√	√
Kiwi	F84	√	√	√	√	√
Lait de vache	F2	√	√	√	√	√
Latex (allergène professionnel)	K82	√	√		√	√
Maïs	F8	√	√	√	√	√
Morue	F3	√	√	√	√	√
Moule bleue	F37	√	√	√	√	√
Noisette	F17	√	√	√	√	√
Noix de cajou	F202	√	√	√	√	√
Noix de coco	F36	√	√	√	√	√
Noix de Grenoble	F256	√	√	√	√	√
Noix de pacane	F201	√	√	√	√	√
Noix du Brésil	F18	√	√	√	√	√
Orge (farine)	F6	√	√	√	√	√
Ovalbumine (nGal d2 ovalbumine)	F232	√	√		√	√
Ovomucoïde (nGal d1 ovomucoïde)	F233	√	√		√	√
Pénicilline G	C1	√	√		√	√
Pénicilline V	C2	√	√		√	√
<i>Penicillium notatum</i> (<i>P. chrysogenum</i>)	M1	√	√		√	√
Pistache	F203	√	√	√	√	√
Pois	F12	√	√	√	√	√
Pomme	F49	√	√	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 1 – Liste des allergènes communs (code 30286)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM	CHU Sainte-Justine	CHUS	CUSM
Poussière de maison (Lab. Greer)	H1	√	√			√
Riz	F9	√	√	√	√	√
Saumon	F41	√	√	√	√	√
Seigle	F5	√	√	√	√	√
Soya	F14	√	√	√	√	√
Thon	F40	√	√	√	√	√
Truite	F204	√	√	√	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Abricot	F237		√
<i>Acacia</i> ssp. (gomme arabique)	F297	√	
<i>Acremonium kiliense</i> (<i>Cephalosporium</i>)	M202		√
Agrostide	G9	√	√
Aiglefin	F42		√
Amarante	W14	√	
Ambroisie à épi grêle	W2		√
Ananas	F210	√	√
Anchois	F313		√
Aneth	F277	√	
Anis	F271		√
Armoise commune	W6		√
Asperge	F261		√
<i>Aspergillus niger</i> (IgE spécifique) (moisissures)	M207	√	√
Aubergine	F262		√
Aulne	T2	√	√
Avocat	F96	√	√
Banane	F92	√	√
Basilic	F269	√	
Betterave	F319		√
Bleuet	F288		√
Brocoli	F260		√
Cacao (chocolat)	F93		√
Café	F221		√
Calmar	F258	√	√
Canard (plumes)	E86	√	
Canari (plumes)	E201	√	
<i>Candida albicans</i>	M5		√
Canneberge	F341		√
Cannelle	F220	√	√
Cardamone	F267	√	
Cari	F281	√	
Caroube	F296	√	

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Cèdre	T17		√
Cefaclor	C7	√	
Cerise	F242		√
Champignon	F212		√
Chataigne	F299	√	
Chêne	T7		√
Chèvre (épithélium)	E80	√	
Chlorhexidine	C8		√
Chou	F216		√
Chou-fleur	F291	√	
Choux de Bruxelles	F217	√	
Citron	F208		√
Citrouille (graine)	F226		√
Clémentine (mandarine - tangerine)	F302		√
Clou girofle	F268	√	
Cobaye (épithélium)	E6	√	
Concombre	F244		√
Coquerelle	i6		√
Coriandre	F317	√	
Cumin	F265	√	
Dactyle pelotonné (graminée)	G3	√	√
Datte	F289		√
<i>Dermatophagoides microceras</i> (acarien)	D3	√	
Dinde (plumes)	E89	√	
Dinde (viande)	F284		√
Épeautre	F124	√	
Épinard	F214		√
Érable	T1	√	√
Érable faux platane	T11		√
Escargot	F314	√	√
Estragon	F272	√	
<i>Euroglyphus maynei</i> (acarien)	D74	√	
Farine sarrazin	F11	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Fenouil	F276	√	
Fétuque des prés (graminée)	G4		√
Feuille de laurier	F278	√	
Fève de Lima	F182	√	
Flétan	F303	√	√
Fourmi rouge	i70	√	
Fraise	F44	√	√
Framboise	F343	√	√
Frêne blanc	T15		√
Fromage cheddar	F81		√
Fruit de la passion	F294		√
Sorgho d'Alep	G10		√
Gélatine	C74	√	
Genévrier	T6		√
Gingembre	F270	√	√
Gluten	F79	√	√
Gomme de guar (agar)	F246	√	
Graine de lin	F333	√	√
Graine de lupin	F335	√	
Graine de pavot	F224	√	
Gulf flounder	F147	√	
H. Ambrosie trilobée	W3		√
Hamster (épithélium)	E84	√	
Hareng	F205		√
Haricot blanc	F15	√	√
Haricot rouge	F287	√	√
Haricot vert	F315	√	√
<i>Helminthosporium halodes</i> (moisissure)	M8		√
Hêtre	t5		√
Houblon cône	F324	√	
Huître	F290	√	√
Isocyanate TDI (allergène professionnel)	K75	√	
Ivraie (graminée)	G5		√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Lait de chèvre	F300	√	√
Laitue	F215		√
Langouste	F304	√	√
Lapin (épithélium)	E82	√	
Lapin (viande)	F213	√	
Lapin (urine)	E211	√	
Lentille	F235	√	√
<i>Lepidoglyphus destructor</i> (acarien)	D71	√	
Levure (bière)	F45	√	
Malt	F90	√	
Mangue	F91	√	√
Maquereau	F206	√	
Marjolaine	F274	√	
Melon (miel, cantaloup)	F87		√
Melon d'eau (pastèque)	F329		√
Menthe	F332	√	
Miel	F247		√
Moustique	i71		√
Moutarde	F89	√	√
Mouton (viande)	F88		√
Mouton (épithélium)	E81	√	
Mouton (lait)	F325	√	√
<i>Mucor racemosus</i> (moisissure)	M4		√
Mûre	F211		√
Noisetier	T4		√
Noix de macadam	F345	√	√
Noix de muscade	F282		√
Noyer	T10		√
Oie (plumes)	E70		√
Oignon	F48	√	
Olive noire	F342		√
Olivier européen	T9		√
Orange	F33	√	√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Origan	F283	√	
Orme	T8		√
Oxyde éthylène	K78	√	
Palourde	F207	√	√
Pamplemousse	F209		√
Papaye	F293		√
Paprika (piment doux)	F218	√	
Paturin des prés (graminée)	G8	√	√
Pêche	F95	√	√
<i>Penicillium frequentans</i>	M209		√
Perroquet (plumes)	E213	√	
Perruche (plumes)	E78	√	
Persil	F86	√	
Petite bardane (lampourde)	W13		√
Pétoncle	F338	√	√
Peuplier	T14		√
Phléole des prés (graminée)	G6	√	√
Pignon de pin	F253	√	√
Pin blanc	T16		√
Pissenlit (herbacée)	W8		√
Plantain lancéolé (herbacée)	W9		√
Poire	F94		√
Pois chiche	F309	√	√
Poivre noir	F280	√	
Poivre vert	F263		√
Pomme de terre	F35		√
Porc (épithélium)	E83	√	
Porc (viande)	F26	√	√
Poulet (viande)	F83	√	√
Poulet (plumes)	E85	√	
Poulpe	F59		√
Poussière de maison (Lab. Hollister-Stier)	H2		√
Prune	F255		√

Légende :
Allergènes alimentaires
Allergènes environnementaux

Tableau 2 – Liste des allergènes occasionnels (code 30287)

Allergènes	Codes	CHU de Québec – UL	CHUM
Quinoa	F347		√
Raisin	F259		√
Rat (épithélium + protéines sériques + protéines urinaires)	E87	√	
Rat (épithélium)	E73	√	
Rat (urine)	E74	√	
<i>Rhizopus nigricans</i>	M11		√
Roselin (plumes)	E214	√	
Sardine	F61		√
Saule	T12		√
Sole	F337	√	√
Souris	E88	√	
Souris (urine)	E71	√	
Souris (urine)	E72	√	
Sperme (IgE spécifique)	o70		√
Taon	i204	√	
Thé	F222		√
Thym	F273	√	
Tiliapia	F414		√
Tilleul	T208		√
Tomate	F25	√	√
Vache (squames)	E4		√
Vanille	F234	√	
Verge d'or (herbacée)	W12		√

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002445	Phénotype f	002543	Phénotype CE
002449	Phénotype G	002547	Phénotype CEAG
001564	Phénotype Js(a)	002550	Phénotype CELO
001565	Phénotype Js(b)	002554	Phénotype CENR
001537	Phénotype Do(a)	002558	Phénotype CEST
001538	Phénotype Do(b)	002562	Phénotype C(G)
002465	Phénotype ABTI	002566	Phénotype Ch1
002469	Phénotype ALe(b)	002570	Phénotype Ch2
002473	Phénotype An(a)	002574	Phénotype Ch3
001575	Phénotype AnWj	002578	Phénotype Ch4
002480	Phénotype At(a)	002582	Phénotype Ch5
002484	Phénotype Au(a)	002586	Phénotype Ch6
002488	Phénotype Au(b)	002590	Phénotype Cl(a)
002492	Phénotype BARC	002594	Phénotype c-like
002496	Phénotype Be(a)	002598	Phénotype Co3
002503	Phénotype Bi	002602	Phénotype Co4
002507	Phénotype BLe(b)	001533	Phénotype Co(a)
002511	Phénotype BOW	001534	Phénotype Co(b)
002515	Phénotype Bp(a)	002612	Phénotype Chr(a)
002519	Phénotype Bx(a)	002616	Phénotype Cr(a)
002523	Phénotype By	002620	Phénotype CRAM
002527	Phénotype Can	002624	Phénotype Crawford
002531	Phénotype CD99	002628	Phénotype CROV
002535	Phénotype Ce	002632	Phénotype CROZ
002539	Phénotype cE	001569	Phénotype Cs(a)

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
002639	Phénotype Cs(b)	002736	Phénotype ENKT
002643	Phénotype C(x)	002740	Phénotype Er3
002647	Phénotype DAK	001540	Phénotype Er(a)
002651	Phénotype DANE	001541	Phénotype Er(b)
002655	Phénotype Dantu	002750	Phénotype ERIK
002659	Phénotype Dav	002754	Phénotype Es(a)
002663	Phénotype Dh(a)	002758	Phénotype Evans
001535	Phénotype Di(a)	002762	Phénotype E(W)
001536	Phénotype Di(b)	002766	Phénotype Far
002673	Phénotype DISK	002770	Phénotype FORS
002677	Phénotype DOLG	002774	Phénotype FPTT
002681	Phénotype DOMR	002778	Phénotype Fr(a)
002685	Phénotype DOYA	002782	Phénotype Fy3
002689	Phénotype Dr(a)	002786	Phénotype Fy5
002693	Phénotype DSLK	002790	Phénotype Fy6
002697	Phénotype Duclos	002794	Phénotype Ge2
002701	Phénotype D(W)	002798	Phénotype Ge3
002705	Phénotype ELO	002802	Phénotype Ge4
002709	Phénotype Emm	002806	Phénotype GEAT
001539	Phénotype En(a)	002810	Phénotype GEIS
002716	Phénotype ENAV	002814	Phénotype GEPL
002720	Phénotype ENDA	002818	Phénotype GETI
002724	Phénotype ENEH	002822	Phénotype GIL
002728	Phénotype ENEP	002826	Phénotype Go(a)
002732	Phénotype ENEV	002830	Phénotype GUTI

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001543	Phénotype Gy(a)	002936	Phénotype JAHK
002837	Phénotype H	002940	Phénotype JAL
002845	Phénotype HAG	002944	Phénotype Je(a)
002849	Phénotype He	002948	Phénotype JFV
002853	Phénotype Hg(a)	002952	Phénotype Jk3
002857	Phénotype Hil	002956	Phénotype JMH
002861	Phénotype HJK	002960	Phénotype JMHG
002865	Phénotype HOFM	002964	Phénotype JMHK
002869	Phénotype Hop	002968	Phénotype JMHL
002873	Phénotype Hr	002972	Phénotype JMHM
002877	Phénotype Hr0	002976	Phénotype JMHQ
002881	Phénotype Hr(B)	002980	Phénotype Jn(a)
002885	Phénotype hr(B)	002984	Phénotype Jo(a)
002889	Phénotype hr(H)	002988	Phénotype JONES
002893	Phénotype hr(s)	001547	Phénotype Jr(a)
002897	Phénotype Hu	001550	Phénotype K11
002901	Phénotype Hut	002998	Phénotype K12
001544	Phénotype Hy	003002	Phénotype K13
002908	Phénotype I	003004	Phénotype K14
002912	Phénotype i	003008	Phénotype K16
002916	Phénotype IFC	003012	Phénotype K17
002920	Phénotype In(a)	003016	Phénotype K18
002924	Phénotype In(b)	003019	Phénotype K19
002928	Phénotype INF1	003023	Phénotype K22
002932	Phénotype INJA	003027	Phénotype K23

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003031	Phénotype K24	003129	Phénotype LKE
003035	Phénotype KALT	003133	Phénotype LOCR
003039	Phénotype KANT	003137	Phénotype Ls(a)
003043	Phénotype KASH	003141	Phénotype Lu11
003047	Phénotype KCAM	001553	Phénotype Lu12
003051	Phénotype KELP	003148	Phénotype Lu13
003055	Phénotype KETI	003152	Phénotype Lu14
003059	Phénotype Kg	003156	Phénotype Lu16
003063	Phénotype KHUL	001554	Phénotype Lu17
003067	Phénotype Km	003163	Phénotype Lu20
001571	Phénotype Kn(a)	003167	Phénotype Lu21
003074	Phénotype Kn(b)	003171	Phénotype Lu3
003078	Phénotype Kp(c)	003175	Phénotype Lu4
003082	Phénotype KREP	003179	Phénotype Lu5
003086	Phénotype KTIM	001551	Phénotype Lu6
003090	Phénotype Ku	003186	Phénotype Lu7
003094	Phénotype KUCI	001552	Phénotype Lu8
003098	Phénotype Kx	003193	Phénotype Lu9
003102	Phénotype KYO	003197	Phénotype LURC
001556	Phénotype Lan	001531	Phénotype Lw(a)
003109	Phénotype Le(ab)	003204	Phénotype Lw(ab)
003113	Phénotype Le(bH)	001532	Phénotype Lw(b)
003117	Phénotype Le(c)	003211	Phénotype M1
003121	Phénotype Le(d)	003215	Phénotype MAM
003125	Phénotype Li(a)	003219	Phénotype MAR

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003223	Phénotype MARS	003321	Phénotype OKVM
003227	Phénotype M(c)	003325	Phénotype OI(a)
001572	Phénotype McC(a)	003329	Phénotype Or
003234	Phénotype McC(b)	003333	Phénotype Os(a)
003238	Phénotype M(e)	003337	Phénotype P
003242	Phénotype MER2	001558	Phénotype PEL
003246	Phénotype M(g)	003344	Phénotype P(k)
003250	Phénotype Mi(a)	003348	Phénotype PP1P(k)
003254	Phénotype Milne	003352	Phénotype Pt(a)
003258	Phénotype MINY	003356	Phénotype PX2
003262	Phénotype Mit	003360	Phénotype RASM
003266	Phénotype MNTD	003364	Phénotype RAZ
003270	Phénotype Mo(a)	003368	Phénotype Rb(a)
003274	Phénotype Mt(a)	003372	Phénotype Rd
003278	Phénotype Mur	003376	Phénotype Re(a)
003282	Phénotype MUT	003380	Phénotype REIT
003285	Phénotype M(v)	003384	Phénotype Rg1
003289	Phénotype "N"	003388	Phénotype Rg2
003293	Phénotype NFLD	003392	Phénotype Rh29
003297	Phénotype Nob	003396	Phénotype Rh32
003301	Phénotype NOR	003400	Phénotype Rh33
003305	Phénotype Nou	003404	Phénotype Rh35
003309	Phénotype Ny(a)	003408	Phénotype Rh39
003313	Phénotype Ok(a)	003412	Phénotype Rh41
003317	Phénotype OKGV	003416	Phénotype Rh42

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
003420	Phénotype RHAG4	003517	Phénotype Tc(a)
003424	Phénotype Ri(a)	003521	Phénotype Tc(b)
003428	Phénotype Riv	003525	Phénotype Tc(c)
003432	Phénotype SARA	003529	Phénotype Tm
003436	Phénotype SAT	003533	Phénotype To(a)
001560	Phénotype Sc1	003537	Phénotype TOU
001561	Phénotype Sc2	003541	Phénotype Tr(a)
003446	Phénotype Sc3	003545	Phénotype TSEN
003450	Phénotype SCAN	001511	Phénotype U
003454	Phénotype SCER	003553	Phénotype UI(a)
003458	Phénotype s(D)	003557	Phénotype UMC
001573	Phénotype Sd(a)	003561	Phénotype V
003465	Phénotype Sec	001529	Phénotype Vel
003469	Phénotype SERF	003568	Phénotype Vg(a)
003473	Phénotype Sext	003572	Phénotype VLAN
003477	Phénotype Sj	003576	Phénotype VONG
003481	Phénotype SI(a)	003580	Phénotype Vr
003485	Phénotype Vil	003584	Phénotype VS
003489	Phénotype SI3	003588	Phénotype Vw
003493	Phénotype St(a)	003592	Phénotype WARR
003497	Phénotype STAR	003596	Phénotype Wb
003501	Phénotype STEM	003600	Phénotype Wd(a)
003505	Phénotype SW1	003604	Phénotype WES(a)
003509	Phénotype Sw(a)	003608	Phénotype WES(b)
003513	Phénotype Tar	003612	Phénotype WH

Code H-Q	Libellé	Code H-Q	Libellé
001528	Phénotype Wr(b)		
003622	Phénotype Wu		
001566	Phénotype Xg(a)		
001570	Phénotype Yk(a)		
001562	Phénotype Yt(a)		
001563	Phénotype Yt(b)		
003638	Phénotype ZENA		



22-922-02W